

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 特許公報(B2)

(11) 特許番号

特許第4090092号
(P4090092)

(45) 発行日 平成20年5月28日(2008.5.28)

(24) 登録日 平成20年3月7日(2008.3.7)

(51) Int.Cl.	F 1
C 12 N 15/09	(2006.01) C 12 N 15/00 Z N A A
A 01 K 67/027	(2006.01) A 01 K 67/027
C 07 K 14/525	(2006.01) C 07 K 14/525
C 07 K 16/24	(2006.01) C 07 K 16/24
C 12 N 5/10	(2006.01) C 12 N 5/00 B

請求項の数 15 (全 103 頁) 最終頁に続く

(21) 出願番号	特願平9-192119	(73) 特許権者	000002934 武田薬品工業株式会社 大阪府大阪市中央区道修町四丁目1番1号
(22) 出願日	平成9年7月17日(1997.7.17)	(74) 代理人	100092783 弁理士 小林 浩
(65) 公開番号	特開平10-271997	(74) 代理人	100095360 弁理士 片山 英二
(43) 公開日	平成10年10月13日(1998.10.13)	(74) 代理人	100093676 弁理士 小林 純子
審査請求日	平成16年7月1日(2004.7.1)	(72) 発明者	西 一紀 茨城県つくば市並木4丁目16番1号 ガ ーデンヒルズ並木402号
(31) 優先権主張番号	特願平8-191204	(72) 発明者	引地 由紀子 茨城県つくば市松代4丁目21番地2 シ ャレール松代1号棟504
(32) 優先日	平成8年7月19日(1996.7.19)		
(33) 優先権主張国	日本国(JP)		
(31) 優先権主張番号	特願平8-211695		
(32) 優先日	平成8年8月9日(1996.8.9)		
(33) 優先権主張国	日本国(JP)		
(31) 優先権主張番号	特願平9-19330		
(32) 優先日	平成9年1月31日(1997.1.31)		
(33) 優先権主張国	日本国(JP)		

前置審査

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】新規Fasリガンド様タンパク質およびそのDNA

(57) 【特許請求の範囲】

【請求項1】

配列番号：1のアミノ酸配列を含むタンパク質またはその塩。

【請求項2】

配列番号：1のアミノ酸配列からなるタンパク質またはその塩。

【請求項3】

アポトーシス誘導活性を有するタンパク質である請求項1または2記載のタンパク質。

【請求項4】

細胞障害活性を有するタンパク質である請求項1または2記載のタンパク質。

【請求項5】

請求項1記載のタンパク質をコードする塩基配列を含むDNAを含有するDNA。

【請求項6】

配列番号：4～配列番号：6のいずれかの配列番号の塩基配列を含む請求項5記載のDNA。

【請求項7】

請求項5記載のDNAを含有する組換えベクター。

【請求項8】

請求項7記載の組換えベクターで形質転換された形質転換体。

【請求項9】

請求項8記載の形質転換体を培養し、請求項1記載のタンパク質を生成、蓄積せしめ、こ

10

20

れを採取することを特徴とする請求項 1 記載のタンパク質またはその塩の製造方法。

【請求項 1 0】

請求項 1 記載のタンパク質またはその塩に対する抗体。

【請求項 1 1】

外来性の請求項 5 記載の DNA またはその変異 DNA を有することを特徴とする非ヒト哺乳動物。

【請求項 1 2】

請求項 5 記載の DNA が不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞。

【請求項 1 3】

請求項 5 記載の DNA が不活性化された該 DNA 発現不全非ヒト哺乳動物。 10

【請求項 1 4】

該 DNA がレポーター遺伝子を導入することにより不活性化され、該レポーター遺伝子が請求項 5 記載の DNA に対するプロモーターの制御下で発現する請求項 1 3 記載の非ヒト哺乳動物。

【請求項 1 5】

請求項 1 4 記載の非ヒト哺乳動物に試験化合物を投与し、レポーター遺伝子の発現を検出することを特徴とする請求項 5 記載の DNA に対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法。

【発明の詳細な説明】

【0 0 0 1】 20

【発明の属する技術分野】

本発明は、新規な Fas リガンド様タンパク質およびその DNA に関する。

【0 0 0 2】

【従来の技術】

多細胞生物は、その恒常性を保つために細胞の増殖と死を巧妙にコントロールしている。個体発生の過程では、多くの細胞が細胞死によって除去され、また、成体においても臓器、組織を構成する細胞は常に増殖と死のバランスを保ちながら、その機能を維持している。こうした際の細胞死は、予め予定された死、"Programmed Cell Death" であるとされており、物理的・化学的要因で不慮に起こる細胞死であるネクローシス (Necrosis、壊死) とは形態学的に明確に区別されたアポトーシス (Apoptosis) の過程を経て起こることが知られている。アポトーシスによる細胞死の特徴は、細胞膜の湾曲、核の凝縮や断片化が起こり、最終的にマクロファージのような貪食細胞によって取り込まれ、再利用される機構として論じられている (INTERNATIONAL REVIEW OF CYTOLOGY) 68, 251-306, 1980)。

これまでにアポトーシスが関与する多くの生理的、病理的現象が明らかにされてきており、細胞のアポトーシスを誘導あるいは抑制することにより、各種疾患の診断、予防および治療を図る試みも盛んに行われている (サイエンス (SCIENCE) 267, 1456-1462, 1995)。アポトーシスは当業界で特に注目されている生命現象の一つである。

【0 0 0 3】

アポトーシスは種々の生理的条件下で誘導されるが、中でも Fas 抗原 (CD95, AP0-1) は免疫系の細胞に死を誘導する分子として近年注目を集めている (サイエンス (SCIENCE) 267, 1449-1456, 1995)。Fas 抗原は分子量 45 kDa の TNF (腫瘍細胞壞死因子, tumor necrosis factor) レセプターファミリーに属する I 型膜タンパク質であり、Fas リガンドと結合することにより、細胞死を誘導する。Fas 抗原の発現が各種血球系細胞や、肝臓、心臓、小腸など多くの組織や細胞で見られるのに対して、分子量 40 kDa の II 型膜タンパク質である Fas リガンドの発現は活性化 T リンパ球やナチュラルキラー (NK) 細胞、マクロファージ、精巣、角膜などに限られる。最近、マウスにおける遺伝子の解析から、Fas 抗原遺伝子は、lpr (lymphoproliferation) マウスと呼ばれる自己免疫疾患発症マウスにおいて変異が起きている lpr 構造遺伝子そのものであること、また lpr マウスと同様の症状を呈する gld (generalized-lymphoprolif 40 50

erative disease) マウスでは Fas リガンドに変異が起きていることが明らかにされた。ヒトにおいても Fas 抗原遺伝子に変異を有する自己免疫疾患患者が報告されており、Fas / Fas リガンド系の機能不全が自己免疫疾患を惹起することが強く示唆されている (サイエンス (SCIENCE) 268, 1347-1349, 1995)。

また、ヒト Fas リガンドがマトリックスメタロプロテイナーゼ (matrix metalloproteinase) により切断され、可溶型 Fas リガンドとして遊離されうることが判明し、Fas リガンドが細胞間の接触による相互作用だけでなく、より広範に免疫応答を調節している可能性も示唆されている (ジャーナル・オブ・エクスペリメンタル・メディシン (JOURNAL OF EXPERIMENTAL MEDICINE) 182, 1777-1783, 1995)。

【0004】

Fas リガンド以外にも、多彩な生物活性を有する TNF ファミリーに属するタンパク質の中で、TNF-α、リンホトキシン-α (Lymphotoxin-α、LT-α) およびリンホトキシン-β (Lymphotoxin-β、LT-β) にアポトーシスを誘導する活性があることが報告されている (ザ・ニュー・イングランド・ジャーナル・オブ・メディシン (THE NEW ENGLAND JOURNAL OF MEDICINE) 334, 1717-1725, 1996)。TNF-α は腫瘍壊死活性を持った因子として 1975 年に発見されたが、最近では、むしろ炎症反応のメディエーターとしての免疫機能の賦活因子として、またウイルス感染や細菌感染をはじめ種々の侵襲に対する防御因子としての作用の重要性が認識されてきている。また、LT-β は当初、リンパ球が産生する細胞傷害因子として報告され、TNF-α と同様にホモ三量体を形成し、55kDa と 75kDa の 2 つの TNF レセプターに結合し、B リンパ球の増殖促進以外は活性の強弱はあるものの TNF と同様な生物活性スペクトラムを示す。LT-β は LT-α と相同性の高い分子量 33kDa の膜結合型タンパク質で、LT-β とヘテロ三量体を形成し、2 種の TNF レセプターとは異なる新たに見いだされた LT-β レセプターに結合し、リンパ節形成という TNF、LT-β 三量体にはない生物活性を有する。また最近、アポトーシス誘導活性を有しあつ Fas リガンドと相同性が高い分子 (APO-2L / TRAIL) が新たに発見され、本タンパク質が TNF レセプターや Fas 抗原とは異なる別のレセプター DR4 に結合して細胞傷害活性を発揮することが示されている (ザ・ジャーナル・オブ・バイオロジカル・ケミストリー (THE JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY) 271, 12687-12690, 1996; サイエンス (SCIENCE), 276, 111-113, 1997)。

従って、このようなリガンド、レセプターの発現特異性が異なるお互いの TNF (TNF レセプター) ファミリーのタンパク質間でも、アポトーシス誘導活性における生理的に明確な機能分担があることが考えられる。

【0005】

最近、アポトーシスと疾病との関連性について詳細な報告がされている (日本臨床、第 54 卷、第 7 号、1996 年 7 月 1 日発行)。例えば、アポトーシス減少に起因する疾患としては、癌 (例、乳癌、前立腺癌、卵巣癌、ろ胞性リンパ球腫、p53 変異を伴う癌)、ウイルス感染 (例、ヘルペスウイルス感染、アデノウイルス感染、ボックスウイルス感染)、自己免疫性疾患 (例、全身性エリテマトーデス、免疫関連糸球体腎炎) が例示されており、一方、アポトーシス増加に起因する疾患としては、エイズ、神経変性疾患 (例、アルツハイマー病、パーキンソン病、筋萎縮性側索硬化症、色素性網膜炎、小脳変性)、骨髄異形成疾患 (例、再生不良性貧血)、虚血性疾患 (例、心筋梗塞、脳卒中)、中毒性肝疾患 (例、アルコール) が例示されている。

【0006】

【発明が解決しようとする課題】

本発明は、新規 Fas リガンド様タンパク質、その部分ペプチドまたはその塩、該タンパク質をコードする DNA、組換えベクター、形質転換体、該タンパク質の製造法、該タンパク質または DNA を含有する医薬、該タンパク質に対する抗体、レセプターアゴニスト / アンタゴニストのスクリーニング方法並びにスクリーニング用キット、該スクリーニングで得られるレセプターアゴニスト / アンタゴニスト並びにその医薬、該タンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進 / 阻害する化合物のスクリーニング方法並びにスクリ

10

20

30

40

50

ーニング用キット、該スクリーニングで得られる化合物並びにその医薬、該タンパク質と該タンパク質が結合し得るレセプターとの結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物のクリーニング方法並びにスクリーニング用キット、該スクリーニングで得られる化合物並びにその医薬等を提供することを目的とする。

【0007】

【課題を解決するための手段】

新たなFasリガンド様タンパク質の単離は、TNFファミリー、TNFレセプターファミリーを介した新たなアポトーシス経路を明らかにし、またそれが臓器あるいは細胞特異的に発現していれば、臓器別各種疾患とアポトーシスとの関連について、一層詳細な究明を可能にし、新たなFasリガンド様タンパク質に対して阻害活性あるいは促進活性を発揮し、種々の疾患の予防や治療に役立つ新たな医薬品の開発ができる。10

本発明者らは、鋭意研究を重ねた結果、ヒト肝臓、マウス胚およびラット肝臓由来cDNAライブラリーからそれぞれ新規な塩基配列を有するcDNAをクローニングすることに成功した。そして、本発明者らは、得られたcDNAにコードされるタンパク質が有用なFasリガンド様タンパク質であることを見いだし、これらの知見に基づいて、さらに検討を重ねた結果、本発明を完成するに至った。

【0008】

すなわち、本発明は、

(1) 配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を有するタンパク質またはその塩、20

(2) 配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列が、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第8～21番目、第55～59番目、第93～102番目、第109～116番目、第118～126番目、第128～134番目、第144～149番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第193～213番目、第215～219番目および第228～239番目のアミノ酸配列を有するアミノ酸配列である第(1)項記載のタンパク質、

(3) アポトーシス誘導活性を有するタンパク質である第(1)項または第(2)項記載のタンパク質、

(4) 第(1)項記載のタンパク質の部分ペプチドまたはその塩、30

(5) 第(1)項記載のタンパク質をコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、

(6) 配列番号：4～配列番号：10のいずれかの配列番号で表わされる塩基配列を有する第(5)項記載のDNA、

(7) 第(5)項記載のDNAを含有する組換えベクター、

(8) 第(7)項記載の組換えベクターで形質転換された形質転換体、

(9) 第(8)項記載の形質転換体を培養し、第(1)項記載のタンパク質を生成、蓄積せしめ、これを採取することを特徴とする第(1)項記載のタンパク質またはその塩の製造方法、

(10) 第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を含有してなる医薬、40

(11) 第(5)項記載のDNAを含有してなる医薬、

(12) 癌、ウイルス感染症、ヘルコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、骨疾患、動脈硬化症または痛みの治療・予防剤である第(10)項または第(11)項記載の医薬、

(13) 第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩に対する抗体、

【0009】

(14) 第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を用いることを特徴とする、第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチ50

ドまたはそれらの塩と第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターとの結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(15) 第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を含有する、第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩と第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターとの結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング用キット、

(16) 第(14)項記載のスクリーニング方法または第(15)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩と第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターとの結合性を変化させる化合物またはその塩、

(17) 第(14)項記載のスクリーニング方法または第(15)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩と第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターとの結合性を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬、

(18) 第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を用いることを特徴とする第(1)項記載のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(19) 第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を含有する、第(1)項記載のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング用キット、

(20) 第(18)項記載のスクリーニング方法または第(19)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、第(1)項記載のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する化合物またはその塩、

(21) 第(18)項記載のスクリーニング方法または第(19)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる第(1)項記載のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する化合物またはその塩を含有してなる医薬、

【0010】

(22) 第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を用いることを特徴とする、第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩と第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターとの結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩のクリーニング方法、

(23) 第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を含有する、第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩と第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターとの結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング用キット、

(24) 第(22)項記載のスクリーニング方法または第(23)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩と第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターとの結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩、

(25) 第(22)項記載のスクリーニング方法または第(23)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる第(1)項記載のタンパク質、第(4)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩と第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターとの結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩を含有してなる医薬、

(26) 外来性の第(5)項記載のDNAまたはその変異DNAを有することを特徴とする非ヒト哺乳動物、

(27) 第(5)項記載のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞、

(28) 第(5)項記載のDNAが不活性化された該DNA発現不全非ヒト哺乳動物、

(29) 該DNAがレポーター遺伝子を導入することにより不活性化され、該レポーター遺伝子が第(5)項記載のDNAに対するプロモーターの制御下で発現し得る第(28)項記載の非ヒト哺乳動物、

10

20

30

40

50

(30) 第(29)項記載の非ヒト哺乳動物に試験化合物を投与し、レポーター遺伝子の発現を検出することを特徴とする第(5)項記載のDNAに対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(31) 第(30)項記載のスクリーニング方法を用いて得られる、第(5)項記載のDNAに対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物またはその塩、および

(32) 第(30)項記載のスクリーニング方法を用いて得られる第(5)項記載のDNAに対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物またはその塩を含有してなる医薬。

【0011】

また、本発明は、

10

(1) 配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を有するタンパク質またはその塩、

(2) 配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列が、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第8～21番目、第55～59番目、第93～102番目、第109～116番目、第118～126番目、第128～134番目、第144～149番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第193～213番目、第215～219番目および第228～239番目のアミノ酸配列を有するアミノ酸配列である第(1)項記載のタンパク質、

(3) 配列番号：1または配列番号：2で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列が、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第8～21番目、第54～59番目、第93～102番目、第109～116番目、第118～126番目、第128～134番目、第144～149番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第193～213番目、第215～219番目および第228～240番目のアミノ酸配列を有するアミノ酸配列である第(1)項記載のタンパク質、

20

(4) アポトーシス誘導活性を有するタンパク質である第(1)項～第(3)項のいずれかに記載のタンパク質、

(5) 第(1)項記載のタンパク質の部分ペプチドまたはその塩、

(6) 第(1)項記載のタンパク質をコードする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、

30

(7) 配列番号：4～配列番号：10のいずれかの配列番号で表わされる塩基配列を有する第(6)項記載のDNA、

(8) 第(6)項記載のDNAを含有する組換えベクター、

(9) 第(8)項記載の組換えベクターで形質転換された形質転換体、

(10) 第(9)項記載の形質転換体を培養し、第(1)項記載のタンパク質を生成、蓄積せしめ、これを採取することを特徴とする第(1)項記載のタンパク質またはその塩の製造方法、

(11) 第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を含有してなる医薬、

(12) 癌、ウイルス感染症、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、骨疾患、動脈硬化症または痛みの治療・予防剤である第(11)項記載の医薬、

40

(13) 第(6)項記載のDNAを含有してなる医薬、

(14) 癌、ウイルス感染症、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、骨疾患、動脈硬化症または痛みの治療・予防剤である第(13)項記載の医薬、

(15) 第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩に対する抗体、

【0012】

(16) (i) 第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターまたはその部分ペプ

50

チドに、第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を接触させた場合と、(ii)該レセプターまたはその部分ペプチドに、第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩および試験化合物を接触させた場合における、該レセプターまたはその部分ペプチドと第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩との結合量を測定し、比較することを特徴とする、第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩とレセプターとの結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(17)(i)第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターを含有する細胞またはその細胞膜画分に、第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を接触させた場合と、(ii)該レセプターを含有する細胞またはその細胞膜画分に、第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩および試験化合物を接触させた場合における、該レセプターを含有する細胞またはその細胞膜画分と第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩との結合量を測定し、比較することを特徴とする、第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩とレセプターとの結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(18)(i)第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターを含有する細胞に、第(1)項記載のタンパク質を含有する細胞を接触させた場合と、(ii)該レセプターを含有する細胞に、第(1)項記載のタンパク質を含有する細胞および試験化合物を接触させた場合における、該レセプターを含有する細胞におけるアポトーシス誘導活性または細胞傷害活性を測定して、比較することを特徴とする第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩とレセプターとの結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(19)第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を含有する、第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターと第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング用キット、

(20)第(16)項～第(18)項のいずれかに記載のスクリーニング方法または第(19)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターと第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩との結合性を変化させる化合物またはその塩、

(21)第(16)項～第(18)項のいずれかに記載のスクリーニング方法または第(19)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターに対するアゴニストを含有してなる医薬、

(22)癌、ウイルス感染、ヘルコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、骨疾患、動脈硬化症または痛みの治療・予防剤である第(21)項記載の医薬、

(23)第(16)項～第(18)項のいずれかに記載のスクリーニング方法または第(19)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターに対するアンタゴニストを含有してなる医薬、

(24)エイズ、神経変性疾患、骨髄異形成疾患、虚血性疾患、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患、心筋症、糖尿病、糖尿病性合併症、インフルエンザ感染、糸球体腎炎または潰瘍性大腸炎の治療・予防剤である第(23)項記載の医薬、

【0013】

(25)(i)第(1)項記載のタンパク質またはその塩を分解するプロテイナーゼ(ただし、第(1)項記載のタンパク質を含有する細胞が、該タンパク質を分解する活性を有する細胞外プロテイナーゼを産生・分泌する場合は、該細胞が産生・分泌する該細胞外プロテイナーゼでもよい)の存在下で第(1)項記載のタンパク質を含有する細胞を培養して得られる培養上清と、レセプターを含有する細胞とを接触させた場合と、(ii)第(1)

10

20

30

40

50

) 項記載のタンパク質を分解するプロテイナーゼ(ただし、第(1)項記載のタンパク質を含有する細胞が、第(1)項記載のタンパク質を分解する活性を有する細胞外プロテイナーゼを產生・分泌する場合は、該細胞が產生・分泌する該細胞外プロテイナーゼでもよい)および試験化合物の存在下で第(1)項記載のタンパク質を含有する細胞を培養して得られる培養上清と、レセプターを含有する細胞とを接触させた場合における、レセプターを介する細胞刺激活性、またはレセプターを含有する細胞のアポトーシスもしくは細胞傷害を測定または観察して、比較することを特徴とする第(1)項記載のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(26) 第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を含有する、第(1)項記載のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング用キット、 10

(27) 第(25)項記載のスクリーニング方法または第(26)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる第(1)項記載のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する化合物またはその塩、

(28) 第(25)項記載のスクリーニング方法または第(26)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる第(1)項記載のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進する化合物またはその塩を含有してなる医薬、

(29) 癌、ウイルス感染、ヘルコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、骨疾患、動脈硬化症または痛みの治療・予防剤である第(28)項記載の医薬 20

、
(30) 第(25)項記載のスクリーニング方法または第(26)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる第(1)項記載のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を阻害する化合物またはその塩を含有してなる医薬、

(31) エイズ、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎または自己免疫性疾患の治療・予防剤である第(30)項記載の医薬、

【0014】

(32) (i) 第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターを含有する細胞に、第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を接触させた場合と、(ii) 該レセプターを含有する細胞に、第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩および試験化合物を接触させた場合における、該レセプターと第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩との結合後の細胞内シグナル伝達を測定し、比較することを特徴とする、第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターと第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩との結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩のクリーニング方法、 30

(33) (i) 第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターを含有する細胞に、第(1)項記載のタンパク質を含有する細胞を接触させた場合と、(ii) 該レセプターを含有する細胞に、第(1)項記載のタンパク質を含有する細胞および試験化合物を接触させた場合において、該レセプターと第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩との結合後の細胞内シグナル伝達を測定し、比較することを特徴とする、第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターと第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩との結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩のクリーニング方法、 40

(34) 第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を含有する、第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターと第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩との結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング用キット、

(35) 第(32)項または第(33)項記載のスクリーニング方法または第(34)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、第(1)項記載のタンパク質が結合し 50

得るレセプターと第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩との結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩、(36)第(32)項または第(33)項記載のスクリーニング方法または第(34)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターと第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩との結合後の細胞内シグナル伝達を促進する化合物またはその塩を含有してなる医薬、

(37)癌、ウイルス感染、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、骨疾患、動脈硬化症または痛みの治療・予防である第(36)項記載の医薬、(38)第(32)項または第(33)項記載のスクリーニング方法または第(34)項記載のスクリーニング用キットを用いて得られる、第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターと第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩との結合後の細胞内シグナル伝達を阻害する化合物またはその塩を含有してなる医薬、

(39)エイズ、神経変性疾患、骨髄異形成疾患、虚血性疾患、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患、心筋症、糖尿病、糖尿病性合併症、インフルエンザ感染、糸球体腎炎または潰瘍性大腸炎の治療・予防剤である第(38)項記載の医薬、

【0015】

(40)ヒトまたは哺乳動物に第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩を有効量投与することを特徴とするヒトまたは哺乳動物における癌、ウイルス感染、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、自己免疫性疾患、骨疾患、動脈硬化症または痛みを治療または予防する方法、

(41)ヒトまたは哺乳動物に第(6)項記載のDNAを有効量投与することを特徴とするヒトまたは哺乳動物における癌、ウイルス感染、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、骨疾患、動脈硬化症または痛みを治療または予防する方法、

(42)癌、ウイルス感染、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、骨疾患、動脈硬化症または痛みの治療・予防剤を製造するための第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩の使用、

(43)癌、ウイルス感染、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、骨疾患、動脈硬化症または痛みの治療・予防剤を製造するための第(6)項記載のDNAの使用、

(44)外来性の第(6)項記載のDNAまたはその変異DNAを有することを特徴とする非ヒト哺乳動物、

(45)非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第(44)項記載の非ヒト哺乳動物、

(46)ゲッ歯動物がマウスである第(44)項記載の非ヒト哺乳動物、

(47)DNAが配列番号：9で表わされる塩基配列を有するDNA(マウス由来ゲノムDNA)である第(46)項記載の非ヒト哺乳動物、

(48)外来性の第(6)項記載のDNAまたはその変異DNAを含有し、非ヒト哺乳動物において発現し得る組換えベクター、

(49)DNAが配列番号：9で表わされる塩基配列を有するDNA(マウス由来ゲノムDNA)である第(48)項記載の組換えベクター、

(50)第(6)項記載のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞、

(51)該DNAがレポーター遺伝子(例、大腸菌由来-ガラクトシダーゼ遺伝子)を導入することにより不活性化された第(50)項記載の非ヒト動物胚幹細胞、

(52)ネオマイシン耐性である第(50)項記載の非ヒト動物胚幹細胞、

(53)非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第(50)項記載の非ヒト哺乳動物胚幹細胞、

(54)ゲッ歯動物がマウスである第(53)項記載の非ヒト哺乳動物胚幹細胞、(55)

10

20

30

40

50

) D N A が配列番号：9で表わされる塩基配列を有するD N A (マウス由来ゲノムD N A)である第(54)項記載の非ヒト哺乳動物胚幹細胞、

【0016】

(56) 第(6)項記載のD N A が不活性化された該D N A 発現不全非ヒト哺乳動物、

(57) 該D N A がレポーター遺伝子(例、大腸菌由来 - ガラクトシダーゼ遺伝子)を導入することにより不活性化され、該レポーター遺伝子が第(6)項記載のD N A に対するプロモーターの制御下で発現し得る第(56)項記載の非ヒト哺乳動物、

(58) 非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第(56)項記載の非ヒト哺乳動物、

(59) ゲッ歯動物がマウスである第(58)項記載の非ヒト哺乳動物、

(60) D N A が配列番号：9で表わされる塩基配列を有するD N A (マウス由来ゲノムD N A)である第(59)項記載の非ヒト哺乳動物、10

(61) 第(56)項記載の非ヒト哺乳動物に、試験化合物を投与し、レポーター遺伝子の発現を検出することを特徴とする第(6)項記載のD N A に対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(62) 第(51)項記載のスクリーニング方法を用いて得られる、第(6)項記載のD N A に対するプロモーターの活性を促進する化合物またはその塩、

(63) 第(6)項記載のD N A に対するプロモーターの活性を促進する化合物またはその塩を含有してなる医薬、

(64) 癌、ウイルス感染、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、骨疾患、動脈硬化症または痛みの治療・予防剤である第(63)項記載の医薬20

、
(65) 第(51)項記載のスクリーニング方法を用いて得られる、第(6)項記載のD N A に対するプロモーターの活性を阻害する化合物またはその塩、

(66) 第(6)項記載のD N A に対するプロモーターの活性を阻害する化合物またはその塩を含有してなる医薬、

(67) エイズ、神経変性疾患、骨髄異形成疾患、虚血性疾患、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患、心筋症、糖尿病、糖尿病性合併症、インフルエンザ感染、糸球体腎炎または潰瘍性大腸炎の治療・予防剤である第(66)項記載の医薬30

【0017】

(68) 一般式、

Met	Glu	Xaa	Ser	Val	Val	Xaa	Pro	Ser	Val	Phe	Val	Val	Asp	Gly	Gln
1				5					10				15		
Thr	Asp	Ile	Pro	Phe	Xaa	Arg	Leu	Xaa	Xaa	Xaa	His	Arg	Arg	Xaa	Xaa
					20				25				30		
Cys	Xaa	Xaa	Xaa	Xaa	Val	Xaa	Leu	Xaa	Leu	Leu	Leu	Xaa	Gly		
					35				40			45			10
Ala	Gly	Leu	Ala	Xaa	Gln	Gly	Trp	Phe	Leu	Leu	Xaa	Leu	His	Xaa	Arg
					50				55			60			
Leu	Gly	Xaa	Xaa	Vla	Xaa	Xaa	Leu	Pro	Asp	Gly	Xaa	Xaa	Gly	Ser	Trp
					65				70			75			80
Glu	Xaa	Leu	Ile	Gln	Xaa	Xaa	Arg	Ser	His	Xaa	Xaa	Asn	Pro	Ala	Ala
					85				90			95			
His	Leu	Thr	Gly	Ala	Asn	Xaa	Ser	Leu	Xaa	Gly	Xaa	Gly	Gly	Pro	Leu
					100				105			110			20
Leu	Trp	Glu	Thr	Xaa	Leu	Gly	Leu	Ala	Phe	Leu	Arg	Gly	Leu	Xaa	Tyr
					115				120			125			
His	Asp	Gly	Ala	Leu	Val	Xaa	Xaa	Xaa	Gly	Tyr	Tyr	Tyr	Xaa	Tyr	
					130				135			140			
Ser	Lys	Val	Gln	Leu	Xaa	Gly	Val	Gly	Cys	Pro	Xaa	Gly	Leu	Ala	Xaa
					145				150			155			30
Xaa	Xaa	Xaa	Ile	Thr	His	Gly	Leu	Tyr	Lys	Arg	Thr	Xaa	Arg	Tyr	Pro
					165				170			175			
Glu	Xaa	Leu	Glu	Leu	Leu	Val	Ser	Xaa	Xaa	Ser	Pro	Cys	Gly	Arg	Ala
					180				185			190			
Xaa	Xaa	Ser	Ser	Arg	Val	Trp	Trp	Asp	Ser	Ser	Phe	Leu	Gly	Val	
					195				200			205			
Val	His	Leu	Glu	Ala	Gly	Glu	Xaa	Val	Val	Val	Arg	Val	Xaa	Xaa	Xaa
					210				215			220			40
Arg	Leu	Val	Arg	Xaa	Arg	Asp	Gly	Thr	Arg	Ser	Tyr	Phe	Gly	Ala	Phe
					225				230			235			240
Met	Val	(I)													

(式中、Xaaは任意のアミノ酸残基を示し、欠失していてもよい)で表わされるアミノ酸配列(配列番号:25で表わされるアミノ酸配列)を有する第(1)項記載のタンパク

質、

【0018】

(69) 配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第8～21番目、第55～59番目、第93～102番目、第109～116番目、第118～126番目、第128～134番目、第144～149番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第193～213番目、第215～219番目および第228～239番目のアミノ酸配列から選ばれる少なくとも1つ以上のアミノ酸配列を有する第(5)項記載の部分ペプチド、

(70) 配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第8～21番目、第54～59番目、第93～102番目、第109～116番目、第118～126番目、第128～134番目、第144～149番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第193～213番目、第215～219番目および第228～240番目のアミノ酸配列から選ばれる少なくとも1つ以上のアミノ酸配列を有する第(5)項記載の部分ペプチド、

(71) 配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第83番目～第240番目のアミノ酸配列または配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列を有する第(5)項記載の部分ペプチド、

(72) 配列番号：4～配列番号：10のいずれかの配列番号で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有するDNAを含有するDNA、

(73) 第(72)項記載のDNAを含有する組換えベクター、

(74) 第(73)項記載の組換えベクターで形質転換された形質転換体、

(75) 第(74)項記載の形質転換体を培養し、タンパク質を生成、蓄積せしめ、これを採取することを特徴とする第(72)項記載のDNAにコードされるタンパク質またはその塩の製造方法、

(76) 第(75)項記載の製造法で製造される、第(72)項記載のDNAにコードされるタンパク質またはその塩、

【0019】

(77) 第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターが、TNFレセプターファミリーに属するレセプター(例、TNFレセプター、リンホトキシン-レセプター、Fas、CD27、CD30、CD40、OX40、DR4、DR3/WSL-1、TR2)または第(1)項記載のタンパク質に対するレセプターである第(16)項～第(18)項のいずれかに記載のスクリーニング方法、

(78) 第(1)項記載のタンパク質が結合し得るレセプターが、TNFレセプターファミリーに属するレセプター(例、TNFレセプター、リンホトキシン-レセプター、Fas、CD27、CD30、CD40、OX40、DR4、DR3/WSL-1、TR2)または第(1)項記載のタンパク質に対するレセプターである第(19)項記載のスクリーニング用キット、

(79) 第(15)項記載の抗体と、被検液および標識化された第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩とを競合的に反応させ、該抗体に結合した標識化された第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩の割合を測定することを特徴とする被検液中の第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩の定量法、

(80) 被検液と担体上に不溶化した第(15)項記載の抗体および標識化された別の第(14)項記載の抗体とを同時あるいは連続的に反応させたのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することを特徴とする被検液中の第(1)項記載のタンパク質、第(5)項記載の部分ペプチドまたはそれらの塩の定量法、

(81) 第(15)項記載の抗体(好ましくは、第(1)項記載のタンパク質活性を中和する活性を有する第(15)項記載の抗体)を含有してなる医薬、

(82) エイズ、神経変性疾患、骨髄異形成疾患、虚血性疾患、リウマチにおける関節組

10

20

30

40

50

織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患、心筋症、糖尿病、糖尿病性合併症、インフルエンザ感染、糸球体腎炎または潰瘍性大腸炎の治療・予防剤である第(81)項記載の医薬、

(83) 第(6)項または第(72)項記載のDNAに相補的または実質的に相補的な塩基配列を有し、該DNAの発現を抑制し得る作用を有するアンチセンスDNA、

(84) 第(6)項または第(72)項記載のDNAに実質的に相補的な塩基配列が、該DNAに相補的な塩基配列の全塩基配列あるいは部分塩基配列と約40%以上(好ましくは約60%以上、より好ましくは約80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上)の相同性を有する塩基配列である第(83)項記載のアンチセンスDNA、

10

(85) 第(83)項記載のアンチセンスDNAを含有してなる医薬、および

(86) エイズ、神経変性疾患、骨髄異形成疾患、虚血性疾患、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患、心筋症、糖尿病、糖尿病性合併症、インフルエンザ感染、糸球体腎炎または潰瘍性大腸炎の治療・予防剤である第(85)項記載の医薬を提供する。

【0020】

【発明の実施の形態】

本発明のタンパク質は、配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を有する。

本発明のタンパク質は、例えば、ヒトや温血動物(例えば、モルモット、ラット、マウス、ニワトリ、ウサギ、ブタ、ヒツジ、ウシ、ウマ、サルなど)のあらゆる細胞(例えば、脾細胞、神経細胞、グリア細胞、臍臍細胞、骨髄細胞、メサンギウム細胞、ランゲルハンス細胞、表皮細胞、上皮細胞、内皮細胞、纖維芽細胞、纖維細胞、筋細胞、脂肪細胞、免疫細胞(例、マクロファージ、T細胞、B細胞、ナチュラルキラー細胞、肥満細胞、好中球、好塩基球、好酸球、単球)、巨核球、滑膜細胞、軟骨細胞、骨細胞、骨芽細胞、破骨細胞、乳腺細胞、肝細胞もしくは間質細胞、またはこれら細胞の前駆細胞、幹細胞もしくはガン細胞など)、またはそれらの細胞が存在するあらゆる組織、例えば、脳、脳の各部位(例、嗅球、扁桃核、大脳基底核、海馬、視床、視床下部、大脳皮質、延髄、小脳)、脊髄、下垂体、胃、臍臍、腎臍、肝臍、生殖腺、甲状腺、胆のう、骨髄、副腎、皮膚、筋肉、肺、消化管(例、大腸、小腸、十二指腸)、血管、心臓、胸腺、脾臍、頸下腺、末梢血、前立腺、睾丸、卵巣、胎盤、子宮、骨、関節、骨格筋などに由来するタンパク質であってもよく、また合成タンパク質であってもよい。

20

【0021】

配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3と実質的に同一のアミノ酸配列としては、例えば、配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列と約40%以上、好ましくは60%以上、より好ましくは約80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列などが挙げられる。特に、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列のうち第83番目～第240番目のアミノ酸配列、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列のうち第81番目～第239番目のアミノ酸配列または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列のうち第81番目～第239番目のアミノ酸配列と約40%以上、好ましくは60%以上、より好ましくは約80%以上、さらに好ましくは約90%以上の相同性を有する場合が好ましい。

30

また、配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3と実質的に同一のアミノ酸配列としては、構成アミノ酸として、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第8～21番目、第55～59番目、第93～102番目、第109～116番目、第118～126番目、第128～134番目、第144～149番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第193～213番目、第215～219番目および第228～239番目のアミノ酸配列を有するアミノ酸配列なども好ましい。これらのアミノ酸配列は、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列および配列番号：3で表わされるアミノ酸配列に共通するアミノ酸配列である

40

50

。

また、配列番号：1または配列番号：2と実質的に同一のアミノ酸配列としては、構成アミノ酸として、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第8～21番目、第54～59番目、第93～102番目、第109～116番目、第118～126番目、第128～134番目、第144～149番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第193～213番目、第215～219番目および第228～240番目のアミノ酸配列を有するアミノ酸配列なども好ましい。これらのアミノ酸配列は、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第6～20番目、第52～57番目、第91～100番目、第107～114番目、第116～124番目、第126～132番目、第142～147番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第192～212番目、第214～218番目および第227～239番目のアミノ酸配列に対応し、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列と配列番号：2で表わされるアミノ酸配列に共通するアミノ酸配列である。

【0022】

配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有する本発明のタンパク質としては、上記のとおり配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を有し、配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列を含有するタンパク質と実質的に同質の活性を有するタンパク質などが好ましい。

実質的に同質の活性としては、例えば、アポトーシス誘導活性、ウイルス感染細胞等に対する細胞傷害活性などの活性が挙げられる。実質的に同質とは、それらの活性が性質的（例、生理化学的または薬理学的）に同質であることを示す。したがって、アポトーシス誘導活性、ウイルス感染細胞等に対する細胞傷害活性などの活性が同等（例、約0.01～20倍、好ましくは約0.2～5倍、より好ましくは約0.5～2倍）であることが好ましいが、これらの活性の程度やタンパク質の分子量などの量的要素は異なっていてもよい。

アポトーシス誘導活性、ウイルス感染細胞等に対する細胞傷害活性などの活性は、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法、例えば、後述するスクリーニング方法で記載されている方法などを用いて測定することができる。

また、本発明のタンパク質には、1 配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上（例えば1～80個、好ましくは1～20個程度、より好ましくは1～9個程度、さらに好ましくは数（例、1～5）個）のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、2 配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列に1または2個以上（例えば1～80個、好ましくは1～20個程度、より好ましくは1～9個程度、さらに好ましくは数（例、1～5）個）のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、3 配列番号：1、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上（例えば1～80個、好ましくは1～20個程度、より好ましくは1～9個程度、さらに好ましくは数（例、1～5）個）のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、または4 それらを組み合わせたアミノ酸配列を含有するタンパク質などのいわゆるムテインも含まれる。

【0023】

上記のようにアミノ酸配列が欠失または置換されている場合、その欠失または置換の位置としては、特に限定されないが、例えば、1 配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第8～21番目、第55～59番目（または第54～59番目）、第93～102番目、第109～116番目、第118～126番目、第128～134番目、第144～149番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第193～213番目、第215～219番目または第228～239番目（または第228～240番目）のアミノ酸配列以外の位置、好ましくは、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第93～102番目、第109～116番目、第118～126番目、第128～134番目、第144～149番目、第162～170番目、第176～182番目

10

20

40

50

、第184～189番目、第193～213番目、第215～219番目または第228～240番目のアミノ酸配列以外の位置、2配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第6～19番目、第53～57番目（または第52～57番目）、第91～100番目、第107～114番目、第116～124番目、第126～132番目、第142～147番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第192～212番目、第214～218番目または第227～238番目（または第227～239番目）のアミノ酸配列以外の位置、好ましくは、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第91～100番目、第107～114番目、第116～124番目、第126～132番目、第142～147番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第192～212番目、第214～218番目または第227～239番目のアミノ酸配列以外の位置、3配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第6～19番目、53～57番目（または第52～57番目）、第91～100番目、第107～114番目、第116～124番目、第126～132番目、第142～147番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第192～212番目、第214～218番目または第227～238番目（または第227～239番目）のアミノ酸配列以外の位置、好ましくは、配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第91～100番目、第107～114番目、第116～124番目、第126～132番目、第142～147番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第192～212番目、第214～218番目または第227～239番目のアミノ酸配列以外の位置などが挙げられる。

【0024】

さらには、具体的には、一般式、

Met Glu Xaa Ser Val Val Xaa Pro Ser Val Phe Val Val Asp Gly Gln
 1 5 10 15
 Thr Asp Ile Pro Phe Xaa Arg Leu Xaa Xaa Xaa His Arg Arg Xaa Xaa
 20 25 30
 Cys Xaa Xaa Xaa Xaa Val Xaa Leu Xaa Leu Xaa Leu Xaa Gly
 35 40 45
 Ala Gly Leu Ala Xaa Gln Gly Trp Phe Leu Leu Xaa Leu His Xaa Arg 10
 50 55 60
 Leu Gly Xaa Xaa Val Xaa Xaa Leu Pro Asp Gly Xaa Xaa Gly Ser Trp
 65 70 75 80
 Glu Xaa Leu Ile Gln Xaa Xaa Arg Ser His Xaa Xaa Asn Pro Ala Ala
 85 90 95
 His Leu Thr Gly Ala Asn Xaa Ser Leu Xaa Gly Xaa Gly Pro Leu
 100 105 110 20
 Leu Trp Glu Thr Xaa Leu Gly Leu Ala Phe Leu Arg Gly Leu Xaa Tyr
 115 120 125
 His Asp Gly Ala Leu Val Xaa Xaa Xaa Gly Tyr Tyr Tyr Xaa Tyr
 130 135 140
 Ser Lys Val Gln Leu Xaa Gly Val Gly Cys Pro Xaa Gly Leu Ala Xaa
 145 150 155 160
 Xaa Xaa Xaa Ile Thr His Gly Leu Tyr Lys Arg Thr Xaa Arg Tyr Pro 30
 165 170 175
 Glu Xaa Leu Glu Leu Leu Val Ser Xaa Xaa Ser Pro Cys Gly Arg Ala
 180 185 190
 Xaa Xaa Ser Ser Arg Val Trp Trp Asp Ser Ser Phe Leu Gly Gly Val
 195 200 205
 Val His Leu Glu Ala Gly Glu Xaa Val Val Arg Val Xaa Xaa Xaa
 210 215 220 40
 Arg Leu Val Arg Xaa Arg Asp Gly Thr Arg Ser Tyr Phe Gly Ala Phe
 225 230 235 240

Met Val (I)

(式中、Xaaは任意のアミノ酸残基を示す)で表わされるアミノ酸配列(配列番号:2
 5で表わされるアミノ酸配列)を有するタンパク質なども好ましく用いられる。
 また、上記の一般式(I)において、1個または2個以上(例えば1~56、好ましくは
 1~40個、より好ましくは1~20個、さらに好ましくは1~9個、最も好ましくは数 50

個)の位置でXaaが欠失していてもよい。

【0025】

Xaaで示されるアミノ酸としては、親水性アミノ酸、疎水性アミノ酸のいずれでもよく、また、酸性アミノ酸、塩基性アミノ酸、中性アミノ酸のいずれでもよい。具体的には、Gly、Ala、Val、Leu、Ile、Ser、Thr、Cys、Met、Glu、Asp、Lys、Arg、His、Phe、Tyr、Trp、Pro、Asn、Glnなどが用いられる。

一般式(I)中、第3番目のXaaとしては、Gluが好ましく、あるいは欠失していてもよい。

第7番目のXaaとしては、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、ArgまたはGlnが好適である。 10

第22番目のXaaとしては、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、ThrまたはArgが好適である。

第25番目のXaaとしては、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、GlyまたはGluが好適である。

第26番目のXaaとしては、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、ArgまたはGlnが好適である。

第27番目のXaaとしては、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、SerまたはAsnが好適である。

第31番目のXaaとしては、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、GlnまたはArgが好適である。 20

第32番目のXaaとしては、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、SerまたはArgが好適である。

第34番目のXaaとしては、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、SerまたはGlyが好適である。

第35番目のXaaとしては、例えば、ValまたはThrが好適である。

第36番目のXaaとしては、例えば、疎水性アミノ酸が好ましく、具体的には、AlaまたはValが好適である。

【0026】

第37番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、ArgまたはGlnが好適である。 30

第39番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、GlyまたはSerが好適である。

第41番目のXaaとしては、例えば、GlyまたはAlaが好適である。

第43番目のXaaとしては、例えば、疎水性アミノ酸が好ましく、具体的には、LeuまたはValが好適である。

第47番目のXaaとしては、Metが好ましく、あるいは欠失していてもよい。

第53番目のXaaとしては、例えば、ValまたはThrが好適である。

第60番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、GlnまたはArgが好適である。 40

第63番目のXaaとしては、例えば、TrpまたはGlnが好適である。

第67番目のXaaとしては、例えば、酸性アミノ酸が好ましく、具体的には、GluまたはAspが好適である。

第68番目のXaaとしては、例えば、疎水性アミノ酸が好ましく、具体的には、MetまたはIleが好適である。

第70番目のXaaとしては、例えば、ThrまたはAlaが好適である。

第71番目のXaaとしては、例えば、塩基性アミノ酸が好ましく、具体的には、ArgまたはHisが好適である。

第76番目のXaaとしては、例えば、ProまたはGlyが好適である。

第77番目のXaaとしては、例えば、AlaまたはLysが好適である。 50

第82番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、GlnまたはLysが好適である。

第86番目のXaaとしては、例えば、酸性アミノ酸が好ましく、具体的には、GluまたはAspが好適である。

第87番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、ArgまたはGlnが好適である。

【0027】

第91番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、GluまたはGlnが好適である。

第92番目のXaaとしては、例えば、疎水性アミノ酸が好ましく、具体的には、Val 10またはAlaが好適である。

第103番目のXaaとしては、例えば、SerまたはAlaが好適である。

第106番目のXaaとしては、例えば、ThrまたはIleが好適である。

第108番目のXaaとしては、例えば、SerまたはIleが好適である。

第117番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、GlnまたはArgが好適である。

第127番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、SerまたはThrが好適である。

第135番目のXaaとしては、例えば、ValまたはThrが好適である。

第136番目のXaaとしては、例えば、ThrまたはMetが好適である。

20

第137番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、LysまたはGluが好適である。

第138番目のXaaとしては、例えば、疎水性アミノ酸が好ましく、具体的には、AlaまたはProが好適である。

第143番目のXaaとしては、例えば、疎水性アミノ酸が好ましく、具体的には、IleまたはValが好適である。

第150番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、GlyまたはSerが好適である。

第156番目のXaaとしては、例えば、LeuまたはGlnが好適である。

第160番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、Ser 30またはAsnが好適である。

30

【0028】

第161番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、ThrまたはGlyが好適である。

第162番目のXaaとしては、Leuが好ましく、あるいは欠失してもよい。

第163番目のXaaとしては、Proが好ましく、あるいは欠失してもよい。

第173番目のXaaとしては、例えば、ProまたはSerが好適である。

第178番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、GluまたはLysが好適である。

第185番目および186番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、GlnまたはArgが好適である。

40

第193番目のXaaとしては、Thrが好ましく、あるいは欠失してもよい。

第194番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、SerまたはAsnが好適である。

第216番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、LysまたはGluが好適である。

第222番目のXaaとしては、例えば、疎水性アミノ酸が好ましく、具体的には、LeuまたはProが好適である。

第223番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、Asp 50またはGlyが好適である。

第224番目のXaaとしては、例えば、親水性アミノ酸が好ましく、具体的には、GluまたはAsnが好適である。

第229番目のXaaとしては、例えば、疎水性アミノ酸が好ましく、具体的には、LeuまたはProが好適である。

【0029】

本明細書におけるタンパク質は、ペプチド標記の慣例に従って左端がN末端（アミノ末端）、右端がC末端（カルボキシル末端）である。配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を含有するタンパク質をはじめとする、本発明のタンパク質は、C末端が通常カルボキシル基（-COOH）またはカルボキシレート（-COO⁻）であるが、C末端がアミド（-CONH₂）またはエステル（-COOR）であってもよい。

ここでエステル基のRとしては、例えば、メチル、エチル、n-プロピル、イソプロピルもしくはn-ブチルなどのC₁₋₆アルキル基、例えば、シクロペンチル、シクロヘキシルなどのC₃₋₈シクロアルキル基、例えば、フェニル、-ナフチルなどのC₆₋₁₂アリール基、例えば、ベンジル、フェネチルなどのフェニル-C₁₋₂アルキル基もしくは-ナフチルメチルなどの-ナフチル-C₁₋₂アルキル基などのC₇₋₁₄アラルキル基のほか、経口用エステルとして汎用されるピバロイルオキシメチル基などが用いられる。

本発明のタンパク質がC末端以外にカルボキシル基（またはカルボキシレート）を有している場合、カルボキシル基がアミド化またはエステル化されているものも本発明のタンパク質に含まれる。この場合のエステルとしては、例えば上記したC末端のエステルなどが用いられる。

さらに、本発明のタンパク質には、上記したタンパク質において、N末端のアミノ酸残基のアミノ基が保護基（例えば、ホルミル基、アセチル基などのC₁₋₆アルカノイルなどのC₁₋₆アシル基など）で保護されているもの、N端側が生体内で切断され生成したグルタミル基がピログルタミル化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基（例えば、-OH、-SH、アミノ基、イミダゾール基、インドール基、グアニジノ基など）が適当な保護基（例えば、ホルミル基、アセチル基などのC₁₋₆アルカノイルなどのC₁₋₆アシル基など）で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖タンパク質などの複合タンパク質なども含まれる。

より具体的には、本発明のタンパク質としては、例えば、配列番号：1〔図1または図2〕で表わされるアミノ酸配列を有するヒト肝臓由来のタンパク質、配列番号：2〔図3または図4〕で表わされるアミノ酸配列を有するマウス胚由来のタンパク質、配列番号：3〔図6〕で表わされるアミノ酸配列を有するラット肝臓由来のタンパク質などが好適である。

【0030】

本発明のタンパク質の部分ペプチドとしては、前記した本発明のタンパク質と同質の活性、例えば、アポトーシス誘導活性、ウイルス感染細胞等に対する細胞傷害活性などの活性を有するペプチドであれば何れのものであってもよい。例えば、本発明のタンパク質のアミノ酸配列のうち、少なくとも約20個以上、好ましくは約50個以上、より好ましくは約70個以上、さらに好ましくは約100個以上、最も好ましくは約200個以上のアミノ酸残基を有するペプチドなどが好ましく用いられる。

例えば、(1)配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第8～21番目、第55～59番目、第93～102番目、第109～116番目、第118～126番目、第128～134番目、第144～149番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第193～213番目、第215～219番目および第228～239番目のアミノ酸配列から選ばれる少なくとも1つ以上のアミノ酸配列を有する部分ペプチド（すなわち、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第6～20番目、第53～57番目、第91～100番目、第107～114番目、第116～124番目、第126～132番目、第142～147番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第192～212番目、第214～218番目および第227～238番目のアミノ酸配列から選ばれる少なくとも1つ以上のアミ

10

20

30

40

50

ノ酸配列を有する部分ペプチド)、(2)配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第8～21番目、第54～59番目、第93～102番目、第109～116番目、第118～126番目、第128～134番目、第144～149番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第193～213番目、第215～219番目および第228～240番目のアミノ酸配列から選ばれる少なくとも1つ以上のアミノ酸配列を有する部分ペプチド(すなわち、配列番号：2または配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第6～20番目、第52～57番目、第91～100番目、第107～114番目、第116～124番目、第126～132番目、第142～147番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第192～212番目、第214～218番目および第227～239番目のアミノ酸配列から選ばれる少なくとも1つ以上のアミノ酸配列を有する部分ペプチド)などが用いられる。
10

より具体的には、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第83番目～第240番目のアミノ酸配列を有する部分ペプチド、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列を有する部分ペプチド、配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列を有する部分ペプチドなどが好ましく用いられる。

【0031】

さらに、本発明の部分ペプチドとしては、1 配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第83番目～第240番目のアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を有し、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第83番目～第240番目のアミノ酸配列を含有するペプチドと実質的に同質の活性を有するペプチド、2 配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を有し、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列を含有するペプチドと実質的に同質の活性を有するペプチド、3 配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を有し、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列を含有するペプチドと実質的に同質の活性を有するペプチドなどが好ましい。
20

【0032】

配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第83番目～第240番目のアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列としては、例えば、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第83番目～第240番目のアミノ酸配列と約40%以上、好ましくは60%以上、より好ましくは約80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列などが用いられる。
30

配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列としては、例えば、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列と約40%以上、好ましくは60%以上、より好ましくは約80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列などが用いられる。

配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列としては、例えば、配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列と約40%以上、好ましくは60%以上、より好ましくは約80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列などが用いられる。
40

「実質的に同質の活性」とは、前記と同意義を示す。

アポトーシス誘導活性、ウイルス感染細胞等に対する細胞傷害活性などの活性は、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法、例えば、後述するスクリーニング方法で記載されている方法などを用いて測定することができる。

【0033】

また、本発明の部分ペプチドには、1 配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第8
50

3番目～第240番目のアミノ酸配列中の1または2個以上（例えば1～80個、好ましくは1～20個程度、より好ましくは1～9個程度、さらに好ましくは数（例、1～5）個）のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第83番目～第240番目のアミノ酸配列に1または2個以上（例えば1～80個、好ましくは1～20個程度、より好ましくは1～9個程度、さらに好ましくは数（例、1～5）個）のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第83番目～第240番目のアミノ酸配列中の1または2個以上（例えば1～80個、好ましくは1～20個程度、より好ましくは1～9個程度、さらに好ましくは数（例、1～5）個）のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、またはそれらを組み合わせたアミノ酸配列を含有する部分ペプチド、2 配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列中の1または2個以上（例えば1～80個、好ましくは1～20個程度、より好ましくは1～9個程度、さらに好ましくは数（例、1～5）個）のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列に1または2個以上（例えば1～80個、好ましくは1～20個程度、より好ましくは1～9個程度、さらに好ましくは数（例、1～5）個）のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列中の1または2個以上（例えば1～80個、好ましくは1～20個程度、より好ましくは1～9個程度、さらに好ましくは数（例、1～5）個）のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、またはそれらを組み合わせたアミノ酸配列を含有する部分ペプチド、3 配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列中の1または2個以上（例えば1～80個、好ましくは1～20個程度、より好ましくは1～9個程度、さらに好ましくは数（例、1～5）個）のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列に1または2個以上（例えば1～80個、好ましくは1～20個程度、より好ましくは1～9個程度、さらに好ましくは数（例、1～5）個）のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列中の1または2個以上（例えば1～80個、好ましくは1～20個程度、より好ましくは1～9個程度、さらに好ましくは数（例、1～5）個）のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、またはそれらを組み合わせたアミノ酸配列を含有する部分ペプチドなども含まれる。

上記のように欠失または置換されている場合、具体的には、一般式（I）で表わされるアミノ酸配列から第1～82番目のアミノ酸を取り除いたアミノ酸配列を有するペプチドなどが好ましく用いられる。

【0034】

また、本発明の部分ペプチドのC末端は通常カルボキシル基（-COOH）またはカルボキシレート（-COO⁻）であるが、前記した本発明のタンパク質のごとく、C末端がアミド（-CONH₂）またはエステル（-COOR）であってもよい。

さらに、本発明の部分ペプチドには、前記した本発明のタンパク質と同様に、上記した部分ペプチドにおいて、N末端のアミノ酸残基のアミノ基が保護基で保護されているもの、N端側が生体内で切断され生成したグルタミル基がピログルタミル化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基が適当な保護基で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖ペプチドなどの複合ペプチドなども含まれる。

本発明の部分ペプチドとしては、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第83番目～第240番目のアミノ酸配列、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列を有するペプチド、配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第81番目～第239番目のアミノ酸配列を有するペプチドが好適である。

本発明のタンパク質またはその部分ペプチドの塩としては、生理学的に許容される酸（例、無機酸、有機酸）または塩基（例、アルカリ金属）などとの塩が用いられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば、無機酸（例えは、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸）との塩、あるいは有機酸（例えは、酢酸、ギ酸、ブ

10

20

30

40

50

ロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、亜酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸)との塩などが用いられる。

本発明のタンパク質またはその塩は、前述したヒトや温血動物の細胞または組織から自体公知のタンパク質の精製方法によって製造することもできるし、後述するタンパク質をコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによっても製造することができる。また、後述のタンパク質合成法またはこれに準じて製造することもできる。

ヒトや温血動物の組織または細胞から製造する場合、ヒトや温血動物の組織または細胞をホモジナイズした後、酸などで抽出を行い、該抽出液を逆相クロマトグラフィー、イオン交換クロマトグラフィーなどのクロマトグラフィーを組み合わせることにより精製単離することができる。

10

【0035】

本発明のタンパク質、その部分ペプチドもしくはそれらの塩またはそれらのアミド体の合成には、通常市販のタンパク質合成用樹脂を用いることができる。そのような樹脂としては、例えば、クロロメチル樹脂、ヒドロキシメチル樹脂、ベンズヒドリルアミン樹脂、アミノメチル樹脂、4-ベンジルオキシベンジルアルコール樹脂、4-メチルベンズヒドリルアミン樹脂、PAM樹脂、4-ヒドロキシメチルメチルフェニルアセトアミドメチル樹脂、ポリアクリルアミド樹脂、4-(2',4'-ジメトキシフェニル-ヒドロキシメチル)フェノキシ樹脂、4-(2',4'-ジメトキシフェニル-Fmocアミノエチル)フェノキシ樹脂などを挙げることができる。このような樹脂を用い、-アミノ基と側鎖官能基を適当に保護したアミノ酸を、目的とするタンパク質の配列通りに、自体公知の各種縮合方法に従い、樹脂上で縮合させる。反応の最後に樹脂からタンパク質を切り出すと同時に各種保護基を除去し、さらに高希釈溶液中で分子内ジスルフィド結合形成反応を実施し、目的のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらのアミド体を取得する。

20

【0036】

上記した保護アミノ酸の縮合に関しては、タンパク質合成に使用できる各種活性化試薬を用いることができるが、特に、カルボジイミド類がよい。カルボジイミド類としては、DC C、N,N'-ジイソプロピルカルボジイミド、N-エチル-N'-(3-ジメチルアミノプロリル)カルボジイミドなどが用いられる。これらによる活性化にはラセミ化抑制添加剤(例えば、HOBr, HOObt)とともに保護アミノ酸を直接樹脂に添加するかまたは、対称酸無水物またはHOBrエステルあるいはHOObtエステルとしてあらかじめ保護アミノ酸の活性化を行なったのちに樹脂に添加することができる。保護アミノ酸の活性化や樹脂との縮合に用いられる溶媒としては、タンパク質縮合反応に使用しうることが知られている溶媒から適宜選択されうる。例えば、N,N-ジメチルホルムアミド、N-メチルピロリドン、クロロホルム、トリフルオロエタノール、ジメチルスルホキシド、DMF、ジメチルスルホキシド、ピリジン、クロロホルム、ジオキサン、塩化メチレン、テトラヒドロフラン、アセトニトリル、酢酸エチル、N-メチルピロリドンあるいはこれらの適宜の混合物などが用いられる。

30

反応温度はタンパク質結合形成反応に使用され得ることがしられている範囲から適宜選択され、通常約-20~50の範囲から適宜選択される。活性化されたアミノ酸誘導体は通常1.5~4倍過剰で用いられる。ニンヒドリン反応を用いたテストの結果、縮合が不十分な場合には保護基の脱離を行うことなく縮合反応を繰り返すことにより十分な縮合を行なうことができる。反応を繰り返しても十分な縮合が得られないときには、無水酢酸またはアセチルイミダゾールを用いて未反応アミノ酸をアセチル化することによって、後の反応に影響を与えないようにすることができる。

40

原料のアミノ基の保護基としては、例えば、Z、Boc、ターシャリーアミルオキシカルボニル、イソボルニルオキシカルボニル、4-メトキシベンジルオキシカルボニル、CI-Z、Br-Z、アダマンチルオキシカルボニル、トリフルオロアセチル、フタリル、ホルミル、2-ニトロフェニルスルフェニル、ジフェニルホスフィノチオイル、Fmocなどが用いられる。

カルボキシル基は、例えば、アルキルエステル(例えば、メチル、エチル、プロピル、ブチル、ターシャリーブチル、シクロペンチル、シクロヘキシル、シクロヘプチル、シクロ

50

オクチル、2-アダマンチルなどのエステル基)、ベンジルエステル、4-ニトロベンジルエステル、4-メトキシベンジルエステル、4-クロロベンジルエステル、ベンズヒドリルエステル、フェナシンエステル、ベンジルオキシカルボニルヒドラジド、ターシャリーブトキシカルボニルヒドラジド、トリチルヒドラジドなどに導くことによって保護することができる。

【0037】

セリンの水酸基は、例えば、エステル化またはエーテル化によって保護することができる。このエステル化に適する基としては、例えば、アセチル基などの低級アルカノイル基、ベンゾイル基などのアロイル基、ベンジルオキシカルボニル基、エトキシカルボニル基などの炭素から誘導される基などが用いられる。また、エーテル化に適する基としては、例えば、ベンジル基、テトラヒドロピラニル基、t-ブチル基などである。
10

チロシンのフェノール性水酸基の保護基としては、例えば、Bzl、Cl₂-Bzl、2-ニトロベンジル、Br-Z、ターシャリーブチルなどが用いられる。

ヒスチジンのイミダゾールの保護基としては、例えば、Tos、4-メトキシ-2,3,6-トリメチルベンゼンスルホニル、DNP、ベンジルオキシメチル、Bum、Boc、Trt、Fmocなどが用いられる。

原料のカルボキシル基の活性化されたものとしては、例えば、対応する酸無水物、アジド、活性エステル〔アルコール(例えば、ペンタクロロフェノール、2,4,5-トリクロロフェノール、2,4-ジニトロフェノール、シアノメチルアルコール、パラニトロフェノール、HO NB、N-ヒドロキシスクシミド、N-ヒドロキシタルイミド、HOBt)とのエステル〕などが用いられる。原料のアミノ基の活性化されたものとしては、例えば、対応するリン酸アミドが用いられる。
20

保護基の除去(脱離)方法としては、例えば、Pd黒あるいはPd-炭素などの触媒の存在下での水素気流中の接触還元や、また、無水フッ化水素、メタンスルホン酸、トリフルオロメタンスルホン酸、トリフルオロ酢酸あるいはこれらの混合液などによる酸処理や、ジイソプロピルエチルアミン、トリエチルアミン、ピペリジン、ピペラジンなどによる塩基処理、また液体アンモニア中ナトリウムによる還元なども用いられる。上記酸処理による脱離反応は、一般に約-20～40の温度で行なわれるが、酸処理においては、例えば、アニソール、フェノール、チオアニソール、メタクレゾール、パラクレゾール、ジメチルスルフィド、1,4-ブタンジチオール、1,2-エタンジチオールのようなカチオン捕捉剤の添加が有効である。また、ヒスチジンのイミダゾール保護基として用いられる2,4-ジニトロフェニル基はチオフェノール処理により除去され、トリプトファンのインドール保護基として用いられるホルミル基は上記の1,2-エタンジチオール、1,4-ブタンジチオールなどの存在下の酸処理による脱保護以外に、希水酸化ナトリウム溶液、希アンモニアなどによるアルカリ処理によっても除去される。
30

【0038】

原料の反応に関与すべきでない官能基の保護および保護基、ならびにその保護基の脱離、反応に関与する官能基の活性化などは公知の基あるいは公知の手段から適宜選択しうる。タンパク質のアミド体を得る別の方法としては、まず、カルボキシ末端アミノ酸の-C-カルボキシル基をアミド化して保護した後、アミノ基側にペプチド(タンパク質)鎖を所望の鎖長まで延ばした後、該ペプチド鎖のN末端の-C-アミノ基の保護基のみを除いたタンパク質とC末端のカルボキシル基の保護基のみを除去したタンパク質とを製造し、この両タンパク質を上記したような混合溶媒中で縮合させる。縮合反応の詳細については上記と同様である。縮合により得られた保護タンパク質を精製した後、上記方法によりすべての保護基を除去し、所望の粗タンパク質を得ることができる。この粗タンパク質は既知の各種精製手段を駆使して精製し、主要画分を凍結乾燥することで所望のタンパク質のアミド体を得ることができる。
40

タンパク質のエステル体を得るには、カルボキシ末端アミノ酸の-C-カルボキシル基を所望のアルコール類と縮合しアミノ酸エステルとした後、タンパク質のアミド体と同様にして、所望のタンパク質のエステル体を得ることができる。
50

【0039】

本発明の部分ペプチドまたはその塩は、自体公知のペプチドの合成法に従って、あるいは本発明のタンパク質を適当なペプチダーゼで切断することによって製造することができる。ペプチドの合成法としては、例えば、固相合成法、液相合成法のいずれによっても良い。すなわち、本発明のタンパク質を構成し得る部分ペプチドもしくはアミノ酸と残余部分とを縮合させ、生成物が保護基を有する場合は保護基を脱離することにより目的のペプチドを製造することができる。公知の縮合方法や保護基の脱離としては、例えば、以下の

1 ~ 5 に記載された方法が挙げられる。

1 M. Bodanszky および M.A. Ondetti、ペプチド・シンセシス (Peptide Synthesis)
, Interscience Publishers, New York (1966年) 10

2 Schroeder および Luebke、ザ・ペプチド (The Peptide), Academic Press, New York
(1965年)

3 泉屋信夫他、ペプチド合成の基礎と実験、丸善(株) (1975年)

4 矢島治明 および 榊原俊平、生化学実験講座 1、タンパク質の化学IV、205、(197
7年)

5 矢島治明監修、続医薬品の開発 第14巻 ペプチド合成 広川書店

また、反応後は通常の精製法、例えば、溶媒抽出・蒸留・カラムクロマトグラフィー・液体クロマトグラフィー・再結晶などを組み合わせて本発明のタンパク質を精製単離することができる。上記方法で得られるタンパク質が遊離体である場合は、公知の方法あるいはそれに準じる方法によって適当な塩に変換することができるし、逆に塩で得られた場合は、公知の方法あるいはそれに準じる方法によって遊離体または他の塩に変換することができる。

【0040】

本発明のタンパク質をコードするDNAとしては、前述した本発明のタンパク質をコードする塩基配列を含有するものであればいかなるものであってもよい。また、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、前記した細胞・組織由来のcDNA、前記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAのいずれでもよい。ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであってもよい。また、前記した細胞・組織よりmRNA画分を調製したものを用いて直接Reverse Transcriptase Polymerase Chain Reaction (以下、RT-PCR法と略称する) によつて増幅することもできる。

具体的には、本発明の配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質をコードするDNAとしては、例えば、1 配列番号：4で表わされる塩基配列を有するDNA、2 配列番号：4で表わされる塩基配列を有するDNAにハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズし、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質と同質の活性(例、アポトーシス誘導活性、ウイルス感染細胞等に対する細胞傷害活性などの活性)を有するタンパク質をコードするDNAなどが用いられる。

配列番号：4で表わされる塩基配列を有するDNAとハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号：4で表わされる塩基配列と約40%以上、好ましくは約60%以上、より好ましくは80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

【0041】

本発明の配列番号：2で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質をコードするDNAとしては、例えば、1 配列番号：7で表わされる塩基配列を有するDNA、2 配列番号：7で表わされる塩基配列を有するDNAにハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズし、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質と同質の活性を有するタンパク質をコードするDNAなどが用いられる。

配列番号：7で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号：7で表わされる塩基配列と約40%以上、好ま

10

20

30

40

50

しくは約60%以上、より好ましくは80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。本発明の配列番号：3で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質をコードするDNAとしては、例えば、1 配列番号：10で表わされる塩基配列を有するDNA、2 配列番号：10で表わされる塩基配列を有するDNAにハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズし、配列番号：3で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質と同質の活性を有するタンパク質をコードするDNAなどが用いられる。

配列番号：10で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号：10で表わされる塩基配列と約40%以上、好ましくは約60%以上、より好ましくは80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

ハイブリダイゼーションは、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法、例えば、モレキュラー・クローニング（Molecular Cloning）2nd (J. Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press, 1989) に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。より好ましくは、ハイストリンジェントな条件に従って行なうことができる。

ハイストリンジェントな条件とは、例えば、ナトリウム濃度が約19～40mM、好ましくは約19～20mMで、温度が約50～70、好ましくは約60～65の条件を示す。特に、ナトリウム濃度が約19mMで温度が約65の場合が最も好ましい。

【0042】

より具体的には、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質をコードするDNAとしては、配列番号：4で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられる。また、本発明の配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質をコードするDNAを含有するDNAとしては、例えば、配列番号：5〔図1〕または配列番号：6〔図2〕で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

配列番号：2で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質をコードするDNAとしては、配列番号：7で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられる。また、本発明の配列番号：2で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質をコードするDNAを含有するDNAとしては、例えば、配列番号：8〔図3〕または配列番号：9で表わされる塩基配列を有するDNA〔図4〕などが用いられる。

配列番号：3で表わされるアミノ酸配列を有するタンパク質をコードするDNAとしては、配列番号：10で表わされる塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

【0043】

本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしては、前述した本発明の部分ペプチドをコードする塩基配列を有するものであればいかなるものであってもよい。また、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、前記した細胞・組織由来のcDNA、前記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAのいずれでもよい。ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであってもよい。また、前記した細胞・組織よりmRNA画分を調製したものを用いて直接RT-PCR法によって増幅することもできる。

具体的には、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第8～21番目、第55～59番目（または第54～59番目）、第93～102番目、第109～116番目、第118～126番目、第128～134番目、第144～149番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第193～213番目、第215～219番目および第228～239番目（または第228～240番目）のアミノ酸配列から選ばれる少なくとも1つのアミノ酸配列を有する部分ペプチドをコードするDNAとしては、例えば、配列番号：4で表わされる塩基配列の第22～63番目、第163～177番目（または第160～177番目）、第277～306番目、第325～348番目、第352～378番目、第382～402番目、第430～447番目、第484～51

10

20

30

40

50

0番目、第526～546番目、第550～567番目、第577～639番目、第643～657番目および第682～717番目（または第682～720番目）の塩基配列から選ばれる少なくとも1つの塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第6～20番目、第53～57番目（または第52～57番目）、第91～100番目、第107～114番目、第116～124番目、第126～132番目、第142～147番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第192～212番目、第214～218番目および第227～238番目（または第227～239番目）のアミノ酸配列から選ばれる少なくとも1つのアミノ酸配列を有する部分ペプチドをコードするDNAとしては、例えば、配列番号：7で表わされる塩基配列の第16～60番目、第157～171番目（または第154～171番目）、第271～300番目、第319～342番目、第346～372番目、第376～396番目、第424～441番目、第484～510番目、第526～546番目、第550～567番目、第574～636番目、第640～654番目および第678～714番目（または第678～717番目）の塩基配列から選ばれる少なくとも1つの塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第6～20番目、第53～57番目（または第52～57番目）、第91～100番目、第107～114番目、第116～124番目、第126～132番目、第142～147番目、第162～170番目、第176～182番目、第184～189番目、第192～212番目、第214～218番目および第227～238番目（または第227～239番目）のアミノ酸配列から選ばれる少なくとも1つのアミノ酸配列を有する部分ペプチドをコードするDNAとしては、例えば、配列番号：10で表わされる塩基配列の第16～60番目、第157～171番目（または第154～171番目）、第271～300番目、第319～342番目、第346～372番目、第376～396番目、第424～441番目、第484～510番目、第526～546番目、第550～567番目、第574～636番目、第640～654番目および第678～714番目（または第678～717番目）の塩基配列から選ばれる少なくとも1つの塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

【0044】

また、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第83番目～240番目のアミノ酸配列を有する部分ペプチドをコードするDNAとしては、例えば、1 配列番号：4で表わされる塩基配列の第247番目～第720番目の塩基配列を有するDNA、2 配列番号：4で表わされる塩基配列の第247番目～第720番目の塩基配列を有するDNAにハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズし、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第83番目～240番目のアミノ酸配列を有する部分ペプチドと同質の活性（例、アポトーシス誘導活性、ウイルス感染細胞等に対する細胞傷害活性などの活性）を有する部分ペプチドをコードするDNAなども用いられる。

配列番号：4で表わされる塩基配列の第247番目～第720番目の塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号：4で表わされる塩基配列の第247番目～第720番目の塩基配列と約40%以上、好ましくは約60%以上、より好ましくは80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～239番目のアミノ酸配列を有する部分ペプチドをコードするDNAとしては、例えば、1 配列番号：7で表わされる塩基配列の第241番目～第717番目の塩基配列を有するDNA、2 配列番号：7で表わされる塩基配列の第241番目～第717番目の塩基配列を有するDNAにハイブリダイズし、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～239番目のアミノ酸配列を有する部分ペプチドと同質の活性（例、アポトーシス誘導活性、ウイルス感染細胞等に対する細胞傷害活性などの活性）を有する部分ペプチドをコードするDNAなども用いられる。

配列番号：7で表わされる塩基配列の第241番目～第717番目の塩基配列とハイスト

10

20

30

40

50

リンクジェントな条件下でハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号：7で表わされる塩基配列の第241番目～第717番目の塩基配列と約40%以上、好ましくは約60%以上、より好ましくは80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

【0045】

配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第81番目～239番目のアミノ酸配列を有する部分ペプチドをコードするDNAとしては、例えば、1 配列番号：10で表わされる塩基配列の第241番目～第717番目の塩基配列を有するDNA、2 配列番号：10で表わされる塩基配列の第241番目～第717番目の塩基配列を有するDNAにハイブリダイズし、配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第81番目～239番目のアミノ酸配列を有する部分ペプチドと同質の活性（例、アポトーシス誘導活性、ウイルス感染細胞等に対する細胞傷害活性などの活性）を有する部分ペプチドをコードするDNAなども用いられる。

配列番号：10で表わされる塩基配列の第241番目～第717番目の塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号：10で表わされる塩基配列の第241番目～第717番目の塩基配列と約40%以上、好ましくは約60%以上、より好ましくは80%以上、さらに好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。ハイブリダイゼーションの方法およびハイストリンジェントな条件は、前記と同様である。

10

20

より具体的には、配列番号：1で表わされるアミノ酸配列の第83番目～240番目のアミノ酸配列を有する部分ペプチドをコードするDNAとしては、配列番号：4で表わされる塩基配列の第247番目～第720番目の塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

配列番号：2で表わされるアミノ酸配列の第81番目～239番目のアミノ酸配列を有する部分ペプチドをコードするDNAとしては、配列番号：7で表わされる塩基配列の第241番目～第717番目の塩基配列を有するDNAなどが用いられる。配列番号：3で表わされるアミノ酸配列の第81番目～239番目のアミノ酸配列を有する部分ペプチドをコードするDNAとしては、配列番号：10で表わされる塩基配列の第241番目～第717番目の塩基配列を有するDNAなどが用いられる。

【0046】

30

本発明のタンパク質またはその部分ペプチドをコードするDNAのクローニングの手段としては、本発明のタンパク質をコードするDNAの部分塩基配列を有する合成DNAライマーを用いて、PCR法によって前記DNAライブラリー等から目的とするDNAを増幅するか、または適当なベクターに組み込んだDNAを本発明のタンパク質の一部あるいは全領域を有するDNA断片もしくは合成DNAを用いて標識したものとのハイブリダイゼーションによって選別することができる。ハイブリダイゼーションの方法は、例えば、モレキュラー・クローニング（Molecular Cloning）2nd（J. Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press, 1989）に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。

40

DNAの塩基配列の変換（欠失・付加・置換）は、公知のキット、例えば、MutanTM-G（宝酒造（株））、MutanTM-K（宝酒造（株））などを用いて、Gapped duplex法やKunkel法などの自体公知の方法あるいはそれらに準じる方法に従って行なうことができる。

クローン化された本発明のタンパク質またはその部分ペプチドをコードするDNAは、目的によりそのまま、または所望により制限酵素で消化したり、リンカーを付加したりして使用することができる。該DNAはその5'末端側に翻訳開始コドンとしてのATGを有し、また3'末端側には翻訳終止コドンとしてのTAA、TGAまたはTAGを有してもよい。これらの翻訳開始コドンや翻訳終止コドンは、適当な合成DNAアダプターを用いて付加することもできる。

本発明のタンパク質またはその部分ペプチドをコードするDNAの発現ベクターは、例え

50

ば、(イ)本発明のタンパク質をコードするDNAから目的とするDNA断片を切り出し、(ロ)該DNA断片を適当な発現ベクター中のプロモーターの下流に連結することにより製造することができる。

【0047】

ベクターとしては、例えば、大腸菌由来のプラスミド(例、pBR322, pBR325, pUC12, pUC13)、枯草菌由来のプラスミド(例、pUB110, pTP5, pC194)、酵母由来プラスミド(例、pSH19, pSH15)、ファージなどのバクテリオファージ、レトロウイルス、ワクシニアウイルス、バキュロウイルスなどの動物ウイルスなどの他、pA1-11、pXT1、pRc/CMV、pRc/RSV、pCDNA1/Neoなどが用いられる。

本発明で用いられるプロモーターとしては、遺伝子の発現に用いる宿主に対応して適切なプロモーターであればいかなるものでもよい。例えば、動物細胞を宿主として用いる場合は、SRプロモーター、SV40プロモーター、LTRプロモーター、CMV(サイトメガロウイルス)プロモーター、HSV-TKプロモーターなどが挙げられる。これらのうち、CMVプロモーター、SRプロモーターなどを用いるのが好ましい。宿主がエシエリヒア属菌である場合は、trpプロモーター、lacプロモーター、recAプロモーター、P_Lプロモーター、lppプロモーターなどが、宿主がバチルス属菌である場合は、SPO1プロモーター、SPO2プロモーター、penPプロモーターなど、宿主が酵母である場合は、AOX1プロモーター、PHO5プロモーター、PGKプロモーター、GAPプロモーター、ADHプロモーターなどが好ましい。宿主が昆虫細胞である場合は、ポリヘドリンプロモーター、P10プロモーターなどが好ましい。

【0048】

発現ベクターには、以上その他に、所望によりエンハンサー、スプライシングシグナル、ポリA付加シグナル、選択マーカー、SV40複製オリジン(以下、SV40oriと略称する場合がある)などを含有しているものを用いることができる。選択マーカーとしては、例えば、ジヒドロ葉酸還元酵素(以下、dhfrと略称する場合がある)遺伝子、アンピシリン耐性遺伝子(以下、amp'と略称する場合がある)、ネオマイシン耐性遺伝子(以下、Neoと略称する場合がある、G418耐性)等が用いられる。dhfr遺伝子はメソトレキセート(MTX)耐性を、NeoはG418耐性を付与する。特に、dhfr遺伝子欠損チャイニーズハムスター細胞CHOを用いてdhfr遺伝子を選択マーカーとして使用する場合、チミジンを含まない培地によっても目的とする遺伝子を選択することができる。

また、必要に応じて、宿主に合ったシグナル配列を、タンパク質のN端末側に付加する。宿主がエシエリヒア属菌である場合は、PhoA・シグナル配列、OmpA・シグナル配列などが、宿主がバチルス属菌である場合は、-アミラーゼ・シグナル配列、サブチリシン・シグナル配列などが、宿主が酵母である場合は、M_F・シグナル配列、SUC2・シグナル配列など、宿主が動物細胞である場合には、例えばインシュリン・シグナル配列、-インターフェロン・シグナル配列、抗体分子・シグナル配列などがそれぞれ利用できる。

このようにして構築された本発明のタンパク質をコードするDNAを含有するベクターを細胞に導入することによって形質転換体を製造することができる。

【0049】

宿主としては、例えば、エシエリヒア属菌、バチルス属菌、酵母、昆虫細胞、昆虫、動物細胞などが用いられる。

エシエリヒア属菌としては、例えば、エシエリヒア・コリ(*Escherichia coli*)K12・DH1〔プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユーエスエー(Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.)、60巻、160(1968)〕, JM103〔ヌクイレック・アシックス・リサーチ, (Nucleic Acids Research), 9巻, 309(1981)〕, J A 221〔ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー(Journal of Molecular Biology)〕, 120巻, 517(1978)〕, HB101

10

20

30

40

50

〔ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー, 41巻, 459(1969)〕, C 600〔ジェネティックス(Genetics), 39巻, 440(1954)〕などが用いられる。バチルス属菌としては、例えば、バチルス・サチルス(*Bacillus subtilis*) M I 114〔ジーン, 24巻, 255(1983)〕, 207-21〔ジャーナル・オブ・バイオケミストリー(Journal of Biochemistry), 95巻, 87(1984)〕などが用いられる。酵母としては、例えば、サッカロマイセス セレビシエ(*Saccharomyces cerevisiae*) A H 22, A H 22 R⁻, N A 87-11A, D K D - 5 D, 20B-12、シゾサッカロマイセス ポンベ(*Schizosaccharomyces pombe*) N C Y C 1913, N C Y C 2036、ピキア パストリス(*Pichia pastoris*) K M 71などが用いられる。

昆虫細胞としては、例えば、ウイルスがA c N P Vの場合は、夜盗蛾の幼虫由来株化細胞(*Spodoptera frugiperda* cell; S f 細胞)、*Trichoplusia ni*の中腸由来のM G 1細胞、*Trichoplusia ni*の卵由来のHigh FiveTM細胞、*Mamestra brassicae*由来の細胞または*Estigmene acrea*由来の細胞などが用いられる。ウイルスがB m N P Vの場合は、蚕由来株化細胞(*Bombyx mori* N; B m N 細胞)などが用いられる。該S f 細胞としては、例えば、S f 9細胞(ATCC CRL1711)、S f 21細胞(以上、Vaughn, J.L.ら、イン・ヴィトロ(in Vitro), 13, 213-217, (1977))などが用いられる。

昆虫としては、例えば、カイコの幼虫などが用いられる〔前田ら、ネイチャー(Nature), 315巻, 592(1985)〕。

【0050】

動物細胞としては、例えば、サル細胞C O S - 7, Vero, チャイニーズハムスター細胞C H O(以下、C H O細胞と略記), d h f r 遺伝子欠損チャイニーズハムスター細胞C H O(以下、C H O(d h f r⁻)細胞と略記), マウスL細胞, マウスA t T - 2 0, マウスミエローマ細胞, ラットG H 3, ヒトF L細胞、293細胞、C 1 2 7細胞、B A L B 3 T 3細胞、S p - 2細胞などが用いられる。これらの中でも、C H O細胞、C H O(d h f r⁻)細胞、293細胞などが好ましい。

エシェリヒア属菌を形質転換するには、例えば、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンジーズ・オブ・ザ・ユーエスエー(Proc. Natl. Acad. Sci. U S A), 69巻, 2110(1972)やジーン(Gene), 17巻, 107(1982)などに記載の方法に従って行なうことができる。

バチルス属菌を形質転換するには、例えば、モレキュラー・アンド・ジェネラル・ジェネティックス(Molecular & General Genetics), 168巻, 111(1979)などに記載の方法に従って行なうことができる。

酵母を形質転換するには、例えば、メソッズ・イン・エンザイモロジー(Methods in Enzymology), 194巻, 182-187(1991)、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシーズ・オブ・ザ・ユーエスエー(Proc. Natl. Acad. Sci. U S A), 75巻, 1929(1978)などに記載の方法に従って行なうことができる。

昆虫細胞や昆虫を形質転換するには、例えば、バイオ/テクノロジー(Bio/Technology), 6, 47-55(1988)などに記載の方法に従って行なうことができる。

動物細胞を形質転換するには、例えば、細胞工学別冊8 新細胞工学実験プロトコール. 263-267(1995)(秀潤社発行)、ヴィロロジー(Virology), 52巻, 456(1973)に記載の方法に従って行なうことができる。

【0051】

発現ベクターの細胞への導入方法としては、例えば、リン酸カルシウム法〔Graham, F. L. and van der Eb, A. J. ヴィロロジー(Virology) 52, 456-467(1973)〕、電気穿孔法〔Nuemann, E. et al. エンボ・ジャーナル(EMBO J.) 1, 841-845(1982)〕等が用いられる。

このようにして、本発明のタンパク質をコードするD N Aを含有する発現ベクターで形質転換された形質転換体を得ることができる。

なお、動物細胞を用いて、本発明のタンパク質を安定に発現させる方法としては、上記の

10

20

30

40

50

動物細胞に導入された発現ベクターが染色体に組み込まれた細胞をクローン選択によって選択する方法がある。具体的には、上記の選択マーカーを指標にして形質転換体を選択することができる。さらに、このように選択マーカーを用いて得られた動物細胞に対して、繰り返しクローン選択を行なうことにより本発明のタンパク質の高発現能を有する安定な動物細胞株を得ることができる。また、d h f r 遺伝子を選択マーカーとして用いた場合、M T X 濃度を徐々に上げて培養し、耐性株を選択することにより、d h f r 遺伝子とともに、本発明のタンパク質をコードするDNAを細胞内で増幅させて、さらに高発現の動物細胞株を得ることもできる。

上記の形質転換体を本発明のタンパク質またはその部分ペプチドをコードするDNAが発現可能な条件下で培養し、本発明のタンパク質またはその部分ペプチドを生成、蓄積せしめることによって、本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩を製造することができる。

【0052】

宿主がエシェリヒア属菌、バチルス属菌である形質転換体を培養する際、培養に使用される培地としては液体培地が適当であり、その中には該形質転換体の生育に必要な炭素源、窒素源、無機物その他が含有せしめられる。炭素源としては、例えば、グルコース、デキストリン、可溶性澱粉、ショ糖など、窒素源としては、例えば、アンモニウム塩類、硝酸塩類、コーンスチーブ・リカー、ペプトン、カゼイン、肉エキス、大豆粕、バレイショ抽出液などの無機または有機物質、無機物としては、例えば、塩化カルシウム、リン酸二水素ナトリウム、塩化マグネシウムなどがそれぞれ用いられる。また、酵母エキス、ビタミン類、生長促進因子などを添加してもよい。培地のpHは約5～8が望ましい。

エシェリヒア属菌を培養する際の培地としては、例えば、グルコース、カザミノ酸を含むM9培地〔ミラー（Miller），ジャーナル・オブ・エクスペリメンツ・イン・モレキュラー・ジェネティックス（Journal of Experiments in Molecular Genetics），431-433，Cold Spring Harbor Laboratory, New York 1972〕が好ましい。ここに必要によりプロモーターを効率よく働かせるために、例えば3-インドリル アクリル酸のような薬剤を加えることができる。

宿主がエシェリヒア属菌の場合、培養は通常約15～43で約3～24時間行ない、必要により、通気や攪拌を加えることもできる。

宿主がバチルス属菌の場合、培養は通常約30～40で約6～24時間行ない、必要により通気や攪拌を加えることもできる。

【0053】

宿主が酵母である形質転換体を培養する際、培地としては、例えば、バークホールダー（Burkholder）最小培地〔Bostian, K. L. ら、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシズ・オブ・ザ・ユーワスエー（Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.），77巻，4505（1980）〕や0.5%カザミノ酸を含有するSD培地〔Bitter, G. A. ら、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシズ・オブ・ザ・ユーワスエー（Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.），81巻，5330（1984）〕が挙げられる。培地のpHは約5～8に調整するのが好ましい。培養は通常約20～35で約24～72時間行ない、必要に応じて通気や攪拌を加える。

宿主が昆虫細胞である形質転換体を培養する際、培地としては、Grace's Insect Medium（Grace, T.C.C., ネイチャー（Nature），195,788(1962)）に非動化した10%ウシ血清等の添加物を適宜加えたものなどが用いられる。培地のpHは約6.2～6.4に調整するのが好ましい。培養は通常約27で約3～5日間行ない、必要に応じて通気や攪拌を加える。

宿主が動物細胞である形質転換体を培養する際、培地としては、約5～20%の胎児牛血清を含むMEM培地〔サイエンス（Science），122巻，501（1952）〕，D MEM培地〔ヴィロロジー（Virology），8巻，396（1959）〕，RPMI 1640培地〔ジャーナル・オブ・ザ・アメリカン・メディカル・アソシエーション（The

10

20

30

40

50

Jounal of the American Medical Association) 199巻, 519(1967)], 199培地〔プロシージング・オブ・ザ・ソサイエティ・フォー・ザ・バイオロジカル・メディスン(Proceeding of the Society for the Biological Medicine), 73巻, 1(1950)〕などが用いられる。pHは約6~8であるのが好ましい。培養は通常約30~40で約15~72時間行ない、必要に応じて通気や攪拌を加える。

特に、CHO(dhfr⁻)細胞およびdhfr遺伝子を選択マーカーとして用いる場合、チミジンをほとんど含まない透析ウシ胎児血清を含むDME M培地を用いるのが好ましい。

【0054】

上記培養物から本発明のタンパク質を分離精製するには、例えば、下記の方法により行なうことができる。 10

本発明のタンパク質を培養菌体あるいは細胞から抽出するに際しては、培養後、公知の方法で菌体あるいは細胞を集め、これを適当な緩衝液に懸濁し、超音波、リゾチームおよび/または凍結融解などによって菌体あるいは細胞を破壊したのち、遠心分離やろ過により本発明のタンパク質の粗抽出液を得る方法などが適宜用い得る。緩衝液の中に尿素や塩酸グアニジンなどのたんぱく変性剤や、トリトンX-100TMなどの界面活性剤が含まれていてもよい。

培養液中にタンパク質が分泌される場合には、培養終了後、それ自体公知の方法で菌体あるいは細胞と上清とを分離し、上清を集める。このようにして得られた培養上清、あるいは抽出液中に含まれる本発明のタンパク質の精製は、自体公知の分離・精製法を適切に組み合わせて行なうことができる。これらの公知の分離、精製法としては、塩析や溶媒沈澱法などの溶解度を利用する方法、透析法、限外ろ過法、ゲルろ過法、およびSDS-ポリアクリルアミドゲル電気泳動法などの主として分子量の差を利用する方法、イオン交換クロマトグラフィーなどの荷電の差を利用する方法、アフィニティクロマトグラフィーなどの特異的親和性を利用する方法、逆相高速液体クロマトグラフィーなどの疎水性の差を利用する方法、等電点電気泳動法などの等電点の差を利用する方法などが用いられる。 20

かくして得られる本発明のタンパク質が遊離体で得られた場合には、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法によって塩に変換することができ、逆に塩で得られた場合には自体公知の方法あるいはそれに準じる方法により、遊離体または他の塩に変換することができる。 30

なお、組換え体が産生する本発明のタンパク質を、精製前または精製後に適当な蛋白修飾酵素を作用させることにより、任意に修飾を加えたり、ポリペプチドを部分的に除去することもできる。蛋白修飾酵素としては、例えば、トリプシン、キモトリプシン、アルギニルエンドペプチダーゼ、プロテインキナーゼ、グリコシダーゼなどが用いられる。

かくして生成する本発明のタンパク質の存在は、特異抗体を用いたエンザイムイムノアッセイなどにより測定することができる。

【0055】

本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩に対する抗体は、本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩(以下、本発明のタンパク質等と略記する)を認識し得る抗体であれば、ポリクローナル抗体、モノクローナル抗体の何れであってもよい。 40

本発明のタンパク質等に対する抗体(以下、本発明の抗体と略記する)は、本発明のタンパク質等を抗原として用い、自体公知の抗体または抗血清の製造法に従って製造することができる。

【0056】

〔モノクローナル抗体の作製〕

(a) モノクローナル抗体産生細胞の作製

本発明のタンパク質等は、温血動物に対して投与により抗体産生が可能な部位にそれ自体あるいは担体、希釈剤とともに投与される。投与に際して抗体産生能を高めるため、完全フロイントアジュvantや不完全フロイントアジュvantを投与してもよい。投与は通常 50

2～6週毎に1回ずつ、計2～10回程度行なうことができる。温血動物としては、例えば、サル、ウサギ、イヌ、モルモット、マウス、ラット、ヒツジ、ヤギ、ニワトリが用いられるが、マウスおよびラットが好ましく用いられる。

モノクローナル抗体産生細胞の作製に際しては、抗原を免疫された温血動物、例えば、マウスから抗体価の認められた個体を選択し最終免疫の2～5日後に脾臓またはリンパ節を採取し、それらに含まれる抗体産生細胞を同種または異種の骨髄腫細胞と融合させることにより、モノクローナル抗体産生ハイブリドーマを調製することができる。抗血清中の抗体価の測定は、例えば、後記の標識化タンパク質等と抗血清とを反応させたのち、抗体に結合した標識剤の活性を測定することにより行なうことができる。融合操作は既知の方法、例えば、ケーラーとミルスタインの方法〔ネイチャー(Nature)、256、495(1975)〕に従い実施できる。融合促進剤としては、例えば、ポリエチレンギリコール(PEG)やセンドライウィルスなどが挙げられるが、好ましくはPEGが用いられる。

骨髄腫細胞としては、例えば、NS-1、P3U1、SP2/0、AP-1などの温血動物由来の骨髄腫細胞が用いられるが、P3U1が好ましく用いられる。用いられる抗体産生細胞(脾臓細胞)数と骨髄腫細胞数との好ましい比率は1:1～20:1程度であり、PEG(好ましくはPEG1000～PEG6000)が10～80%程度の濃度で添加され、20～40、好ましくは30～37で1～10分間インキュベートすることにより効率よく細胞融合を実施することができる。

【0057】

モノクローナル抗体産生ハイブリドーマのスクリーニングには種々の方法が使用できるが、例えば、タンパク質等抗原を直接あるいは担体とともに吸着させた固相(例、マイクロプレート)にハイブリドーマ培養上清を添加し、次に放射性物質や酵素などで標識した抗免疫グロブリン抗体(細胞融合に用いられる細胞がマウスの場合、抗マウス免疫グロブリン抗体が用いられる)またはプロテインAを加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法、抗免疫グロブリン抗体またはプロテインAを吸着させた固相にハイブリドーマ培養上清を添加し、放射性物質や酵素などで標識したタンパク質等を加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法などが用いられる。

モノクローナル抗体の選別は、自体公知あるいはそれに準じる方法に従って行なうことができる。通常HAT(ヒポキサンチン、アミノブテリン、チミジン)を添加した動物細胞用培地で行なうことができる。選別および育種用培地としては、ハイブリドーマが生育できるものならばどのような培地を用いても良い。例えば、1～20%、好ましくは10～20%の牛胎児血清を含むRPMI1640培地、1～10%の牛胎児血清を含むGIFT培地(和光純薬工業(株))あるいはハイブリドーマ培養用無血清培地(SFM-101、日本製薬(株))などを用いることができる。培養温度は、通常20～40、好ましくは約37である。培養時間は、通常5日～3週間、好ましくは1週間～2週間である。培養は、通常5%炭酸ガス下で行なうことができる。ハイブリドーマ培養上清の抗体価は、上記の抗血清中の抗体価の測定と同様にして測定できる。

【0058】

(b) モノクローナル抗体の精製

モノクローナル抗体の分離精製は、自体公知の方法、例えば、免疫グロブリンの分離精製法(例、塩析法、アルコール沈殿法、等電点沈殿法、電気泳動法、イオン交換法(例、DEAE)による吸脱着法、超遠心法、ゲルろ過法、抗原結合固相あるいはプロテインAあるいはプロテインGなどの活性吸着剤により抗体のみを採取し、結合を解離させて抗体を得る特異的精製法)に従って行なうことができる。

【0059】

(ポリクローナル抗体の作製)

本発明のポリクローナル抗体は、それ自体公知あるいはそれに準じる方法にしたがって製造することができる。例えば、免疫抗原(タンパク質等抗原)とキャリアー蛋白質との複合体をつくり、上記のモノクローナル抗体の製造法と同様に温血動物に免疫を行ない、該免疫動物から本発明のポリクローナル抗体含有物を採取して、抗体の分離精製を行なうこ

10

20

30

40

50

とにより製造することができる。

温血動物を免疫するために用いられる免疫抗原とキャリアー蛋白質との複合体に関し、キャリアー蛋白質の種類およびキャリアーとハプテンとの混合比は、キャリアーに架橋させて免疫したハプテンに対して抗体が効率良くできれば、どの様なものをどの様な比率で架橋させてもよいが、例えば、ウシ血清アルブミンやウシサイログロブリン、ヘモシアニン等を重量比でハプテン1に対し、約0.1～20、好ましくは約1～5の割合でカプルさせる方法が用いられる。

また、ハプテンとキャリアーのカプリングには、種々の縮合剤を用いることができるが、グルタルアルデヒドやカルボジイミド、マレイミド活性エステル、チオール基、ジチオビリジル基を含有する活性エステル試薬等が用いられる。

縮合生成物は、温血動物に対して、抗体産生が可能な部位にそれ自体あるいは担体、希釈剤とともに投与される。投与に際して抗体産生能を高めるため、完全フロイントアジュバントや不完全フロイントアジュバントを投与してもよい。投与は、通常約2～6週毎に1回ずつ、計約3～10回程度行なうことができる。

ポリクローナル抗体は、上記の方法で免疫された温血動物の血液、腹水など、好ましくは血液から採取することができる。

抗血清中のポリクローナル抗体価の測定は、上記の血清中の抗体価の測定と同様にして測定できる。抗体の分離精製は、上記のモノクローナル抗体の分離精製と同様の免疫グロブリンの分離精製法に従って行なうことができる。

【0060】

本発明のタンパク質または部分ペプチドをコードするDNAまたはmRNAに実質的に相補的な塩基配列を有するアンチセンスDNAとしては、本発明のタンパク質または部分ペプチドをコードするDNAまたはmRNAの塩基配列またはその一部の塩基配列に実質的に相補的な塩基配列を有し、該タンパク質または部分ペプチドの発現を抑制し得る作用を有するオリゴヌクレオチドまたはその誘導体であれば、いずれのアンチセンスDNAであってもよい。

該DNAまたはmRNAに実質的に相補的な塩基配列とは、例えば、該DNAまたはmRNAに相補的な塩基配列（すなわち、該DNAまたはmRNAの相補鎖）の全塩基配列または部分塩基配列と約40%以上、好ましくは約60%以上、より好ましくは約80%以上、さらに好ましくは約90%以上の相同性を有する塩基配列などが挙げられる。特に、本発明のDNAまたはmRNAの相補鎖の全塩基配列うち、本発明のタンパク質等のN末端部位をコードする部分の塩基配列（例えば、開始コドン付近の塩基配列など）の相補鎖と約40%以上、好ましくは約60%以上、より好ましくは約80%以上、さらに好ましくは約90%以上の相同性を有するアンチセンスDNAが好適である。これらのアンチセンスDNAは、公知のDNA合成装置などを用いて製造することができる。

【0061】

本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩は、例えば、アポトーシス誘導活性、ウイルス感染細胞等に対する細胞傷害活性などの作用を有している。したがって、本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩はさまざまな用途に用いることができる。

以下に、本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩（以下、本発明のタンパク質等と略記する場合がある）、本発明のタンパク質等をコードするDNA（以下、本発明のDNAと略記する場合がある）、本発明のタンパク質等に対する抗体（本発明の抗体と略記する場合がある）およびアンチセンスDNAの用途を説明する。

【0062】

（1）各種疾病的治療・予防剤などの医薬

例えば、生体内においてFasリガンドが減少あるいは欠損しているために、細胞における、Fasリガンドの機能が十分に、あるいは正常に発揮されない患者がいる場合に、（イ）本発明のDNAを該患者に投与し、生体内で本発明のタンパク質等を発現させることによって、（ロ）細胞に本発明のDNAを挿入し、本発明のタンパク質等を発現させた後

10

20

30

40

50

に、該細胞を患者に移植することによって、(ハ)本発明のタンパク質等を該患者に投与することなどによって、該患者における本発明のタンパク質等の役割を十分に、あるいは正常に発揮させることができる。

したがって、本発明のタンパク質等および本発明のDNAは、例えば、癌(例、乳癌、前立腺癌、卵巣癌、ろ胞性リンパ球腫、p53変異を伴う癌、脳腫瘍、膀胱癌、子宮頸部癌、大腸癌(結腸/直腸癌)、非小細胞肺癌、小細胞肺癌、胃癌など)、ウイルス感染(例、エイズウイルス感染初期、ヘルペスウイルス感染、アデノウイルス感染、ボックスウイルス感染、水痘-帯状疱疹ウイルス感染、ヒトパピローマウイルス感染など)、ヘルコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染肝炎(例、A型肝炎、C型肝炎など)、腎炎、自己免疫性疾患(例、全身性エリテマトーデス、免疫関連糸球体腎炎など)、骨疾患(例、リウマチ関節炎(例、リウマチにおける滑膜細胞の異常増殖)など)、動脈硬化症、痛みなどの疾病、好ましくは、癌(例、乳癌、前立腺癌、卵巣癌、ろ胞性リンパ球腫、p53変異を伴う癌など)、ウイルス感染(例、エイズウイルス感染初期、ヘルペスウイルス感染、アデノウイルス感染、ボックスウイルス感染など)、肝炎、腎炎、リウマチ関節炎、動脈硬化症、自己免疫性疾患(例、全身性エリテマトーデス、免疫関連糸球体腎炎など)などの疾病的治療・予防剤などの医薬として有用である。

本発明のDNAを上記の治療・予防剤として使用する場合は、該DNAを単独あるいはレトロウイルスペクター、アデノウイルスペクター、アデノウイルスアソシエーテッドウイルスペクターなどの適当なベクターに挿入した後、常套手段に従ってヒトまたは温血動物に投与することができる。本発明のDNAは、そのまで、あるいは摂取促進のために補助剤などの生理学的に認められる担体とともに製剤化し、遺伝子銃やハイドロゲルカテーテルのようなカテーテルによって投与できる。

本発明のタンパク質等を上記の治療・予防剤として使用する場合は、少なくとも90%、好ましくは95%以上、より好ましく98%以上、さらに好ましくは99%以上に精製されたものを使用するのが好ましい。

【0063】

本発明のタンパク質等を上記の医薬として使用する場合は、例えば、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経口的に使用できる。例えば、本発明のタンパク質等あるいはDNAを生理学的に認められる担体、香味剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に認められた製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な容量が得られるようになるものである。本発明のDNAを用いる場合は、該DNAを単独あるいはレトロウイルスペクター、アデノウイルスペクター、アデノウイルスアソシエーテッドウイルスペクターなどの適当なベクターに挿入した後、常套手段に従って実施することができる。

錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えば、ゼラチン、コーンスターク、トラガント、アラビアゴムのような結合剤、結晶性セルロースのような賦形剤、コーンスターク、ゼラチン、アルギン酸などの膨化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーのような香味剤などが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、前記タイプの材料にさらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のための無菌組成物は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などの天然産出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方することができる。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液(例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナトリウムなど)などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール(例えば、エタノールなど)、ポリアルコール(例えば、プロピレングリコール、ポリエチレングリコールなど)、非イオン性界面活性剤(例えば、ポリソルベート80TM、HCO-50など)などと併用

10

20

30

40

50

してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤として安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。また、緩衝剤（例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液など）、無痛化剤（例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど）、安定剤（例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど）、保存剤（例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど）、酸化防止剤などと配合してもよい。調整された注射液は、通常、適当なアンプルに充填される。

本発明のDNAが挿入されたベクターも上記と同様に製剤化され、通常、非経口的に使用される。

【0064】

このようにして得られる製剤は、安全で低毒性であるので、例えば、ヒトまたは哺乳動物（例えば、ラット、マウス、モルモット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

本発明のタンパク質等の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、癌治療目的で本発明のタンパク質等を経口投与する場合、一般的に成人（60kgとして）においては、一日につき該タンパク質等を約0.1mg～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該タンパク質等の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、癌治療目的で本発明のタンパク質等を注射剤の形で成人（体重60kgとして）に投与する場合、一日につき該タンパク質等を約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を患部に注射することにより投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

【0065】

（2）遺伝子診断剤

本発明のDNAは、プローブとして使用することにより、ヒトまたは温血哺乳動物（例えば、ラット、マウス、モルモット、ウサギ、トリ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、ネコ、イヌ、サルなど）における本発明のタンパク質またはその部分ペプチドをコードするDNAの異常（遺伝子異常）を検出することができる。したがって、本発明のDNAは、本発明のタンパク質等が関与する各種疾患の遺伝子診断剤として有用である。

例えば、本発明のタンパク質またはその部分ペプチドをコードするmRNAが増加し、あるいはタンパク質の発現が増加していることが検出された場合は、例えば、エイズ、神経変性疾患（例、アルツハイマー病、パーキンソン病、筋萎縮性側索硬化症、色素性網膜炎、小脳変性など）、骨髄異形成疾患（例、再生不良性貧血など）、虚血性疾患（例、心筋梗塞、脳卒中など）、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎（例、劇症肝炎）、自己免疫性疾患（例、全身性エリテマトーデス、免疫関連糸球体腎炎など）、心筋症（例、拡張型心筋症）、糖尿病、糖尿病性合併症（例、糖尿病性合併症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症）、インフルエンザ感染、糸球体腎炎、潰瘍性大腸炎などの疾患、特に、エイズ、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患などの疾患である、または罹患する可能性が高いと診断することができる。

一方、本発明のタンパク質またはその部分ペプチドをコードするDNAまたはmRNAが損傷し、欠損し、あるいはタンパク質の発現が減少していることが検出された場合は、例えば、癌、ウイルス感染、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、リウマチ関節炎、動脈硬化症、自己免疫性疾患などの疾病であると診断することができる。

本発明のDNAを用いる上記の遺伝子診断は、例えば、自体公知のノーザンハイブリダイゼーションやPCR-SSCP法（ゲノミックス（Genomics），第5巻，874～879頁（1989年）、プロシージングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシズ・オブ・ユースエー（Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America），第86巻，2766～2770頁（1989年））などにより実施することができる。

10

20

30

40

50

例えば、ノーザンハイブリダイゼーションにより該mRNAの発現過多が検出された場合は、例えば、エイズ、神経変性疾患、骨髄異形成疾患、虚血性疾患、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患、心筋症、糖尿病、糖尿病性合併症、インフルエンザ感染、糸球体腎炎、潰瘍性大腸炎などの疾患、特に、エイズ、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾病である、または将来罹患する可能性が高いと診断することができる。

一方、ノーザンハイブリダイゼーションにより該mRNAの発現低下が検出された場合は、例えば、癌、ウイルス感染、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ球菌感染、肝炎、腎炎、リウマチ関節炎、動脈硬化症、自己免疫性疾患などの疾病である、または将来罹患する可能性が高いと診断することができる。

また、CR-SSCP法によりDNAの突然変異が検出された場合は、例えば、癌、ウイルス感染、肝炎、腎炎、リウマチ関節炎、動脈硬化症、自己免疫性疾患、エイズ、神経変性疾患、骨髄異形成疾患、虚血性疾患、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、心筋症、糖尿病、糖尿病性合併症、インフルエンザ感染、糸球体腎炎、潰瘍性大腸炎などの疾病である、または将来罹患する可能性が高いと診断することができる。

【0066】

(3) 本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩の定量

本発明の抗体は、本発明のタンパク質等を特異的に認識することができるので、被検液中の本発明のタンパク質等の定量、特にサンドイッチ免疫測定法による定量などに使用することができる。

すなわち、本発明は、

(i) 本発明の抗体と、被検液および標識化された本発明のタンパク質等とを競合的に反応させ、該抗体に結合した標識化された本発明のタンパク質等の割合を測定することを特徴とする被検液中の本発明のタンパク質等の定量法、および

(ii) 被検液と担体上に不溶化した本発明の抗体および標識化された本発明の別の抗体とを同時あるいは連続的に反応させたのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することを特徴とする被検液中の本発明のタンパク質等の定量法を提供する。

上記(ii)の定量法においては、一方の抗体が本発明のタンパク質等のN端部を認識する抗体で、他方の抗体が本発明のタンパク質等のC端部に反応する抗体であることが望ましい。

【0067】

また、本発明のタンパク質等に対するモノクローナル抗体（以下、モノクローナル抗体と称する場合がある）を用いて本発明のタンパク質等の定量を行なえるほか、組織染色等による検出を行なうこともできる。これらの目的には、抗体分子そのものを用いてもよく、また、抗体分子のF(ab')₂、F(ab')、あるいはF(ab)画分を用いてもよい。

本発明の抗体を用いる本発明のタンパク質等の定量法は、特に制限されるべきものではなく、被測定液中の抗原量（例えば、タンパク質量）に対応した抗体、抗原もしくは抗体-抗原複合体の量を化学的または物理的手段により検出し、これを既知量の抗原を含む標準液を用いて作製した標準曲線より算出する測定法であれば、いずれの測定法を用いてもよい。例えば、ネフロメトリー、競合法、イムノメトリック法およびサンドイッチ法が好適に用いられるが、感度、特異性の点で、後述するサンドイッチ法を用いるのが特に好ましい。

標識物質を用いる測定法に用いられる標識剤としては、例えば、放射性同位元素、酵素、蛍光物質、発光物質などが用いられる。放射性同位元素としては、例えば、[¹²⁵I]、[¹³¹I]、[³H]、[¹⁴C]などが、上記酵素としては、安定で比活性の大きなものが好ましく、例えば、-ガラクトシダーゼ、-グルコシダーゼ、アルカリフェオヌファーゼ、パーオキシダーゼ、リンゴ酸脱水素酵素などが、蛍光物質としては、例えば、フルオレスカミン、フルオレッセンイソチオシアネートなどが、発光物質としては、例えば、ルミノール、ルミノール誘導体、ルシフェリン、ルシゲニンなどがそれぞれ用いられる。さらに、抗体あるいは抗原と標識剤との結合にビオチン-アビジン系を用いることもでき

10

20

30

40

50

る。

【0068】

抗原あるいは抗体の不溶化に当っては、物理吸着を用いてもよく、また通常タンパク質あるいは酵素等を不溶化、固定化するのに用いられる化学結合を用いる方法でもよい。担体としては、例えば、アガロース、デキストラン、セルロースなどの不溶性多糖類、ポリスチレン、ポリアクリルアミド、シリコン等の合成樹脂、あるいはガラスなどが用いられる。

サンドイッチ法においては不溶化したモノクローナル抗体に被検液を反応させ（1次反応）、さらに標識化したモノクローナル抗体を反応させ（2次反応）たのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することにより被検液中の本発明のタンパク質量等を定量することができる。1次反応と2次反応は逆の順序に行っても、また、同時にになってもよいし時間をずらして行なってもよい。標識化剤および不溶化の方法は前記のそれらに準じることができる。また、サンドイッチ法による免疫測定法において、固相用抗体あるいは標識用抗体に用いられる抗体は必ずしも1種類である必要はなく、測定感度を向上させる等の目的で2種類以上の抗体の混合物を用いてもよい。

本発明のサンドイッチ法による本発明のタンパク質等の測定法においては、1次反応と2次反応に用いられる本発明のモノクローナル抗体は、本発明のタンパク質等の結合する部位が相異なる抗体が好ましく用いられる。すなわち、1次反応および2次反応に用いられる抗体は、例えば、2次反応で用いられる抗体が、本発明のタンパク質等のC端部を認識する場合、1次反応で用いられる抗体は、好ましくはC端部以外、例えばN端部を認識する抗体が用いられる。

【0069】

本発明のモノクローナル抗体をサンドイッチ法以外の測定システム、例えば、競合法、イムノメトリック法あるいはネフロメトリーなどに用いることができる。

競合法では、被検液中の抗原と標識抗原とを抗体に対して競合的に反応させたのち、未反応の標識抗原（F）と抗体と結合した標識抗原（B）とを分離し（B/F分離）、B、Fいずれかの標識量を測定し、被検液中の抗原量を定量する。本反応法には、抗体として可溶性抗体を用い、B/F分離をポリエチレングリコール、前記抗体に対する第2抗体などを用いる液相法、および、第1抗体として固相化抗体を用いるか、あるいは、第1抗体は可溶性のものを用い第2抗体として固相化抗体を用いる固相化法とが用いられる。

イムノメトリック法では、被検液中の抗原と固相化抗原とを一定量の標識化抗体に対して競合反応させた後固相と液相を分離するか、あるいは、被検液中の抗原と過剰量の標識化抗体とを反応させ、次に固相化抗原を加え未反応の標識化抗体を固相に結合させたのち、固相と液相を分離する。次に、いずれかの相の標識量を測定し被検液中の抗原量を定量する。

また、ネフロメトリーでは、ゲル内あるいは溶液中で抗原抗体反応の結果生じた不溶性の沈降物の量を測定する。被検液中の抗原量僅かであり、少量の沈降物しか得られない場合にもレーザーの散乱を利用するレーザーネフロメトリーなどが好適に用いられる。

【0070】

これら個々の免疫学的測定法を本発明の定量方法に適用するにあたっては、特別の条件、操作等の設定は必要とされない。それぞれの方法における通常の条件、操作法に当業者の通常の技術的配慮を加えて本発明のタンパク質等の測定系を構築すればよい。これらの一般的な技術手段の詳細については、総説、成書などを参照することができる。

例えば、入江 寛編「ラジオイムノアッセイ」（講談社、昭和49年発行）、入江 寛編「続ラジオイムノアッセイ」（講談社、昭和54年発行）、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」（医学書院、昭和53年発行）、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」（第2版）（医学書院、昭和57年発行）、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」（第3版）（医学書院、昭和62年発行）、「Methods in ENZYMOLOGY」Vol. 70(Immunochemical Techniques(Part A))、同書 Vol. 73(Immunochemical Techniques(Part B))、同書 Vol. 74(Immunochemical Techniques(Part C))、同書 Vol. 84(Immunochemical Techniques(Part D:Selected

10

20

30

40

50

Immunoassays))、同書 Vol. 92(Immunochemical Techniques(Part E:Monoclonal Antibodies and General Immunoassay Methods))、同書 Vol. 121(Immunochemical Techniques(Part I:Hybridoma Technology and Monoclonal Antibodies))(以上、アカデミックプレス社発行)などを参照することができる。

以上のようにして、本発明の抗体を用いることによって、本発明のタンパク質等を感度良く定量することができる。

【0071】

さらには、本発明の抗体を用いて本発明のタンパク質等の濃度を定量することによって、本発明のタンパク質が関与する各種疾患の診断を行なうことができる。

例えば、本発明のタンパク質等の濃度の減少が検出された場合は、例えば、癌、ウイルス感染、肝炎、腎炎、リウマチ関節炎、動脈硬化症、自己免疫性疾患などの疾患である、または将来罹患する可能性が高いと診断することができる。 10

一方、本発明のタンパク質等の濃度の増加が検出された場合は、例えば、エイズ、神経変性疾患、骨髄異形成疾患、虚血性疾患、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患、心筋症、糖尿病、糖尿病性合併症、インフルエンザ感染、糸球体腎炎、潰瘍性大腸炎などの疾患、特に、エイズ、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾病などの疾患である、または将来罹患する可能性が高いと診断することができる。

このように、本発明の抗体は上記疾患の診断剤として有用である。

また、本発明の抗体は、体液や組織などの被検体中に存在する本発明のタンパク質等を検出するために使用することができる。さらに、本発明のタンパク質等を精製するために使用する抗体カラムの作製、精製時の各分画中の本発明のタンパク質等の検出、被検細胞における本件タンパク質の挙動の検出などのために使用することができる。 20

【0072】

(4) 本発明の抗体を含有する医薬

本発明の抗体のうち、本発明のタンパク質等の活性を中和することができる抗体は、例えば、エイズ、神経変性疾患、骨髄異形成疾患、虚血性疾患、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患、心筋症、糖尿病、糖尿病性合併症、インフルエンザ感染、糸球体腎炎、潰瘍性大腸炎などの疾患、特に、エイズ、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾病などの疾患の予防・治療剤などの医薬として使用することができる。 30

本発明の抗体を含有する上記疾患の治療・予防剤は、そのまま液剤として、または適当な剤型の医薬組成物として、ヒトまたは哺乳動物(例、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど)に対して経口的または非経口的に投与することができる。投与量は、投与対象、対象疾患、症状、投与ルートなどによっても異なるが、例えば、成人のエイズの治療・予防のために使用する場合には、本発明の抗体を1回量として、通常0.01～20mg/kg体重程度、好ましくは0.1～10mg/kg体重程度、さらに好ましくは0.1～5mg/kg体重程度を、1日1～5回程度、好ましくは1日1～3回程度、静脈注射により投与するのが好都合である。他の非経口投与および経口投与の場合もこれに準ずる量を投与することができる。症状が特に重い場合には、その症状に応じて増量してもよい。 40

本発明の抗体は、それ自体または適当な医薬組成物として投与することができる。上記投与に用いられる医薬組成物は、上記またはその塩と薬理学的に許容され得る担体、希釈剤もしくは賦形剤とを含むものである。かかる組成物は、経口または非経口投与に適する剤形として提供される。

すなわち、例えば、経口投与のための組成物としては、固体または液体の剤形、具体的には錠剤(糖衣錠、フィルムコーティング錠を含む)、丸剤、顆粒剤、散剤、カプセル剤(ソフトカプセル剤を含む)、シロップ剤、乳剤、懸濁剤などがあげられる。かかる組成物は自体公知の方法によって製造され、製剤分野において通常用いられる担体、希釈剤もしくは賦形剤を含有するものである。例えば、錠剤用の担体、賦形剤としては、乳糖、でん 50

ぶん、蔗糖、ステアリン酸マグネシウムなどが用いられる。

【0073】

非経口投与のための組成物としては、例えば、注射剤、坐剤などが用いられ、注射剤は静脈注射剤、皮下注射剤、皮内注射剤、筋肉注射剤、点滴注射剤などの剤形を包含する。かかる注射剤は、自体公知の方法に従って、例えば、上記抗体またはその塩を通常注射剤に用いられる無菌の水性もしくは油性液に溶解、懸濁または乳化することによって調製する。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール（例、エタノール）、ポリアルコール（例、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール）、非イオン界面活性剤〔例、ポリソルベート 80、HCO-50 (polyoxyethylene (50 mol) adduct of hydrogenated castor oil)〕などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤として安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどを併用してもよい。調製された注射液は、通常、適当なアンプルに充填される。直腸投与に用いられる坐剤は、上記抗体またはその塩を通常の坐薬用基剤に混合することによって調製される。

上記の経口用または非経口用医薬組成物は、活性成分の投与量に適合するような投薬単位の剤形に調製されることが好都合である。かかる投薬単位の剤形としては、錠剤、丸剤、カプセル剤、注射剤（アンプル）、坐剤などが例示され、それぞれの投薬単位剤形当たり通常 5 ~ 500 mg、とりわけ注射剤では 5 ~ 100 mg、その他の剤形では 10 ~ 250 mg の上記抗体が含有されていることが好ましい。

なお前記した各組成物は、上記抗体との配合により好ましくない相互作用を生じない限り他の活性成分を含有してもよい。

【0074】

(5) 医薬候補化合物のスクリーニング

(A) 本発明のタンパク質等とレセプターとの結合性を変化させる化合物のスクリーニング方法

本発明のタンパク質等は、TNF レセプターファミリーに属するレセプター（以下、レセプターと略記する）に特異的に結合することができるので、本発明のタンパク質等と該レセプターを用いたリガンド・レセプター結合アッセイ系を構築することによって、TNF リガンドファミリー（例えば、TNF、リンホトキシン-、リンホトキシン-、Fas リガンド、神経成長因子など）と同様の作用を有する医薬候補化合物のスクリーニングや、本発明のタンパク質等の作用を阻害する医薬候補化合物のスクリーニングを行なうことができる。すなわち、本発明は、本発明のタンパク質等を用いる、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合性を変化させる化合物のスクリーニング方法を提供する。

このような本発明のタンパク質等とレセプターとの結合性を変化させる化合物には、(イ) 該レセプターを介した細胞刺激活性（例えば、DNA 合成促進、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内 cAMP 生成、細胞内 cGMP 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos の活性化、pH の低下などを促進する活性または抑制する活性など）、アポトーシス誘導作用、細胞傷害活性などの活性を有する化合物（いわゆるアゴニスト）、(ロ) 該細胞刺激活性、アポトーシス誘導作用、細胞傷害活性などの活性を有しない化合物（いわゆるアンタゴニスト）、(ハ) 本発明のタンパク質等とレセプターとの結合力を増強する化合物、あるいは(ニ) 本発明のタンパク質等とレセプターとの結合力を減少させる化合物などが含まれる（なお、上記(イ)の化合物は、前記したリガンド決定方法によってスクリーニングすることが好ましい）。

【0075】

すなわち、本発明は、

(1) (i) レセプターまたはその部分ペプチドに、本発明のタンパク質等を接触させた場合と (ii) レセプターまたはその部分ペプチドに、本発明のタンパク質等および試験化合物を接触させた場合との比較を行なうことを特徴とする、本発明のタンパク質等とレセ

10

20

30

40

50

プターとの結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(2) (i) レセプターを含有する細胞またはその細胞膜画分に、本発明のタンパク質等を接触させた場合と (ii) レセプターを含有する細胞またはその細胞膜画分に、本発明のタンパク質等および試験化合物を接触させた場合との比較を行なうことを特徴とする、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、および

(3) (i) レセプターを含有する細胞またはその細胞膜画分に、本発明のタンパク質を含有する細胞またはその細胞膜画分を接触させた場合と (ii) レセプターを含有する細胞またはその細胞膜画分に、本発明のタンパク質を含有する細胞またはその細胞膜画分および試験化合物を接触させた場合との比較を行なうことを特徴とする、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。
10

【0076】

具体的には、本発明のスクリーニング方法においては、(i) と (ii) の場合における、例えば、レセプターまたはレセプターを含有する細胞等に対する本発明のタンパク質等の結合量、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を測定して、比較することを特徴とするものである。

より具体的には、本発明は、

(1a) (i) 標識した本発明のペプチド等を、レセプターまたはその部分ペプチドに接触させた場合と、(ii) 標識した本発明のタンパク質等および試験化合物を、レセプターまたはその部分ペプチドに接触させた場合における、標識した本発明のタンパク質等の該レセプターまたはその部分ペプチドまたはそれらの塩に対する結合量を測定し、比較することを特徴とする、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、(2a) (i) 標識した本発明のタンパク質等を、レセプターを含有する細胞またはその細胞膜画分に接触させた場合と、(ii) 標識した本発明のタンパク質等および試験化合物を、レセプターを含有する細胞またはその細胞膜画分に接触させた場合における、標識した本発明のタンパク質等の該細胞またはその細胞膜画分に対する結合量を測定し、比較することを特徴とする、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、
20

(2b) (i) 本発明のタンパク質等を、レセプターを含有する細胞に接触させた場合と、(ii) 本発明のタンパク質および試験化合物を、レセプターを含有する細胞に接触させた場合における、レセプターを介した細胞刺激活性（例えば、DNA合成促進、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 濃度の変動、細胞内 cAMP 生成、細胞内 cGMP 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos の活性化、pH の低下、細胞の遊走活性などを促進する活性または抑制する活性など）、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を測定し、比較することを特徴とする、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、
30

【0077】

(3a) (i) 本発明のタンパク質を含有する細胞またはその細胞膜画分を、レセプターを含有する細胞に接触させた場合と、(ii) 本発明のタンパク質を含有する細胞またはその細胞膜画分および試験化合物を、レセプターを含有する細胞に接触させた場合における、レセプターを介した細胞刺激活性（例えば、DNA合成促進、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 濃度の変動、細胞内 cAMP 生成、細胞内 cGMP 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos の活性化、pH の低下、細胞の遊走活性などを促進する活性または抑制する活性など）、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を測定し、比較することを特徴とする、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。
40

上記の (1a) または (2a) のスクリーニング方法において、レセプターに結合して、

50

本発明のタンパク質等とレセプターとの結合を阻害する化合物が、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合性を変化させる化合物として選択できる。

上記(2b)または(3a)のスクリーニング方法において、レセプターに結合し、該レセプターを介した細胞刺激活性(例えば、DNA合成促進、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺濃度の変動、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下、細胞の遊走活性などを促進する活性または抑制する活性など)、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を有する化合物をレセプターアゴニストとして選択することができ、一方、レセプターと結合するが、該細胞刺激活性、アポトーシス誘導活性などの活性を有しない化合物をレセプターアンタゴニストとして選択することができる。

また、上記の(1a)または(2a)のスクリーニング方法において、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合性を変化させる活性が認められた試験化合物の中で、該アポトーシス誘導活性等を有する化合物をレセプターアゴニストとして選択することができ、該アポトーシス誘導活性等を有しない化合物をレセプターアンタゴニストとして選択することができる。

【0078】

本発明のスクリーニング方法に用いられるレセプターとしては、本発明のタンパク質等が結合し得るレセプターであればいずれのものでもよく、例えば、TNFレセプターファミリーに属するレセプターや本発明のタンパク質等に対するレセプターが用いられる。TNFレセプターファミリーに属するレセプターとしては、例えば、TNFレセプター(55kDa:セル(Cell)61, p351-359, 1990; 75kDa:サイエンス(Science)248, 10 19-1023, 1990)、リンホトキシン-レセプター、Fas(セル(Cell)66, p233-243, 1991)、CD27(ザ・ジャーナル・オブ・イムノロジー(The Journal of Immunology)147, p3165-3169, 1991)、CD30(セル(Cell)68, p421-427, 1992)、CD40(ザ・エンボ・ジャーナル(The EMBO Journal)8, p1403-1410, 1989)、OX40(ヨーロッピアン・ジャーナル・イムノロジー(European Journal Immunology)24/3, p677-683, 1994)、DR4(サイエンス(Science)276, 111-113, 1997)、DR3/WSL-1(ネイチャー(NATURE)384, 372-375, 1996;サイエンス(Science)274, 990-992, 1996)、TR2(ザ・ジャーナル・オブ・バイオロジカル・ケミストリー(The Journal of Biological Chemistry)272, p14272-14276, 1997)などが用いられる。

これらのレセプターおよび本発明のタンパク質等に対するレセプターは、自体公知のタンパク質の精製方法に従って入手することができ、また、自体公知の遺伝子工学的手法に従って該レセプターをコードするDNAをクローニングした後、前記した本発明のタンパク質等の発現方法に従って目的とするレセプター入手することもできる。

該レセプターの部分ペプチドとしては、全長レセプターを適当に切断して得られる部分ペプチドを用いることができる。

標識した本発明のタンパク質等としては、例えば、[³H]、[¹²⁵I]、[¹⁴C]、[³⁵S]などで標識した本発明のタンパク質等などを用いることができる。

【0079】

本発明のスクリーニング方法に用いられる上記レセプターを含有する細胞としては、前記した本発明のタンパク質等を発現させるために用いる宿主細胞として列記したものと同様のものを用いることができるが、なかでも、CHO細胞などが好ましい。

レセプターを含有する細胞は、レセプターをコードするDNAを用いて、自体公知の方法、例えば、前記した本発明のタンパク質の発現方法などに従って製造することができる。また、上記レセプターを含有する細胞として、Jurkat細胞株、U937細胞株(以上、ザ・ジャーナル・オブ・バイオロジカル・ケミストリー(THE JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY)271, 12691-12694, 1996)、HePG2細胞株、THP-1細胞株などの株化細胞を用いることもできる。

本発明のスクリーニング方法に用いられる本発明のタンパク質等を含有する細胞としては

10

20

30

40

50

、前記した本発明のタンパク質等を発現させるために用いる宿主細胞として列記したものと同様のものを用いることができるが、なかでも、C H O 細胞などが好ましい。レセプターを含有する細胞は、レセプターをコードするD N A を用いて、自体公知の方法、例えば、前記した本発明のタンパク質の発現方法などに従って製造することができる。

本発明のスクリーニング方法において、レセプターを含有する細胞または本発明のタンパク質等を含有する細胞を用いる場合、該細胞をグルタルアルデヒド、ホルマリンなどで固定化することができる。固定化方法は、それ自体公知の方法に従って行なうことができる。また、本発明のタンパク質等を含有する組織として、各種動物の肝臓、脾臓等またはそれらの膜画分を用いることができる。

【0080】

上記レセプターを含有する細胞または本発明のタンパク質等を含有する細胞の細胞膜画分としては、細胞を破碎した後、それ自体公知の方法で得られる細胞膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破碎方法としては、Potter - Elvehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリトロン (Kinematica社製) のによる破碎、超音波による破碎、フレンチプレスなどで加圧しながら細胞を細いノズルから噴出させることによる破碎などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破碎液を低速 (500 r p m ~ 3000 r p m) で短時間 (通常、約1分~10分) 遠心し、上清をさらに高速 (15000 r p m ~ 30000 r p m) で通常30分~2時間遠心し、得られる沈澱を膜画分とする。該膜画分中には、発現したレセプターまたは本発明のタンパク質等と、細胞由来のリン脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。

該レセプターを含有する細胞やその細胞膜画分中のレセプターの量は、1細胞当たり 10^3 ~ 10^8 分子であるのが好ましく、 10^5 ~ 10^7 分子であるのが好適である。なお、発現量が多いほど膜画分当たりのリガンド結合活性 (比活性) が高くなり、高感度なスクリーニング系の構築が可能になるばかりでなく、同一ロットで大量の試料を測定できるようになる。

【0081】

試験化合物としては、例えば、ペプチド、タンパク質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液、血漿などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

本発明のスクリーニング方法において、本発明のタンパク質等とレセプターとの反応は、通常約37°で数時間 (例えば、20分~24時間、好ましくは30分~3時間) 行なうことができる。

具体的には、上記の (1a) または (2a) のスクリーニング方法を実施するには、まず、レセプターを含有する細胞またはその細胞膜画分、あるいはレセプターまたはその部分ペプチドを、スクリーニングに適したバッファーに懸濁することによりレセプター標品を調製する。バッファーには、pH約4~10 (望ましくは、pH約6~8) のリン酸バッファー、トリス - 塩酸バッファーなどの、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合を阻害しないバッファーであればいずれでもよい。また、非特異的結合を低減させる目的で、C H A P S、T w e e n - 8 0TM (花王 - アトラス社)、ジギトニン、デオキシコレートなどの界面活性剤をバッファーに加えることもできる。さらに、プロテアーゼによるレセプターやリガンドの分解を抑える目的で、P M S F、ロイペプチド、バシトラシン、アプロチニン、E - 6 4 (タンパク質研究所製)、ペプスタチンなどのプロテアーゼ阻害剤を添加することもできる。一方、細胞が固定化細胞の場合、培養器に固定化させたまま、つまり細胞を生育させた状態で、あるいはグルタルアルデヒドやパラホルムアルデヒドで固定した細胞を用いて、本発明のタンパク質等とレセプターを結合させることができる。

【0082】

この場合、該緩衝液は培地やハンクス液などが用いられる。そして、0.01 m l ~ 10 m l の該レセプター溶液に、一定量 (例えば、2000 C i / m m o l の場合、約10000 c p m ~ 100000 c p m) の標識した本発明のタンパク質等 (例えば、[¹²⁵ I] -

10

20

30

40

50

I] で標識した本発明のタンパク質等)を添加し、同時に $10^{-4}M \sim 10^{-10}M$ の試験化合物を共存させる。非特異的結合量(NSB)を知るために大過剰の未標識の本発明のタンパク質等を加えた反応チューブも用意する。反応は0から50、望ましくは4から37で20分から24時間、望ましくは30分から3時間行なう。反応後、ガラス纖維濾紙等で濾過し、適量の同バッファーで洗浄した後、ガラス纖維濾紙に残存する放射活性(例えば、 $[^{125}I]$ の量)を液体シンチレーションカウンターまたはカウンターで測定する。濾過には、マニホールドやセルハーベスターを用いることができるが、セルハーベスターを用いることが効率を上げるために望ましい。拮抗する物質がない場合のカウント(B_0)から非特異的結合量(NSB)を引いたカウント($B_0 - NSB$)を100%とした時、特異的結合量($B - NSB$)が、例えばカウント($B_0 - NSB$)の50%以下になる試験化合物をアゴニストまたはアンタゴニスト候補化合物として選択することができる。
10

【0083】

また、上記(2b)または(3a)のスクリーニング方法を実施するためには、レセプターを介した細胞刺激活性(例えば、DNA合成促進、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 濃度の変動、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos活性化、pHの低下、細胞の遊走活性などを促進する活性または抑制する活性など)、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を公知の方法あるいはそれに準じる方法に従って測定することができる。
20

具体的には、まず、レセプターを含有する細胞をマルチウェルプレート等に培養する。スクリーニングを行なうにあたっては前もって新鮮な培地あるいは細胞に毒性を示さない適当なバッファーに交換し、試験化合物などを添加して一定時間インキュベートした後、細胞を抽出あるいは上清液を回収して、生成した産物をそれぞれ自体公知の方法に従って定量する。細胞刺激活性の指標とする物質(例えば、アラキドン酸など)の生成が、細胞が含有する分解酵素によって検定困難な場合は、該分解酵素に対する阻害剤を添加してアッセイを行なってよい。また、cAMP産生抑制などの活性については、フォルスコリンなどで細胞の基礎的産生量を増大させておいた細胞に対する産生抑制作用として検出することができる。
30

【0084】

アポトーシスとは、例えば、細胞縮小、クロマチン凝縮、核濃縮、細胞表面微絨毛消失、大小突起の出現(blebbing)、アポトーシス小体形成、細胞縮小に伴う周辺細胞との間隙、隣接細胞による貧食除去などをいう(日本臨床、第54巻、第7号(1996))。

アポトーシス誘導活性は、例えば、細胞工学別冊 実験プロトコールシリーズ、アポトーシス実験プロトコール(1994年12月20日発行、秀潤社)などに従って、アポトーシスの形態学的解析または生化学的解析を行なうことによって測定することができる。アポトーシスの形態学的解析法としては、例えば、光学顕微鏡によるアポトーシス観察(例、位相差顕微鏡による観察、色素染色による浮遊または接着細胞の観察、蛍光染色による観察などの細胞形態の観察、パラフィン切片の作製、ヘマトキシリン・エオジン染色標本の作製などの組織形態の観察など)、電子顕微鏡によるアポトーシスの観察(例、薄片作製および電子染色法など)などが用いられる。アポトーシスの生化学的解析法としては、例えば、DNA断片化の解析(例、アガロースゲル電気泳動法など)、細胞死の判定法(例、クリスタルバイオレット法、MTT法、LDH法など)などが用いられる。
40

細胞障害活性の測定は、ルービエ E.(Rouvier E.)等の方法に準じて行なうことができる(ジャーナル・オブ・エクスペリメンタル・メディシン(Journal of Experimental Medicine)177巻、195-200頁、1993年)。

上記(2b)または(3a)のスクリーニング方法において、試験化合物を添加した際にレセプターを含有する細胞がアポトーシス、細胞傷害などを起こした場合、該試験化合物をレセプターアゴニスト候補化合物として選択することができる。一方、試験化合物を添加した際にレセプターを含有する細胞のアポトーシス、細胞傷害などが抑制された場合、
50

該試験化合物をレセプターアンタゴニスト候補化合物として選択することができる。

【0085】

本発明のスクリーニング用キットは、本発明のタンパク質等、好ましくはさらに、レセプターを含有する細胞もしくはその細胞膜画分等を含有するものである。

本発明のスクリーニング用キットの例としては、次のものが挙げられる。

〔スクリーニング用試薬〕

1 測定用緩衝液および洗浄用緩衝液

Hanks' Balanced Salt Solution (ギブコ社製) に、0.05%のウシ血清アルブミン (シグマ社製) を加えたもの。

孔径 0.45 μm のフィルターで濾過滅菌し、4 で保存するか、あるいは用時調製しても良い。

2 レセプター標品

本発明のタンパク質に対するレセプターまたはTNFレセプターなどを含有するCHO細胞を、12穴プレートに 5×10^5 個 / 穴で継代し、37、5%CO₂、95%airで2日間培養したもの。

3 標識した本発明のタンパク質標品

本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩を [³H]、[¹²⁵I]、[¹⁴C]、[³⁵S] などで標識したもの。

4 本発明のタンパク質等標準液

本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩を 0.1%ウシ血清アルブミン (シグマ社製) を含む PBS で 0.1 mM となるように溶解し、-20 で保存する。

【0086】

〔測定法〕

1 12穴組織培養用プレートにて培養した組換え型レセプターを含有するCHO細胞を、測定用緩衝液 1 ml で 2 回洗浄した後、490 μl の測定用緩衝液を各穴に加える。

2 10^{-3} ~ 10^{-10} M の試験化合物溶液を 5 μl 加えた後、5 nM の標識した本発明のタンパク質等を 5 μl 加え、室温にて 1 時間反応させる。非特異的結合量を知るために試験化合物のかわりに 10^{-4} M の本発明のタンパク質等を 5 μl 加えておく。

3 反応液を除去し、1 ml の洗浄用緩衝液で 3 回洗浄する。細胞に結合した標識した本発明のタンパク質等を 0.5 ml の 0.2 N NaOH - 1% SDS で溶解し、4 ml の液体シンチレーター A (和光純薬製) と混合する。

4 液体シンチレーションカウンター (ベックマン社製) を用いて放射活性を測定し、Percent Maximum Binding (PMB) を次の式 [数1] で求める。なお、[¹²⁵I] で標識されている場合は、液体シンチレーターと混合することなしに直接ガムマーカウンターで測定できる。

【0087】

【数1】

$$PMB = [(B - NSB) / (B_0 - NSB)] \times 100$$

40

PMB : Percent Maximum Binding

B : 検体を加えた時の値

NSB : Non-specific Binding (非特異的結合量)

B₀ : 最大結合量

【0088】

以上のとおり、本発明のタンパク質等は、本件タンパク質とレセプターとの結合性を変化させる化合物をスクリーニングするための試薬として有用である。

本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物また

50

はその塩は、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合性を変化させる作用を有する化合物であり、具体的には、(イ) レセプターを介した細胞刺激活性、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの作用を有する化合物(いわゆる、アゴニスト)、(ロ) 該細胞刺激活性、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの作用を有しない化合物(いわゆる、アンタゴニスト)、(ハ) 本発明のタンパク質等とレセプターとの結合力を増強する化合物、あるいは(ニ) 本発明のタンパク質等とレセプターとの結合力を減少させる化合物である。

該化合物は、前述した試験化合物(例、ペプチド、タンパク質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液、血漿など)から得られるものであり、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

【0089】

レセプターアゴニストは、本発明のタンパク質等が有する生理活性の全部または一部を有しているので、該生理活性に応じて安全で低毒性な医薬として有用である。例えば、癌(例、乳癌、前立腺癌、卵巣癌、ろ胞性リンパ球腫、p53変異を伴う癌、脳腫瘍、膀胱癌、子宮頸部癌、大腸癌(結腸/直腸癌)、非小細胞肺癌、小細胞肺癌、胃癌など)、ウイルス感染(例、エイズウイルス感染初期、ヘルペスウイルス感染、アデノウイルス感染、ボックスウイルス感染、水痘-帯状疱疹ウイルス感染、ヒトパピローマウイルス感染など)、ヘルコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎(例、A型肝炎、C型肝炎など)、腎炎、自己免疫性疾患(例、全身性エリテマトーデス、免疫関連糸球体腎炎など)、骨疾患(例、リウマチ関節炎(例、リウマチにおける滑膜細胞の異常増殖)など)、動脈硬化症、痛みなどの疾病、好ましくは、癌(例、乳癌、前立腺癌、卵巣癌、ろ胞性リンパ球腫、p53変異を伴う癌など)、ウイルス感染(例、エイズウイルス感染初期、ヘルペスウイルス感染、アデノウイルス感染、ボックスウイルス感染など)、肝炎、腎炎、リウマチ関節炎、動脈硬化症、自己免疫性疾患(例、全身性エリテマトーデス、免疫関連糸球体腎炎など)などの疾患の予防・治療剤などの医薬として有用である。

レセプターアンタゴニストは、本発明のタンパク質等が有する生理活性の全部または一部を抑制することができるので、該生理活性を抑制する安全で低毒性な医薬として有用である。例えば、エイズ、神経変性疾患(例、アルツハイマー病、パーキンソン病、筋萎縮性側索硬化症、色素性網膜炎、小脳変性など)、骨髄異形成疾患(例、再生不良性貧血など)、虚血性疾患(例、心筋梗塞、脳卒中など)、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎(例、劇症肝炎)、自己免疫性疾患(例、全身性エリテマトーデス、免疫関連糸球体腎炎など)、心筋症(例、拡張型心筋症)、糖尿病、糖尿病性合併症(例、糖尿病性合併症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症)、インフルエンザ感染、糸球体腎炎、潰瘍性大腸炎などの疾患、好ましくは、例えば、エイズ、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患などの疾患の予防・治療剤などの医薬として有用である。

【0090】

本発明のタンパク質等とレセプターとの結合力を増強する化合物は、本発明のタンパク質等の生理活性を増強するための安全で低毒性な医薬として有用である。該化合物は、上記アゴニストと同様に、例えば、癌、ウイルス感染、ヘルコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、自己免疫性疾患、骨疾患、動脈硬化症、痛みなどの疾患などの治療・予防剤などの医薬として有用である。

本発明のタンパク質等とレセプターとの結合力を減少させる化合物は、本発明のタンパク質等の生理活性を減少させるための安全で低毒性な医薬として有用である。該化合物は、上記アンタゴニストと同様に、例えば、エイズ、神経変性疾患、骨髄異形成疾患、虚血性疾患、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患、心筋症、糖尿病、糖尿病性合併症、インフルエンザ感染、糸球体腎炎、潰瘍性大腸炎などの疾患などの治療・予防剤などの医薬として有用である。

上記スクリーニング方法で得られた化合物は塩を形成してもよく、該化合物の塩とし

10

20

30

40

50

ては、生理学的に許容される酸（例、無機酸、有機酸）または塩基（例、アルカリ金属）との塩が用いられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば、無機酸（例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸）との塩、あるいは有機酸（例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蔴酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸）との塩などが用いられる。

【0091】

該化合物を上記の疾患の治療・予防剤として用いる場合、前記した本発明のタンパク質等を含有する医薬と同様にして製剤化し、使用することができる。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

上記スクリーニングで得られた化合物またはその塩の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、癌治療の目的で該レセプターアゴニストを経口投与する場合、一般的に成人（体重60kgとして）においては、一日につき該アゴニストを約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該アゴニストの1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、癌治療の目的で該アゴニストを注射剤の形で通常成人（60kgとして）に投与する場合、一日につき該アゴニストを約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

また、エイズ治療の目的で該レセプターアンタゴニストを経口投与する場合、一般的に成人（体重60kgとして）においては、一日につき該アンタゴニストを約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該アンタゴニストの1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、エイズ治療の目的で該アンタゴニストを注射剤の形で通常成人（60kgとして）に投与する場合、一日につき該アンタゴニストを約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

【0092】

また、癌治療の目的で本発明のタンパク質等の生理活性を増強する化合物を経口投与する場合、一般的に成人（体重60kgとして）においては、一日につき該化合物を約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、癌治療の目的で該化合物を注射剤の形で通常成人（60kgとして）に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

また、エイズ治療の目的で本発明のタンパク質等の生理活性を減少する化合物を経口投与する場合、一般的に成人（体重60kgとして）においては、一日につき該化合物を約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、エイズ治療の目的で該化合物を注射剤の形で通常成人（60kgとして）に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

10

20

30

40

50

【0093】

(B) 本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する化合物のスクリーニング方法およびスクリーニング用キット

本発明のタンパク質またはその塩は膜結合型タンパク質であり、(i)膜に結合したまま、あるいは(ii)生体内に存在するプロテイナーゼによって膜結合部位が切断され、細胞外部分が放出され、レセプターと結合することによって、その機能を発揮すると考えられる。したがって、本発明のタンパク質等および本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼを用いることによって、本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する活性を有する化合物を選択することができる。

該プロテイナーゼの活性を促進する活性を有する化合物は、生体内における本発明のタンパク質等の細胞外部分の放出を促進することにより、細胞間接触に依存しない発明のタンパク質等の活性を促進することができるので、例えば、癌、ウイルス感染症、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、自己免疫性疾患、骨疾患、動脈硬化症、痛みなどの疾患の予防・治療剤などの医薬として期待できる。 10

一方、該プロテイナーゼの活性を阻害する活性を有する化合物は、生体内における本発明のタンパク質等の細胞外部分の放出を阻害することにより、細胞間接触に依存しない発明のタンパク質等の活性を阻害することができるので、例えば、エイズ、神経変性疾患、骨髄異形成疾患、虚血性疾患、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患、心筋症、糖尿病、糖尿病性合併症、インフルエンザ感染、糸球体腎炎、潰瘍性大腸炎などの疾患、特に、エイズ、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患などの疾患の予防・治療剤などの医薬として期待できる。 20

すなわち、本発明は、本発明のタンパク質等を用いることを特徴とする本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する活性を有する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

【0094】

より具体的には、本発明は、

(1) (i) 本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼ(ただし、本発明のタンパク質を含有する細胞が、本発明のタンパク質を分解する活性を有する細胞外プロテイナーゼを産生・分泌する場合は、該細胞が産生・分泌する該細胞外プロテイナーゼでもよい)の存在下で本発明のタンパク質を含有する細胞を培養して得られる培養上清と、レセプターを含有する細胞とを接触させた場合と、(ii) 該プロテイナーゼおよび試験化合物の存在下で本発明のタンパク質を含有する細胞を培養して得られる培養上清と、レセプターを含有する細胞とを接触させた場合との比較を行なうことを特徴とする本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する活性を有する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。 30

具体的には、本発明のスクリーニング方法においては、(i)と(ii)の場合における、例えば、レセプターを介する細胞刺激活性、レセプターを含有する細胞のアポトーシスや細胞傷害などを測定(観察)して、比較することを特徴とするものである。

より具体的には、本発明は、

(1a) (i) 本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼ(ただし、本発明のタンパク質を含有する細胞が、本発明のタンパク質を分解する活性を有する細胞外プロテイナーゼを産生・分泌する場合は、該細胞が産生・分泌する該細胞外プロテイナーゼでもよい)の存在下で本発明のタンパク質を含有する細胞を培養して得られる培養上清と、レセプターを含有する細胞とを接触させた場合と、(ii) 本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼ(ただし、本発明のタンパク質を含有する細胞が、本発明のタンパク質を分解する活性を有する細胞外プロテイナーゼを産生・分泌する場合は、該細胞が産生・分泌する該細胞外プロテイナーゼでもよい)および試験化合物の存在下で本発明のタンパク質を含有する細胞を培養して得られる培養上清と、レセプターを含有する細胞とを接触させた場合における、レセプターを介した細胞刺激活性(例えば、DNA合成促進、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺濃度の変動、細胞内cAMP生成、細胞内cGM 40

P 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos の活性化、pH の低下、細胞の遊走活性などを促進する活性または抑制する活性など)、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を測定し、比較することを特徴とする本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する活性を有する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

【0095】

上記のスクリーニング方法において、レセプターを介した細胞刺激活性(例えば、DNA 合成促進、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 濃度の変動、細胞内 cAMP 生成、細胞内 cGMP 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos の活性化、pH の低下、細胞の遊走活性などを促進する活性または抑制する活性など)、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を抑制する試験化合物を本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する活性を有する化合物またはその塩として選択することができる。

本発明のスクリーニング方法に用いられるレセプターとしては、本発明のタンパク質等が結合し得るレセプターであればいかなるものであってもよいが、例えば、TNF レセプターファミリーに属するレセプターや本発明のタンパク質等に対するレセプターが用いられる。TNF レセプターファミリーに属するレセプターとしては、例えば、前記した TNF レセプター (55 kDa または 75 kDa)、リンホトキシン - レセプター、Fas、CD27、CD30、CD40、OX40、DR4、DR3/WSL-1、TR2 などが用いられる。

これらのレセプターおよび本発明のタンパク質等に対するレセプターは、自体公知のタンパク質の精製方法に従って入手することができ、また、自体公知の遺伝子工学的手法に従って該レセプターをコードするDNA をクローニングした後、前記した本発明のタンパク質等の発現方法に従って目的とするレセプター入手することもできる。

本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼとしては、例えば、マトリックスマタロプロテイナーゼ(例、MMP-1、MMP-2、MMP-3 など)、アダマリシン類(adamalysins または ADAMs)(例、TNF-α 変換酵素(TACE)など)などが用いられる。

【0096】

本発明のスクリーニング方法に用いられる上記レセプターを含有する細胞としては、前記した本発明のタンパク質等を発現させるために用いる宿主細胞として列記したものと同様のものを用いることができるが、なかでも、CHO 細胞などが好ましい。レセプターを含有する細胞は、レセプターをコードするDNA を用いて、自体公知の方法、例えば、前記した本発明のタンパク質の発現方法などに従って製造することができる。また、上記レセプターを含有する細胞として、Jurkat 細胞株、U937 細胞株、HepG2 細胞株、THP-1 細胞株などの株化細胞を用いることもできる。

本発明のスクリーニング方法に用いられる本発明のタンパク質を含有する細胞としては、前記した本発明のタンパク質等を発現させるために用いる宿主細胞として列記したものと同様のものを用いることができるが、なかでも、CHO 細胞などが好ましい。レセプターを含有する細胞は、レセプターをコードするDNA を用いて、自体公知の方法、例えば、前記した本発明のタンパク質の発現方法などに従って製造することができる。

【0097】

本発明のスクリーニング方法において、本発明のタンパク質を含有する細胞を用いる場合、該細胞をグルタルアルデヒド、ホルマリンなどで固定化することができる。固定化方法は、それ自体公知の方法に従って行うことができる。また、本発明のタンパク質を含有する組織として、各種動物の肝臓、脾臓等またはそれらの膜画分を用いることができる。

本発明のタンパク質等を含有する細胞の細胞膜画分としては、前記したものと同様のものを用いることができる。

試験化合物としては、例えばペプチド、タンパク質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液、血漿などが挙げられ、これら化

10

20

30

40

50

合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

本発明のスクリーニング方法において、プロテイナーゼ存在下における本発明のタンパク質を含有する細胞の培養は、通常数時間（例、約0.5～24時間、好ましくは約1～6時間）、約37で行なうことができる。また、この培養で得られる培養上清とレセプターを含有する細胞との反応は、通常数時間（例、約0.5～24時間、好ましくは約1～6時間）、約37で行なうことができる。

レセプターを介した細胞刺激活性、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの測定は前記と同様にして行なうことができる。

【0098】

本発明のスクリーニング用キットは、本発明のタンパク質等および本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼを、好ましくはさらに、レセプターを含有する細胞を含有するものである。 10

本発明のスクリーニング用キットの例としては、次のものが挙げられる。

〔スクリーニング用試薬〕

1 測定用緩衝液および洗浄用緩衝液

Hanks' Balanced Salt Solution（ギブコ社製）に、0.05%のウシ血清アルブミン（シグマ社製）を加えたもの。

孔径0.45μmのフィルターで濾過滅菌し、4で保存するか、あるいは用時調製しても良い。 20

2 レセプター標品

本発明のタンパク質に対するレセプターまたはTNFレセプターなどを含有するCHO細胞を、12穴プレートに 5×10^5 個/穴で継代し、37、5%CO₂、95%airで2日間培養したもの。

3 本発明のタンパク質標品

本発明のタンパク質を含有する細胞

4 本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼ標品

マトリックスメタロプロテイナーゼ（ただし、本発明のタンパク質を含有する細胞が、本発明のタンパク質を分解する活性を有する細胞外プロテイナーゼを産生・分泌する場合は不要である。） 30

【0099】

〔測定法〕

1 本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼ（ただし、本発明のタンパク質を含有する細胞が、本発明のタンパク質を分解する活性を有する細胞外プロテイナーゼを産生・分泌する場合は、該細胞が産生・分泌する該細胞外プロテイナーゼでもよい）の存在下で本発明のタンパク質を含有する細胞を約37で数時間培養して培養上清を得る。

2 該プロテイナーゼおよび試験化合物の存在下で本発明のタンパク質を含有する細胞を約37で数時間培養して培養上清を得る。

3 上記1および2で得られる培養上清を、それぞれ本発明のタンパク質に対するレセプターを含有する細胞と約37で数時間培養する。

4 次いで、アポトーシス誘導活性を細胞工学別冊 実験プロトコールシリーズ、アポトーシス実験プロトコール（1994年12月20日発行、秀潤社）に記載の方法に従って測定する。 40

【0100】

以上のとおり、本発明のタンパク質等は本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進または阻害する活性を有する化合物またはその塩をスクリーニングするための試薬として有用である。

上記スクリーニング方法で得られた化合物は塩を形成してもよく、該化合物の塩としては、生理学的に許容される酸（例、無機酸、有機酸）または塩（例、アルカリ金属）などとの塩が用いられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば、無機酸（例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸）との塩、あるいは 50

有機酸（例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、亜酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸）との塩などが用いられる。

本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進する化合物は、該プロテイナーゼによる本発明のタンパク質の細胞外部分の放出・遊離を促進するので、細胞間接触に依存しない本発明のタンパク質に対するレセプターを介する細胞刺激活性、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を促進することができ、例えば、癌、ウイルス感染症、ヘルコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、自己免疫性疾患、骨疾患、動脈硬化症、痛みなどの疾患の予防・治療剤などの安全で低毒性な医薬として有用である。

一方、本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を阻害する化合物は、該プロテイナーゼによる本発明のタンパク質の細胞外部分の放出・遊離を阻害するので、細胞間接触に依存しない本発明のタンパク質に対するレセプターを介する細胞刺激活性、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を抑制することができ、例えば、エイズ、神経変性疾患、骨髄異形成疾患、虚血性疾患、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患、心筋症、糖尿病、糖尿病性合併症、インフルエンザ感染、糸球体腎炎、潰瘍性大腸炎などの疾患、特に、エイズ、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患などの疾患の予防・治療剤などの安全で低毒性な医薬として有用である。

本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物を上述の治療・予防剤として使用する場合、前記した本発明のタンパク質等を含有する医薬と同様にして、錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤、無菌性溶液、懸濁液剤などに製剤化することができる。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

【0101】

該化合物またはその塩の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、癌治療の目的で本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を促進する化合物を経口投与する場合、一般的に成人（体重60kgとして）においては、一日につき該化合物を約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、癌治療の目的で該化合物を注射剤の形で通常成人（60kgとして）に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

一方、自己免疫性疾患治療の目的で本発明のタンパク質を分解するプロテイナーゼの活性を阻害する化合物を経口投与する場合、一般的に成人（体重60kgとして）においては、一日につき該化合物を約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、自己免疫性疾患治療の目的で該化合物を注射剤の形で通常成人（60kgとして）に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

【0102】

（C）本発明のタンパク質等とレセプターとの結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法

10

20

30

40

50

本発明のタンパク質等は、TNFレセプターファミリーに属するレセプター（以下、レセプターと略記する）または本発明のタンパク質等に対するレセプターに特異的に結合することができるので、本発明のタンパク質等と該レセプターを用いたリガンド・レセプター結合アッセイ系を構築することによって、本発明のタンパク質等が該レセプターに結合した後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニングを行なうことができる。

すなわち、本発明は、本発明のタンパク質等を用いることを特徴とする本発明のタンパク質等とレセプターとの結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

より具体的には、本発明は、

10

(1) (i) レセプターを含有する細胞に、本発明のタンパク質等を接触させた場合と (ii) レセプターを含有する細胞に、本発明のタンパク質等および試験化合物を接触させた場合との比較を行なうことを特徴とする本発明のタンパク質等とレセプターとの結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法、および

(2) (i) レセプターを含有する細胞に、本発明のタンパク質を含有する細胞またはその細胞膜画分を接触させた場合と (ii) レセプターを含有する細胞に、本発明のタンパク質を含有する細胞またはその細胞膜画分および試験化合物を接触させた場合との比較を行なうことを特徴とする本発明のタンパク質等とレセプターとの結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

20

【0103】

具体的には、本発明のスクリーニング方法においては、(i)と(ii)の場合における、例えば本発明のタンパク質等とレセプターが結合した後の細胞内シグナル伝達などを測定して、比較することを特徴とするものである。

より具体的には、本発明は、

(1a) (i) 本発明のタンパク質等を、レセプターを含有する細胞に接触させた場合と、(ii) 本発明のタンパク質および試験化合物を、レセプターを含有する細胞に接触させた場合における、レセプターを介した細胞刺激活性（例えば、DNA合成促進、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 濃度の変動、細胞内 cAMP 生成、細胞内 cGMP 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos の活性化、pH の低下、細胞の遊走活性などを促進する活性または抑制する活性など）、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を測定し、比較することを特徴とする本発明のタンパク質等とレセプターとの結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法、および

30

(2a) (i) 本発明のタンパク質を含有する細胞またはその細胞膜画分を、レセプターを含有する細胞に接触させた場合と、(ii) 本発明のタンパク質を含有する細胞またはその細胞膜画分および試験化合物を、レセプターを含有する細胞に接触させた場合における、レセプターを介した細胞刺激活性（例えば、DNA合成促進、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 濃度の変動、細胞内 cAMP 生成、細胞内 cGMP 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos の活性化、pH の低下、細胞の遊走活性などを促進する活性または抑制する活性など）、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を測定し、比較することを特徴とする本発明のタンパク質等とレセプターとの結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

40

【0104】

上記 (1a) または (2a) のスクリーニング方法において、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合を阻害せず、該レセプターを介した細胞刺激活性、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を促進する化合物を、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合後の細胞内シグナル伝達を促進する化合物またはその塩として選択することができる。一方、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合を阻害せず、該細胞刺激活性、ア

50

ポトーシス誘導活性などの活性を阻害する作用を有する化合物を、本発明のタンパク質等とレセプターとの結合後の細胞内シグナル伝達を阻害する化合物またはその塩として選択することができる。

すなわち、本スクリーニング方法は、本発明のタンパク質とレセプターとの結合に影響を与える、レセプター結合後の細胞内シグナル伝達を調節（促進または抑制）する化合物を選択する方法であるので、本スクリーニング方法に用いる試験化合物としては、前記したレセプターアゴニスト／アンタゴニストのスクリーニング方法において、レセプターアゴニストまたはアンタゴニストとして選択されなかった化合物を用いるのが望ましい。

【0105】

本発明のスクリーニング方法に用いられるレセプターとしては、本発明のタンパク質等が結合し得るレセプターであればいかなるものでもよく、例えば、TNFレセプターファミリーに属するレセプターや本発明のタンパク質等に対するレセプターが用いられる。TNFレセプターファミリーに属するレセプターとしては、例えば、前記したTNFレセプター（55kDaまたは75kDa）、リンホトキシン-レセプター、Fas、CD27、CD30、CD40、OX40、DR4、DR3/WSL-1、TR2などが用いられる。

これらのレセプターおよび本発明のタンパク質等に対するレセプターは、自体公知のタンパク質の精製方法に従って入手することができ、また、自体公知の遺伝子工学的手法に従って該レセプターをコードするDNAをクローニングした後、前記した本発明のタンパク質等の発現方法に従って目的とするレセプター入手することもできる。

該レセプターの部分ペプチドとしては、全長レセプターを適当に切断して得られる部分ペプチドを用いることができる。

本発明のスクリーニング方法に用いられる上記レセプターを含有する細胞としては、前記した本発明のタンパク質等を発現させるために用いる宿主細胞として列記したものと同様のものを用いることができるが、なかでも、CHO細胞などが好ましい。レセプターを含有する細胞は、レセプターをコードするDNAを用いて、自体公知の方法、例えば、前記した本発明のタンパク質の発現方法などに従って製造することができる。また、上記レセプターを含有する細胞として、例えば、Jurkat細胞株、U937細胞株、HePG2細胞株、THP-1細胞株などの株化細胞を用いることもできる。

【0106】

本発明のスクリーニング方法に用いられる本発明のタンパク質を含有する細胞としては、前記した本発明のタンパク質等を発現させるために用いる宿主細胞として列記したものと同様のものを用いることができるが、なかでも、CHO細胞などが好ましい。レセプターを含有する細胞は、レセプターをコードするDNAを用いて、自体公知の方法、例えば、前記した本発明のタンパク質の発現方法などに従って製造することができる。

本発明のスクリーニング方法において、レセプターを含有する細胞または本発明のタンパク質を含有する細胞を用いる場合、該細胞をグルタルアルデヒド、ホルマリンなどで固定化することができる。固定化方法は、それ自体公知の方法に従って行うことができる。また、本発明のタンパク質を含有する組織として、各種動物の肝臓、脾臓等またはそれらの膜画分を用いることができる。

上記レセプターを含有する細胞または本発明のタンパク質を含有する細胞の細胞膜画分としては、前記と同様のものが用いられる。

試験化合物としては、例えば、タンパク質、タンパク、非タンパク質性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液、血漿などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

本発明のスクリーニング方法において、本発明のタンパク質等とレセプターを含有する細胞との反応は、通常約37で数時間行なうことができる。

上記（1a）または（2a）のスクリーニング方法において、レセプターを介する細胞刺激活性、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの測定は前記と同様にして行なうことができる。

10

20

30

40

50

上記(1a)または(2a)のスクリーニング方法において、試験化合物を添加した際に、レセプターを介した細胞刺激活性、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などが促進された場合、該試験化合物をレセプター結合後の細胞内シグナル伝達を促進する化合物またはその塩として選択することができる。一方、試験化合物を添加した際に、レセプターを介した細胞刺激活性、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などが阻害された場合、該試験化合物をレセプター結合後の細胞内シグナル伝達を阻害する化合物またはその塩化合物として選択することができる。

【0107】

本発明のスクリーニング用キットは、本発明のタンパク質等を、好ましくはさらに、レセプターを含有する細胞を含有するものである。

本発明のスクリーニング用キットの例としては、次のものが挙げられる。

[スクリーニング用試薬]

1 測定用緩衝液および洗浄用緩衝液

Hanks' Balanced Salt Solution(ギブコ社製)に、0.05%のウシ血清アルブミン(シグマ社製)を加えたもの。

孔径0.45μmのフィルターで濾過滅菌し、4℃で保存するか、あるいは用時調製しても良い。

2 レセプター標品

本発明のタンパク質に対するレセプターまたはTNFレセプターなどを含有するCHO細胞を、12穴プレートに 5×10^5 個/穴で継代し、37℃、5%CO₂、95%airで2日間培養したもの。

3 本発明のタンパク質標品

本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩

[測定法]

アポトーシス誘導活性を細胞工学別冊 実験プロトコールシリーズ、アポトーシス実験プロトコール(1994年12月20日発行、秀潤社)に記載の方法に従って測定する。

【0108】

以上のとおり、本発明のタンパク質等はレセプター結合後の細胞内シグナル伝達を促進または阻害する化合物またはその塩をスクリーニングするための試薬として有用である。

該スクリーニング方法で得られた化合物は塩を形成していてもよく、該化合物の塩としては、生理学的に許容される酸(例、無機酸、有機酸)または塩基(例、アルカリ金属)などとの塩が用いられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば、無機酸(例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸)との塩、あるいは有機酸(例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蔴酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸)との塩などが用いられる。

本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物またはその塩は、本発明のタンパク質等とレセプターが結合した後の細胞内シグナル伝達、具体的には、レセプターを介した細胞刺激活性、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を促進する化合物またはその塩、あるいは該細胞刺激活性、アポトーシス誘導活性、細胞傷害活性などの活性を阻害する化合物またはその塩である。

本発明のタンパク質等とレセプターが結合した後の細胞内シグナル伝達を促進する化合物またはその塩は、例えば、癌(例、乳癌、前立腺癌、卵巣癌、ろ胞性リンパ球腫、p53変異を伴う癌、脳腫瘍、膀胱癌、子宮頸部癌、大腸癌(結腸/直腸癌)、非小細胞肺癌、小細胞肺癌、胃癌など)、ウイルス感染(例、エイズウイルス感染初期、ヘルペスウイルス感染、アデノウイルス感染、ボックスウイルス感染、水痘-帯状疱疹ウイルス感染、ヒトパピローマウイルス感染など)、ヘルコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ球菌感染、肝炎(例、A型肝炎、C型肝炎など)、腎炎、自己免疫性疾患(例、全身性エリテマトーデス、免疫関連糸球体腎炎など)、骨疾患(例、リウマチ関節炎(例、リウマチにおける関節組織の破壊)など)、動脈硬化症、痛みなどの疾病、好ましくは、癌、ウイルス

10

20

30

40

50

感染、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、リウマチ関節炎、動脈硬化症、自己免疫性疾患などの疾病的予防・治療剤などの安全で低毒性な医薬として有用である。

【0109】

本発明のタンパク質等とレセプターが結合した後の細胞内シグナル伝達を阻害する化合物またはその塩は、例えば、エイズ、神経変性疾患（例、アルツハイマー病、パーキンソン病、筋萎縮性側索硬化症、色素性網膜炎、小脳変性など）、骨髄異形成疾患（例、再生不良性貧血など）、虚血性疾患（例、心筋梗塞、脳卒中など）、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎（例、劇症肝炎）、自己免疫性疾患（例、全身性エリテマトーデス、免疫関連糸球体腎炎など）、心筋症（例、拡張型心筋症）、糖尿病、糖尿病性合併症（例、糖尿病性合併症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症）、インフルエンザ感染、糸球体腎炎、潰瘍性大腸炎などの疾患、好ましくは、例えば、エイズ、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患などの疾患の予防・治療剤などの安全で低毒性な医薬として有用である。

本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物を上述の治療・予防剤として使用する場合、前記した本発明のタンパク質等を含有する医薬と同様にして、錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤、無菌性溶液、懸濁液剤などに製剤化することができる。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、癌治療の目的で本発明のタンパク質等とレセプターが結合した後の細胞内シグナル伝達を促進する化合物を経口投与する場合、一般的に成人（体重60kgとして）においては、一日につき該化合物を約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、癌治療の目的で本発明のタンパク質等とレセプターが結合した後の細胞内シグナル伝達を促進する化合物を注射剤の形で通常成人（60kgとして）に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

一方、エイズ治療の目的で本発明のタンパク質等とレセプターが結合した後の細胞内シグナル伝達を阻害する化合物を経口投与する場合、一般的に成人（体重60kgとして）においては、一日につき該化合物を約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、エイズ治療の目的で本発明のタンパク質等とレセプターが結合した後の細胞内シグナル伝達を阻害する化合物を注射剤の形で通常成人（60kgとして）に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

【0110】

（6）アンチセンスDNAを含有するDNA

本発明のタンパク質等をコードするDNAまたはmRNAに相補的に結合し、該DNAもしくはmRNAや本発明のタンパク質等の発現を抑制することができるアンチセンスDNAは、生体内において上記の作用を発揮する本発明のタンパク質等またはそれらをコードするDNAの機能を抑制することができる。したがって、該アンチセンスDNAは、例えば、エイズ、神経変性疾患（例、アルツハイマー病、パーキンソン病、筋萎縮性側索硬化症、色素性網膜炎、小脳変性など）、骨髄異形成疾患（例、再生不良性貧血など）、虚血

10

20

30

40

50

性疾患（例、心筋梗塞、脳卒中など）、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎（例、劇症肝炎など）、自己免疫性疾患（例、全身性エリテマトーデス、免疫関連糸球体腎炎など）、心筋症（例、拡張型心筋症）、糖尿病、糖尿病性合併症（例、糖尿病性合併症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症）、インフルエンザ感染、糸球体腎炎、潰瘍性大腸炎などの疾患、好ましくは、例えば、エイズ、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患などの疾患の予防・治療剤として使用することができる。

該アンチセンスDNAを上記の治療・予防剤として使用する場合、前記した本発明のDNAを含有する医薬と同様にして製造することができる。例えば、該アンチセンスDNAを単独あるいはレトロウイルスベクター、アデノウイルスベクター、アデノウイルスアソシエーテッドウイルスベクターなどの適当なベクターに挿入した後、常套手段に従ってヒトまたは温血動物に投与することができる。該アンチセンスDNAは、そのまで、あるいは摂取促進のために補助剤などの生理学的に認められる担体とともに製剤化し、遺伝子銃やハイドロゲルカテーテルのようなカテーテルによって投与できる。

さらに、該アンチセンスDNAは、組織や細胞における本発明のDNAの存在やその発現状況を調べるための診断用オリゴヌクレオチドプローブとして使用することもできる。

【0111】

（7）DNA転移動物の作製

さらに、本発明は、外来性の本発明のタンパク質をコードするDNA（以下、本発明の外来性DNAと略記する）またはその変異DNA（本発明の外来性変異DNAと略記する場合がある）を有する非ヒト哺乳動物を提供する。

すなわち、本発明は、

- （1）本発明の外来性DNAまたはその変異DNAを有する非ヒト哺乳動物、
- （2）非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第（1）記載の非ヒト哺乳動物、
- （3）ゲッ歯動物がマウスである第（2）記載の非ヒト哺乳動物、および
- （4）本発明の外来性DNAまたはその変異DNAを含有し、哺乳動物において発現しうる組換えベクターを提供するものである。

【0112】

本発明の外来性DNAまたはその変異DNAを有する非ヒト哺乳動物（以下、本発明のDNA転移動物と略記する）は、未受精卵、受精卵、精子およびその始原細胞を含む胚芽細胞などに対して、好ましくは、非ヒト哺乳動物の発生における胚発生の段階（さらに好ましくは、単細胞または受精卵細胞の段階でかつ一般に8細胞期以前）に、リン酸カルシウム法、電気パルス法、リポフェクション法、凝集法、マイクロインジェクション法、パーティクルガン法、D E A E - デキストラン法などにより目的とするDNAを転移することによって作出することができる。また、該DNA転移方法により、体細胞、生体の臓器、組織細胞などに目的とする本発明の外来性DNAを転移し、細胞培養、組織培養などに利用することもでき、さらに、これら細胞を上述の胚芽細胞と自体公知の細胞融合法により融合させることにより本発明のDNA転移動物を作出することもできる。

非ヒト哺乳動物としては、例えば、ウシ、ブタ、ヒツジ、ヤギ、ウサギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、マウス、ラットなどが用いられる。なかでも、病体動物モデル系の作成の面から個体発生および生物サイクルが比較的短く、また、繁殖が容易なゲッ歯動物、とりわけマウス（例えば、純系として、C 5 7 B L / 6 系統，D B A 2 系統など、交雑系として、B 6 C 3 F₁ 系統，B D F₁ 系統，B 6 D 2 F₁ 系統，B A L B / c 系統，I C R 系統など）またはラット（例えば、W i s t a r , S D など）などが好ましい。

哺乳動物において発現しうる組換えベクターにおける「哺乳動物」としては、上記の非ヒト哺乳動物の他にヒトなどが挙げられる。

【0113】

本発明の外来性DNAとは、非ヒト哺乳動物が本来有している本発明のDNAではなく、いったん哺乳動物から単離・抽出された本発明のDNAをいう。特に、配列番号：9で表わされる塩基配列を有するマウス由来ゲノムDNAなどが好適である。

10

20

30

40

50

本発明の変異DNAとしては、元の本発明のDNAの塩基配列に変異（例えば、突然変異など）が生じたもの、具体的には、塩基の付加、欠損、他の塩基への置換などが生じたDNAなどが用いられ、また、異常DNAも含まれる。

該異常DNAとしては、異常な本発明のタンパク質を発現させるDNAを意味し、例えば、正常な本発明のタンパク質の機能を抑制するタンパク質を発現させるDNAなどが用いられる。

本発明の外来性DNAは、対象とする動物と同種あるいは異種のどちらの哺乳動物由来のものであってもよい。本発明のDNAを対象動物に転移させるにあたっては、該DNAを動物細胞で発現させうるプロモーターの下流に結合したDNAコンストラクトとして用いるのが一般に有利である。例えば、本発明のヒトDNAを転移させる場合、これと相同性が高い本発明のDNAを有する各種哺乳動物（例えば、ウサギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、ラット、マウスなど）由来のDNAを発現させうる各種プロモーターの下流に、本発明のヒトDNAを結合したDNAコンストラクト（例、ベクターなど）を対象哺乳動物の受精卵、例えば、マウス受精卵へマイクロインジェクションすることによって本発明のDNAを高発現するDNA転移哺乳動物を作出することができる。10

【0114】

本発明のタンパク質の発現ベクターとしては、大腸菌由来のプラスミド、枯草菌由来のプラスミド、酵母由来のプラスミド、ファージなどのバクテリオファージ、モロニー白血病ウィルスなどのレトロウィルス、ワクシニアウィルスまたはバキュロウィルスなどの動物ウイルスなどが用いられる。なかでも、大腸菌由来のプラスミド、枯草菌由来のプラスミドまたは酵母由来のプラスミドなどが好ましく用いられる。20

上記のDNA発現調節を行なうプロモーターとしては、例えば、ウイルス（例、シミアンウィルス、サイトメガロウィルス、モロニー白血病ウィルス、JCウィルス、乳癌ウィルス、ポリオウィルスなど）に由来するDNAのプロモーター、各種哺乳動物（ヒト、ウサギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、ラット、マウスなど）由来のものとしては、アルブミン、インスリンII、ウロプラキンII、エラスターゼ、エリスロポエチン、エンドセリン、筋クレアチンキナーゼ、グリア線維性酸性タンパク質、グルタチオンS-トランスフェラーゼ、血小板由来成長因子、ケラチンK1, K10およびK14、コラーゲンI型およびII型、サイクリックAMP依存タンパク質キナーゼIサブユニット、ジストロフィン、酒石酸抵抗性アルカリファターゼ、心房ナトリウム利尿性因子、内皮レセプターチロシンキナーゼ（一般にTie2と略される）、ナトリウムカリウムアデノシン3リン酸化酵素（Na₊ K-ATPase）、ニューロフィラメント軽鎖、メタロチオネインIおよびIIA、メタロプロティナーゼ1組織インヒビター、MHCクラスI抗原（H-2L）、H-ras、レニン、ドーパミン-水酸化酵素、甲状腺ペルオキシダーゼ（TPO）、ポリペプチド鎖延長因子1（EF-1）、アクチン、およびミオシン重鎖、ミオシン軽鎖1および2、ミエリン基礎タンパク質、チログロブリン、Thy-1、免疫グロブリン、H鎖可変部（VNP）、血清アミロイドPコンポーネント、ミオグロビン、トロポニンC、平滑筋アクチン、プレプロエンケファリンA、バソプレシンなどのプロモーターなどが用いられるが、好ましくは全身で高発現することが可能なサイトメガロウィルスプロモーター、ヒトポリペプチド鎖延長因子1（EF-1）のプロモーター、ヒトおよびニワトリアクチンプロモーターなどを用いることができる。30

【0115】

上記ベクターは、DNA転移哺乳動物において目的とするmRNAの転写を終結する配列（一般にターミネーターと呼ばれる）を有していることが好ましく、例えば、ウイルス由来および各種哺乳動物由来の各DNAの配列を用いることができ、好ましくは、シミアンウィルスのSV40ターミネーターなどが用いられる。

その他、目的DNAをさらに高発現させる目的で各DNAのスプライシングシグナル、エンハンサー領域、真核DNAのイントロンの一部などをプロモーター領域の5'上流、プロモーター領域と翻訳領域間あるいは翻訳領域の3'下流に連結することも目的により可40

50

能である。

正常な本発明のタンパク質の翻訳領域は、各種哺乳動物（例えば、ウサギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、ラット、マウス、ヒトなど）由来の肝臓、腎臓、甲状腺細胞、線維芽細胞由来DNAおよび市販の各種ゲノムDNAライブラリーよりゲノムDNAの全てあるいは一部として、または肝臓、腎臓、甲状腺細胞、線維芽細胞由来RNAより公知の方法により調製された相補DNAを原料として取得することが出来る。また、外来性の異常DNAは、上記の細胞または組織より得られた正常なタンパク質の翻訳領域を点突然変異誘発法により変異した翻訳領域を作製することができる。

該翻訳領域は転移動物において発現しうるDNAコンストラクトとして、前記のプロモーターの下流および所望により転写終結部位の上流に連結させる通常のDNA工学的手法により作製することができる。

受精卵細胞段階における本発明の外来性DNAの転移は、対象哺乳動物の胚芽細胞および体細胞のすべてに存在するように確保される。DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において、本発明の外来性DNAが存在することは、作出動物の後代がすべて、その胚芽細胞および体細胞のすべてに本発明の外来性DNAを保持することを意味する。本発明の外来性DNAを受け継いだこの種の動物の子孫はその胚芽細胞および体細胞のすべてに本発明のDNAを有する。

【0116】

本発明の外来性正常DNAを転移させた非ヒト哺乳動物は、交配によりDNAを安定に保持することを確認して、該DNA保有動物として通常の飼育環境で継代飼育することが出来る。

受精卵細胞段階における本発明の外来性DNAの転移は、対象哺乳動物の胚芽細胞および体細胞の全てに過剰に存在するように確保される。DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において本発明の外来性DNAが過剰に存在することは、作出動物の子孫が全てその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の外来性DNAを過剰に有することを意味する。本発明の外来性DNAを受け継いだこの種の動物の子孫はその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の外来性DNAを過剰に有する。導入DNAを相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得し、この雌雄の動物を交配することによりすべての子孫が該DNAを過剰に有するように繁殖継代することができる。

本発明の正常DNAを有する非ヒト哺乳動物は、本発明の正常DNAが高発現させられており、内在性の正常DNAの機能を促進することにより最終的に本発明のタンパク質の機能亢進症を発症することがあり、その病態モデル動物として利用することができる。例えば、本発明の正常DNA転移動物を用いて、本発明のタンパク質の機能亢進症や、本発明のタンパク質が関連する疾患の病態機序の解明およびこれらの疾患の治療方法の検討を行なうことが可能である。

また、本発明の外来性正常DNAを転移させた哺乳動物は、遊離した本発明のタンパク質の増加症状を有することから、本発明のタンパク質に関連する疾患に対する治療薬のスクリーニング試験にも利用可能である。

【0117】

一方、本発明の外来性異常DNAを有する非ヒト哺乳動物は、交配により外来性DNAを安定に保持することを確認して該DNA保有動物として通常の飼育環境で継代飼育することが出来る。さらに、目的とする外来性DNAを前述のプラスミドに組み込んで原科として用いることができる。プロモーターとのDNAコンストラクトは、通常のDNA工学的手法によって作製することができる。受精卵細胞段階における本発明の異常DNAの転移は、対象哺乳動物の胚芽細胞および体細胞の全てに存在するように確保される。DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において本発明の異常DNAが存在することは、作出動物の子孫が全てその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の異常DNAを有することを意味する。DNAを受け継いだこの種の動物の子孫は、その胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の異常DNAを有する。導入DNAを相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得し、この雌雄の動物を交配することによりすべての子孫が該DNAを有するように繁殖継

10

20

30

40

50

代することができる。

本発明の異常DNAを有する非ヒト哺乳動物は、本発明の異常DNAが高発現させられており、内在性の正常DNAの機能を阻害することにより最終的に本発明のタンパク質の機能不活性型不応症となることがある、その病態モデル動物として利用することができる。例えば、本発明の異常DNA転移動物を用いて、本発明のタンパク質の機能不活性型不応症の病態機序の解明およびこの疾患を治療方法の検討を行なうことが可能である。

また、具体的な利用可能性としては、本発明の異常DNA高発現動物は、本発明のタンパク質の機能不活性型不応症における本発明の異常タンパク質による正常タンパク質の機能阻害 (dominant negative作用) を解明するモデルとなる。また、本発明の外来異常DNAを転移させた哺乳動物は、遊離した本発明のタンパク質の増加症状を有することから、本発明のタンパク質の機能不活性型不応症に対する治療薬スクリーニング試験にも利用可能である。

【0118】

また、上記2種類の本発明のDNA転移動物のその他の利用可能性として、例えば、

- 1 組織培養のための細胞源としての使用、
- 2 本発明のDNA転移哺乳動物の組織中のDNAもしくはRNAを直接分析するか、またはDNAにより発現されたタンパク質組織を分析することによる、本発明のタンパク質により特異的に発現あるいは活性化するタンパク質との関連性についての解析、
- 3 DNAを有する組織の細胞を標準組織培養技術により培養し、これらを使用して、一般に培養困難な組織からの細胞の機能の研究、
- 4 上記3記載の細胞を用いることによる細胞の機能を高めるような薬剤のスクリーニング、および
- 5 本発明の変異タンパク質を単離精製およびその抗体作製などが考えられる。

さらに、本発明のDNA転移動物を用いて、本発明のタンパク質の機能不活性型不応症を含む、本発明のタンパク質に関連する疾患の臨床症状を調べることができ、また、本発明のタンパク質に関連する疾患モデルの各臓器におけるより詳細な病理学的所見が得られ、新しい治療方法の開発、さらには、該疾患による二次的疾患の研究および治療に貢献することができる。

また、本発明のDNA転移動物から各臓器を取り出し、細切後、トリプシンなどのタンパク質分解酵素により、遊離したDNA転移細胞の取得、その培養またはその培養細胞の系統化を行なうことが可能である。さらに、本発明のタンパク質産生細胞の特定化、アポトーシス、分化あるいは増殖との関連性、またはそれらにおけるシグナル伝達機構を調べ、それらの異常を調べることなどができる、本発明のタンパク質およびその作用解明のための有効な研究材料となる。

さらに、本発明のDNA転移動物を用いて、本発明のタンパク質の機能不活性型不応症を含む、本発明のタンパク質に関連する疾患の治療薬の開発を行なうために、上述の検査法および定量法などを用いて、有効で迅速な該疾患治療薬のスクリーニング法を提供することが可能となる。また、本発明のDNA転移動物または本発明の外来性DNA発現ベクターを用いて、本発明のタンパク質が関連する疾患の遺伝子治療法を検討、開発することができる。

【0119】

(8) ノックアウト動物の作製

さらに、本発明は、本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞および本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物を提供する。

すなわち、本発明は、

- (1) 本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞、
- (2) 該DNAがレポーター遺伝子(例、大腸菌由来の-ガラクトシダーゼ遺伝子)を導入することにより不活性化された第(1)項記載の胚幹細胞、
- (3) ネオマイシン耐性である第(1)項記載の胚幹細胞、
- (4) 非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第(1)項記載の胚幹細胞、

10

20

30

40

50

- (5) ゲッ歯動物がマウスである第(4)項記載の胚幹細胞、
 (6) 本発明のDNAが不活性化された該DNA発現不全非ヒト哺乳動物、
 (7) 該DNAがレポーター遺伝子(例、大腸菌由来の-l-ガラクトシダーゼ遺伝子)を導入することにより不活性化され、該レポーター遺伝子が本発明のDNAに対するプロモーターの制御下で発現しうる第(6)項記載のヒト哺乳動物、
 (8) 非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第(6)項記載のヒト哺乳動物、
 (9) ゲッ歯動物がマウスである第(8)項記載のヒト哺乳動物、および
 (10) 第(7)項記載の非ヒト哺乳動物に、試験化合物を投与し、レポーター遺伝子の発現を検出することを特徴とする本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

本発明のノックアウト動物の作製には、配列番号：9で表わされる塩基配列を含有するマウス由来のゲノムDNAを含有するDNA〔図4〕が好適である。

【0120】

本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞とは、該非ヒト哺乳動物が有する本発明のDNAに人为的に変異を加えることにより、DNAの発現能を抑制するか、もしくは該DNAがコードしている本発明のタンパク質の活性を実質的に喪失させることにより、DNAが実質的に本発明のタンパク質の発現能を有さない(以下、本発明のノックアウトDNAと称することがある)非ヒト哺乳動物の胚幹細胞(以下、ES細胞と略記する)をいう。

非ヒト哺乳動物としては、前記と同様のものが用いられる。

本発明のDNAに人为的に変異を加える方法としては、例えば、遺伝子工学的手法により該DNA配列の一部又は全部の削除、他DNAを挿入または置換させることによって行なうことができる。これらの変異により、例えば、コドンの読み取り枠をずらしたり、プロモーターあるいはエキソンの機能を破壊することにより本発明のノックアウトDNAを作製すればよい。

本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞(以下、本発明のDNA不活性化ES細胞または本発明のノックアウトES細胞と略記する)の具体例としては、例えば、目的とする非ヒト哺乳動物が有する本発明のDNAを単離し、そのエキソン部分にネオマイシン耐性遺伝子、ハイグロマイシン耐性遺伝子を代表とする薬剤耐性遺伝子、あるいはlacZ(-ガラクトシダーゼ遺伝子)、cat(クロラムフェニコールアセチルトランスフェラーゼ遺伝子)を代表とするレポーター遺伝子等を挿入することによりエキソンの機能を破壊するか、あるいはエキソン間のイントロン部分に遺伝子の転写を終結させるDNA配列(例えば、polyA付加シグナルなど)を挿入し、完全なmRNAを合成できなくなることによって、結果的に遺伝子を破壊するように構築したDNA配列を有するDNA鎖(以下、ターゲッティングベクターと略記する)を、例えば相同組換え法により該動物の染色体に導入し、得られたES細胞について本発明のDNA上あるいはその近傍のDNA配列をプローブとしたサザンハイブリダイゼーション解析あるいはターゲッティングベクター上のDNA配列とターゲッティングベクター作製に使用した本発明のDNA以外の近傍領域のDNA配列をプライマーとしたPCR法により解析し、本発明のノックアウトES細胞を選別することにより得ることができる。

【0121】

また、相同組換え法等により本発明のDNAを不活性化するために用いられる元のES細胞としては、例えば、前述のような既に樹立されたものを用いてもよく、また公知EvansとKaufmaの方法に準じて新しく樹立したものでもよい。例えば、マウスのES細胞の場合、現在、一般的には129系のES細胞が使用されているが、免疫学的背景がはっきりしていないので、これに代わる純系で免疫学的に遺伝的背景が明らかなES細胞を取得するなどの目的で例えば、C57BL/6マウスやC57BL/6の採卵数の少なさをDBA/2との交雑により改善したBDF1マウス(C57BL/6とDBA/2とのF1)を用いて樹立したものなども良好に用いられる。BDF1マウスは、採卵数が多く、かつ、卵が丈夫であるという利点に加えて、C57BL/6マウスを背景に持つので、これを用い

10

20

30

40

50

て得られた E S 細胞は病態モデルマウスを作出したとき、C 5 7 B L / 6 マウスとバッククロスすることでその遺伝的背景を C 5 7 B L / 6 マウスに代えることが可能である点で有利に用い得る。

また、E S 細胞を樹立する場合、一般には受精後 3.5 日目の胚盤胞を使用するが、これ以外に 8 細胞期胚を採卵し胚盤胞まで培養して用いることにより効率よく多数の初期胚を取得することができる。

また、雌雄いずれの E S 細胞を用いてもよいが、通常雄の E S 細胞の方が生殖系列キメラを作出するのに都合が良い。また、煩雑な培養の手間を削減するためにもできるだけ早く雌雄の判別を行なうことが望ましい。

E S 細胞の雌雄の判定方法としては、例えば、P C R 法により Y 染色体上の性決定領域の遺伝子を增幅、検出する方法が、その 1 例として挙げることができる。この方法を使用すれば、従来、核型分析をするのに約 10^6 個の細胞数を要していたのに対して、1 コロニー程度の E S 細胞数（約 50 個）で済むので、培養初期における E S 紡の第一次セレクションを雌雄の判別で行なうことが可能であり、早期に雄細胞の選定を可能にしたことにより培養初期の手間は大幅に削減できる。 10

【 0 1 2 2 】

また、第二次セレクションとしては、例えば、G - バンディング法による染色体数の確認等により行なうことができる。得られる E S 紡の染色体数は正常数の 100% が望ましいが、樹立の際の物理的操作等の関係上困難な場合は、E S 紡の遺伝子をノックアウトした後、正常細胞（例えば、マウスでは染色体数が $2n = 40$ である細胞）に再びクローニングすることが望ましい。 20

このようにして得られた胚幹細胞株は、通常その増殖性は大変良いが、個体発生できる能力を失いやさないので、注意深く継代培養することが必要である。例えば、S T O 繊維芽細胞のような適当なフィーダー細胞上で L I F (1 - 1 0 0 0 0 U/ml) 存在下に炭酸ガス培養器内（好ましくは、5% 炭酸ガス、95% 空気または 5% 酸素、5% 炭酸ガス、90% 空気）で約 37^oで培養するなどの方法で培養し、継代時には、例えば、トリプシン / E D T A 溶液（通常 0.001 - 0.5% トリプシン / 0.1 - 5 mM E D T A 、好ましくは約 0.1% トリプシン / 1 mM E D T A ）処理により単細胞化し、新たに用意したフィーダー細胞上に播種する方法などがとられる。このような継代は、通常 1 - 3 日毎に行なうが、この際に細胞の観察を行い、形態的に異常な細胞が見受けられた場合はその培養細胞は放棄することが望まれる。 30

E S 紡は、適当な条件により、高密度に至るまで単層培養するか、または細胞集塊を形成するまで浮遊培養することにより、頭頂筋、内臓筋、心筋などの種々のタイプの細胞に分化させることができ（M. J. Evans 及び M. H. Kaufman, ネイチャー (Nature) 第 292 卷、154 頁、1981 年 ; G. R. Martin プロシーディングス・オブ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンス・ユースエー (Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.) 第 78 卷、7634 頁、1981 年 ; T. C. Doetschman ら、ジャーナル・オブ・エンブリオロジー・アンド・エクスペリメンタル・モルフォロジー、第 87 卷、27 頁、1985 年 ）、本発明の E S 紡を分化させて得られる本発明の D N A 発現不全細胞は、インビトロにおける本発明のタンパク質の細胞生物学的検討において有用である。 40

本発明の D N A 発現不全非ヒト哺乳動物は、該動物の m R N A 量を公知方法を用いて測定して間接的にその発現量を比較することにより、正常動物と区別することができる。該非ヒト哺乳動物としては、前記と同様のものが用いられる。

【 0 1 2 3 】

本発明の D N A 発現不全非ヒト哺乳動物は、例えば、前述のようにして作製したターゲッティングベクターをマウス胚幹細胞またはマウス卵細胞に導入し、導入によりターゲッティングベクターの本発明の D N A が不活性化された D N A 配列が遺伝子相同組換えにより、マウス胚幹細胞またはマウス卵細胞の染色体上の本発明の D N A と入れ換わる相同組換えをさせることにより、本発明の D N A をノックアウトさせることができる。

本発明の D N A がノックアウトされた細胞は、本発明の D N A 上またはその近傍の D N A 50

配列をプローブとしたサザンハイブリダイゼーション解析またはターゲッティングベクター上のDNA配列と、ターゲッティングベクターに使用したマウス由来の本発明のDNA以外の近傍領域のDNA配列とをプライマーとしたPCR法による解析で判定することができる。非ヒト哺乳動物胚幹細胞を用いた場合は、遺伝子相同組換えにより、本発明のDNAが不活性化された細胞株をクローニングし、その細胞を適当な時期、例えば、8細胞期の非ヒト哺乳動物胚または胚盤胞に注入し、作製したキメラ胚を偽妊娠させた該非ヒト哺乳動物の子宮に移植する。作出された動物は正常な本発明のDNA座をもつ細胞と人為的に変異した本発明のDNA座をもつ細胞との両者から構成されるキメラ動物である。

該キメラ動物の生殖細胞の一部が変異した本発明のDNA座をもつ場合、このようなキメラ個体と正常個体を交配することにより得られた個体群より、全ての組織が人為的に変異を加えた本発明のDNA座をもつ細胞で構成された個体を、例えば、コートカラーの判定等により選別することにより得られる。このようにして得られた個体は、通常、本発明のタンパク質のヘテロ発現不全個体であり、本発明のタンパク質のヘテロ発現不全個体同志を交配し、それらの産仔から本発明のタンパク質のホモ発現不全個体を得ることができる。

卵細胞を使用する場合は、例えば、卵細胞核内にマイクロインジェクション法でDNA溶液を注入することによりターゲッティングベクターを染色体内に導入したトランスジェニック非ヒト哺乳動物を得ることができ、これらのトランスジェニック非ヒト哺乳動物に比べて、遺伝子相同組換えにより本発明のDNA座に変異のあるものを選択することにより得られる。

【0124】
このようにして本発明のDNAがノックアウトされている個体は、交配により得られた動物個体も該DNAがノックアウトされていることを確認して通常の飼育環境で飼育継代を行なうことができる。

さらに、生殖系列の取得および保持についても常法に従えばよい。すなわち、該不活性DNAの保有する雌雄の動物を交配することにより、該不活性DNAを相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得しうる。得られたホモザイゴート動物は、母親動物に対して、正常個体1, ホモザイゴート複数になるような状態で飼育することにより効率的に得ることができる。ヘテロザイゴート動物の雌雄を交配することにより、該不活性DNAを有するホモザイゴートおよびヘテロザイゴート動物を繁殖継代する。

本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞は、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物を作出する上で、非常に有用である。

また、本発明のタンパク質発現不全マウスは、本発明のタンパク質により誘導され得る種々の生物活性を欠失するため、本発明のタンパク質の生物活性の不活性化を原因とする疾患のモデルとなり得るので、これらの疾患の原因究明及び治療法の検討に有用である。

【0125】
(8a) 本発明のDNAの欠損や損傷などに起因する疾患に対して治療・予防効果を有する化合物のスクリーニング方法

本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、前記した本発明のDNAの欠損や損傷などに起因する疾患（例、癌など）に対して治療・予防効果を有する化合物のスクリーニングに用いることができる。

すなわち、本発明は、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物に試験化合物を投与し、該非ヒト哺乳動物の変化を観察・測定することを特徴とする、本発明のDNAの欠損や損傷などに起因する疾患に対して治療・予防効果を有する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

該スクリーニング方法において用いられる本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物としては、前記と同様のものが挙げられる。

試験化合物としては、例えば、ペプチド、タンパク、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液、血漿などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

10

20

30

40

50

具体的には、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物を、試験化合物で処理し、無処理の対照動物と比較し、該動物の各器官、組織、疾病の症状などの変化を指標として試験化合物の治療・予防効果を試験することができる。

試験動物を試験化合物で処理する方法としては、例えば、経口投与、静脈注射などが用いられ、試験動物の症状、試験化合物の性質などにあわせて適宜選択することができる。また、試験化合物の投与量は、投与方法、試験化合物の性質などにあわせて適宜選択することができる。

例えば、癌に対して治療・予防効果を有する化合物をスクリーニングする場合、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物に試験化合物を投与し、該動物の体重変化などを経時的に測定する。

該スクリーニング方法において、試験動物に試験化合物を投与した場合、該試験動物の体重が約10%以上、好ましくは約30%以上、より好ましくは約50%以上上昇した場合、該試験化合物を癌に対して治療・予防効果を有する化合物として選択することができる。

【0126】

本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物は、上記した試験化合物から選ばれた化合物であり、本発明のタンパク質等の欠損や損傷などによって引き起こされる疾患、例えば、癌、ウイルス感染、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、自己免疫性疾患、骨疾患、動脈硬化症、痛みなどの疾患に対して治療・予防効果を有するので、該疾患に対する安全で低毒性な治療・予防剤などの医薬として使用することができる。さらに、上記スクリーニングで得られた化合物から誘導される化合物も同様に用いることができる。

該スクリーニング方法で得られた化合物は塩を形成していてもよく、該化合物の塩としては、生理学的に許容される酸（例、無機酸、有機酸）または塩（例、アルカリ金属）などの塩が用いられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば、無機酸（例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸）との塩、あるいは有機酸（例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、ケエン酸、リンゴ酸、蔴酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸）との塩などが用いられる。

該スクリーニング方法で得られた化合物またはその塩を含有する治療・予防剤は、前記した本発明のタンパク質等を含有する医薬と同様にして製造することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、癌治療の目的で該化合物を経口投与する場合、一般的に成人（体重60kgとして）においては、一日につき該化合物を約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、癌治療の目的で該化合物を注射剤の形で通常成人（60kgとして）に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

【0127】

（8b）本発明のDNAに対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物をスクリーニング方法

本発明は、本発明のDNAがレポーター遺伝子を導入することにより不活性化された本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物に、試験化合物を投与し、レポーター遺伝子の発現を検出することを特徴とする本発明のDNAに対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

試験化合物としては、前記と同様のものが挙げられる。

レポーター遺伝子としては、前記と同様のものが用いられ、-ガラクトシダーゼ遺伝子（lacZ）が好適である。

10

20

30

40

50

本発明のDNAをレポーター遺伝子で不活性化された本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物では、レポーター遺伝子が本発明のDNAに対するプロモーターの支配下に存在するので、レポーター遺伝子がコードする物質の発現をトレースすることにより、プロモーターの活性を検出することができる。

【0128】

例えば、本発明のタンパク質をコードするDNA領域の一部が大腸菌由来の-ガラクトシダーゼ遺伝子(1a c Z)で不活性化されている場合、本来、本発明のタンパク質の発現する組織で、本発明のタンパク質の代わりに-ガラクトシダーゼが発現する。従って、例えば、5-プロモ-4-クロロ-3-インドリル--ガラクトピラノシド(X-ga1)のような-ガラクトシダーゼの基質となる試薬を用いて染色することにより、簡便に本発明のタンパク質の動物生体内における発現状態を観察することができる。具体的には、本発明のタンパク質欠損マウスまたはその組織切片をグルタルアルデヒドなどで固定し、ダルベッコリン酸緩衝生理食塩液(PBS)で洗浄後、X-ga1を含む染色液で、室温または7付近で、約30分ないし1時間反応させた後、組織標本を1mM EDTA/PBS溶液で洗浄することによって、-ガラクトシダーゼ反応を停止させ、呈色を観察すればよい。また、常法に従い、1a c ZをコードするmRNAを検出してもよい。

【0129】

上記スクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩は、上記した試験化合物から選ばれた化合物であり、本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進または阻害する化合物である。

該スクリーニング方法で得られた化合物は塩を形成していてもよく、該化合物の塩としては、生理学的に許容される酸(例、無機酸、有機酸)または塩(例、アルカリ金属)などの塩が好ましくは、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば、無機酸(例えは、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸)との塩、あるいは有機酸(例えは、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、薫酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸)との塩などが用いられる。

本発明のDNAに対するプロモーター活性を阻害する化合物またはその塩は、本発明のタンパク質の発現を阻害し、該タンパク質の機能を阻害することができるので、例えば、エイズ、神経変性疾患(例、アルツハイマー病、パーキンソン病、筋萎縮性側索硬化症、色素性網膜炎、小脳変性など)、骨髄異形成疾患(例、再生不良性貧血など)、虚血性疾患(例、心筋梗塞、脳卒中など)、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎(例、劇症肝炎)、自己免疫性疾患(例、全身性エリテマトーデス、免疫関連糸球体腎炎など)、心筋症(例、拡張型心筋症)、糖尿病、糖尿病性合併症(例、糖尿病性合併症、糖尿病性腎症、糖尿病性神経障害、糖尿病性網膜症)、インフルエンザ感染、糸球体腎炎、潰瘍性大腸炎などの疾患、好ましくは、エイズ、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫性疾患などの疾患に対する安全で低毒性な治療・予防剤などの医薬として有用である。

一方、本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進する化合物またはその塩は、本発明のタンパク質の発現を促進し、該タンパク質の機能を促進することができるので、例えば、癌、ウイルス感染、ヘリコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ状球菌感染、肝炎、腎炎、自己免疫性疾患、骨疾患、動脈硬化症、痛みなどの疾患に対する安全で低毒性な治療・予防剤などの医薬として有用である。

さらに、上記スクリーニングで得られた化合物から誘導される化合物も同様に用いることができる。

【0130】

該スクリーニング方法で得られた化合物またはその塩を含有する医薬は、前記した本発明のタンパク質等を含有する医薬と同様にして製造し、ヒトまたは哺乳動物に投与することができる。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、癌治療の目的で本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進する化合物を経口投与する場合、一般的に成人（体重60kgとして）においては、一日につき該化合物を約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、癌治療の目的で本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進する化合物を注射剤の形で通常成人（60kgとして）に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

一方、例えば、エイズ治療の目的で本発明のDNAに対するプロモーター活性を阻害する化合物を経口投与する場合、一般的に成人（体重60kgとして）においては、一日につき該化合物を約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mg投与する。非経口的に投与する場合は、該化合物の1回投与量は投与対象、対象疾患などによっても異なるが、例えば、エイズ治療の目的で本発明のDNAに対するプロモーター活性を阻害する化合物を注射剤の形で通常成人（60kgとして）に投与する場合、一日につき該化合物を約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

【0131】

本明細書および図面において、塩基やアミノ酸などを略号で表示する場合、IUPAC-IUB Commission on Biochemical Nomenclatureによる略号あるいは当該分野における慣用略号に基づくものであり、その例を下記する。またアミノ酸に関し光学異性体があり得る場合は、特に明示しなければL体を示すものとする。

DNA	：デオキシリボ核酸
cDNA	：相補的デオキシリボ核酸
A	：アデニン
T	：チミン
G	：グアニン
C	：シトシン
RNA	：リボ核酸
mRNA	：メッセンジャーRNA
dATP	：デオキシアデノシン三リン酸
dTTP	：デオキシチミジン三リン酸
dGTP	：デオキシグアノシン三リン酸
dCTP	：デオキシチジン三リン酸
ATP	：アデノシン三リン酸
EDTA	：エチレンジアミン四酢酸
SDS	：ドデシル硫酸ナトリウム

【0132】

Gly	：グリシン
Ala	：アラニン
Val	：バリン
Leu	：ロイシン
Ile	：イソロイシン
Ser	：セリン
Thr	：スレオニン

10

20

30

40

50

C y s	: システイン
M e t	: メチオニン
G l u	: グルタミン酸
A s p	: アスパラギン酸
L y s	: リジン
A r g	: アルギニン
H i s	: ヒスチジン
P h e	: フェニルアラニン
T y r	: チロシン
T r p	: トリプトファン
P r o	: プロリン
A s n	: アスパラギン
G l n	: グルタミン
p G l u	: ピログルタミン酸

【0133】

また、本明細書中で繁用される置換基、保護基および試薬を下記の記号で表記する。

M e	: メチル基	
E t	: エチル基	
B u	: プチル基	20
P h	: フェニル基	
T C	: チアゾリジン-4 (R) -カルボキサミド基	
T o s	: p-トルエンスルfonyl	
CHO	: ホルミル	
B z 1	: ベンジル	
C ₂ Bz1	: 2, 6-ジクロロベンジル	
B o m	: ベンジルオキシメチル	30
Z	: ベンジルオキシカルボニル	
C 1 - Z	: 2-クロロベンジルオキシカルボニル	
B r - Z	: 2-プロモベンジルオキシカルボニル	
B o c	: t-ブトキシカルボニル	
D N P	: ジニトロフェノール	
T r t	: トリチル	40
B u m	: t-ブトキシメチル	
F m o c	: N-9-フルオレニルメトキシカルボニル	
H O B t	: 1-ヒドロキシベンズトリアゾール	
H O O B t	: 3, 4-ジヒドロ-3-ヒドロキシ-4-オキソ- 1, 2, 3-ベンゾトリアジン	
H O N B	: 1-ヒドロキシ-5-ノルポルネン-2, 3-ジカルボキシイミド	
D C C	: N, N' -ジシクロヘキシルカルボジイミド	50

【0134】

本明細書の配列表の配列番号は、以下の配列を示す。

〔配列番号：1〕

本発明のヒト由来タンパク質のアミノ酸配列を示す。

〔配列番号：2〕

本発明のマウス由来タンパク質のアミノ酸配列を示す。

〔配列番号：3〕

本発明のラット由来タンパク質のアミノ酸配列を示す。

〔配列番号：4〕

本発明の配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を有するヒト由来タンパク質をコードするcDNAの塩基配列を示す。 10

〔配列番号：5〕

プラスミドpTB1939に挿入されている、本発明の配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を有するヒト由来タンパク質をコードするcDNAを含有するDNAの塩基配列を示す。

〔配列番号：6〕

プラスミドpTB1940に挿入されている、本発明の配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を有するヒト由来タンパク質をコードするcDNAを含有するDNAの塩基配列を示す。

〔配列番号：7〕

本発明の配列番号：2で表わされるアミノ酸配列を有するマウス由来タンパク質をコードするcDNAの塩基配列を示す。

〔配列番号：8〕

プラスミドpTB1958に挿入されている、本発明の配列番号：2で表わされるアミノ酸配列を有するマウス由来タンパク質をコードするcDNAを含有するDNAの塩基配列を示す。

〔配列番号：9〕

本発明の配列番号：2で表わされるアミノ酸配列を有するマウス由来タンパク質をコードするゲノムDNAの塩基配列を示す。

〔配列番号：10〕

本発明の配列番号：3で表わされるアミノ酸配列を有するラット由来タンパク質をコードするcDNAの塩基配列を示す。

【0135】

〔配列番号：11〕

本発明のヒト由来タンパク質をコードするDNAをクローニングするために使用した合成オリゴヌクレオチドの塩基配列を示す。

〔配列番号：12〕

本発明のヒト由来タンパク質をコードするDNAをクローニングするために使用したプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：13〕

本発明のヒト由来タンパク質をコードするDNAをクローニングするために使用したプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：14〕

本発明のマウス由来タンパク質をコードするDNAをクローニングするために使用したオリゴヌクレオチドの塩基配列を示す。

〔配列番号：15〕

本発明のマウス由来タンパク質をコードするDNAをクローニングするために使用したオリゴヌクレオチドの塩基配列を示す。

【0136】

〔配列番号：16〕

20

30

40

50

本発明のマウス由来タンパク質をコードするDNAの開始コドン付近の塩基配列の解析に使用した合成オリゴヌクレオチドの塩基配列を示す。

〔配列番号：17〕

本発明のマウス由来タンパク質をコードするDNAの開始コドン付近の塩基配列の解析に使用した合成オリゴヌクレオチドの塩基配列を示す。

〔配列番号：18〕

本発明のマウス由来タンパク質をコードするDNAの開始コドン付近の塩基配列の解析に使用したマウス染色体DNA断片の両末端結合しているアダプターの塩基配列を示す。

〔配列番号：19〕

本発明のマウス由来タンパク質をコードするDNAの開始コドン付近の塩基配列の解析に使用した合成オリゴヌクレオチドの塩基配列を示す。 10

〔配列番号：20〕

本発明のマウス由来タンパク質をコードするDNAの開始コドン付近の塩基配列の解析に使用した合成オリゴヌクレオチドの塩基配列を示す。

〔配列番号：21〕

本発明のヒト由来タンパク質の細胞外領域をコードするDNAをクローニングするために使用したプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：22〕

本発明のヒト由来タンパク質の細胞外領域をコードするDNAをクローニングするために使用したプライマーの塩基配列を示す。 20

〔配列番号：23〕

本発明のラット由来タンパク質をコードするDNAをクローニングするために使用したプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：24〕

本発明のラット由来タンパク質をコードするDNAをクローニングするために使用したプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：25〕

本発明のタンパク質のアミノ酸配列の一般式を示す。

【0137】

後述の実施例1で得られた形質転換体エシェリヒアコリ(*Escherichia coli*)DH10B/pTB1939およびエシェリヒアコリ(*Escherichia coli*)DH10B/pTB1940は、それぞれ平成8年7月17日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(NIBH)に寄託番号FERM-BP-5595およびFERM-BP-5596として、また平成8年7月11日から財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO15997およびIFO15998として寄託されている。 30

後述の実施例2で得られた形質転換体エシェリヒアコリ(*Escherichia coli*)DH5/pTB1958は、平成9年1月30日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(NIBH)に寄託番号FERM-BP-5805として、また平成9年1月31日から財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO16054として寄託されている。 40

後述の実施例3で得られた形質転換体エシェリヒアコリ(*Escherichia coli*)DH5/pTB2011は、平成9年7月8日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(NIBH)に寄託番号FERM-BP-6012として、また平成9年7月7日から財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO16109として寄託されている。

後述の実施例5で得られた形質転換体エシェリヒアコリ(*Escherichia coli*)DH5/pTB2012は、平成9年7月8日から通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所(NIBH)に寄託番号FERM-BP-6013として、また平成9年7月7日から財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO16110として寄託されている。

【0138】

【実施例】

以下に、実施例を挙げて本発明をさらに具体的に説明するが、本発明はそれに限定されるものではない。なお、大腸菌を用いての遺伝子操作法は、モレキュラー・クローニング(Molecular cloning)に記載されている方法に従った。

【0139】

【実施例1】

ヒト由来 Fas リガンド様タンパク質をコードする cDNA のクローニング

cDNA のクローニングは、ジーントラッパー (GENETRAPPERTM) cDNA ポジティブ選択システム (ギブコピーアールエル社) を用いて行なった。

スーパースクリプトTMヒト肝臓 cDNA ライブラリー (ギブコピーアールエル社) の大腸菌 DH12S 株を、100 μg/ml アンピシリン含有 Terrific Broth (1.2 g/l Bacto-tryptone (ディフコ社)、2.4 g/l Bacto-yeast extract (ディフコ社)、2.3 g/l リン酸一カリウム、12.5 g/l リン酸二カリウム、0.4% グリセロール) で 30 ℃ で 16 時間培養し、集菌後、キアジェンプラスミドキット (キアジェン社) を用いて、プラスミド cDNA ライブラリーを調製した。精製したプラスミド cDNA ライブラリーを Gene II, Express III (いずれもギブコピーアールエル社) によって消化し、一本鎖 cDNA ライブラリーを作成した。

一方、プローブとして、合成オリゴヌクレオチド (配列番号: 11) を cDNA ライブラリーのスクリーニングに用いた。プローブは、TdT, ビオチン - 14-dCTP (ギブコピーアールエル社) を用いて、3' 末端をビオチン化することで標識した。一本鎖 cDNA ライブラリーを 95 ℃ で 1 分間処理した後、氷中で急冷し、ビオチン化したプローブを加えて 37 ℃ で 1 時間、室温でハイブリダイゼーションを行なった。ハイブリダイゼーション後、ジーントラッパー cDNA ポジティブ選択システム・ストレプトアビジンビーズ (ギブコピーアールエル社) を加えて、室温で 2 分ごとに攪拌しながら 30 分間放置した。その後、ジーントラッパー cDNA ポジティブ選択システム・マグネットラック (ギブコピーアールエル社) 中に入れ、2 分間放置した。上清を捨て、マグネットビーズをジーントラッパー cDNA ポジティブ選択システム・ウォッシュバッファーで洗浄した。このウォッシュバッファーによる洗浄を 3 回行なった。その後、マグネットラックに入れて放置し、上清を捨て、ジーントラッパー cDNA ポジティブ選択システム・溶出バッファーを加え、5 分間室温で放置した。マグネットラックに入れて 5 分間放置した後、その上清の DNA 溶液を回収した。

【0140】

取得した DNA 溶液にプライマーとして合成オリゴヌクレオチド (配列番号: 11) を入れ、95 ℃ で 1 分間処理した。ジーントラッパー cDNA ポジティブ選択システム・修復酵素を加え、70 ℃ で 15 分間放置して二本鎖 DNA を合成した。合成した二本鎖 DNA をエレクトロポレーション装置 (バイオ・ラッド社) により、大腸菌 DH10B 株に導入した。

得られた形質転換株を用いて 2 種のオリゴヌクレオチド (配列番号: 12、配列番号: 13) をプライマーとしてコロニー PCR によるスクリーニングを行なった。PCR により 434 bp の增幅断片が形成されたコロニーを陽性クローンとして 3 株 (#9, #33, #81) 選択した。

選択した大腸菌を培養後、DNA を抽出し、Taq ダイデオキシターミネーターサイクルシーケンシングキット (パーキンエルマー社) を用いて反応を行ない、ABI PRISMTM 377 DNA シーケンサー (パーキンエルマー社) により、cDNA 断片の塩基配列を決定した。取得した 3 クローンのうち、クローン #9 とクローン #33 は同一の DNA 断片を含んでおり、poly(A)⁺鎖を含む配列番号: 5 で表される 1491 個の塩基配列を有していた [図 1]。また、クローン #81 は poly(A)⁺鎖、並びに poly(A)⁺付加シグナル (AATAA) を含む配列番号: 6 で表される 1353 個の塩基配列を有していた [図 2]。これら 3 クローンの cDNA 断片には同一遺伝子が含まれており、配列番号: 1 で表される 240 個のアミノ酸からなる新規 Fas リガンド様蛋白質がコードされていた。また Kyte-Doolittle 解析から、35 番バリン (Val) から 63 番トリプトファン (Trp)

10

20

30

40

50

)にかけての疎水性領域が本タンパク質の膜貫通領域と予想された。本タンパク質はヒトリンホトキシンと最も相同意が高かったが、アミノ酸レベルで33%の相同意が見られた。また、ヒトFasリガンドとはアミノ酸レベルで31%の相同意が見られたが、J. H ein法(PAM250 residue weight tableに基づく)による系統樹解析では、ヒトリンホトキシンよりもヒトFasリガンドとのより高い相同意が見られた。

本発明のタンパク質をコードするDNAのうちクローニング#9を保持するプラスミドpTB1939並びにクローニング#81を含むプラスミドpTB1940を大腸菌(Escherichia coli)DH10Bに導入して、形質転換体：大腸菌(Escherichia coli)DH10B/pTB1939並びに大腸菌(Escherichia coli)DH10B/pTB1940を得た。

【0141】

10

【実施例2】

マウス由来Fasリガンド様タンパク質をコードするcDNAのクローニング

cDNAのクローニングは、PCR法によって行なった。スーパースクリプトTMマウス8.5日胚由来cDNAライブラリー(ギブコビーアールエル社)の大腸菌DH12S株を、100μg/mlアンピシリン含有Super Broth(32g/l Bacto-tryptone(ディフコ社)、20g/l Bacto-yeast extract(ディフコ社)、0.2g/l NaCl)で30、16時間培養した後、キアジェンプラスミドキット(キアジェン社)を用いてプラスミドcDNAライブラリーを調製し、鑄型として用いた。

プライマーとして、次の2つの合成オリゴヌクレオチドを用いた。

5'-TCTGCTCTGGCATGGAGAGTGTGGT-3'

20

(配列番号：14)

5'-CTATTGCTGGGTTGAGGTGAGTC-3'

(配列番号：15)

PCR反応は、Takara Ex Taq(宝酒造(株))を含む系で、サーマルサークラー(GeneAmp^R PCR System 2400, パーキンエルマー社)を用いて94, 1分を1サイクル、94, 20秒 55, 30秒 72, 2分を30サイクル、4放置の条件で行なった。

得られた增幅断片をpT7Blue T-vector(ノバジェン社)にDNAライゲーションキットバージョン2(宝酒造(株))を用いて挿入し、大腸菌DH5株に導入した。

得られた形質転換菌からプラスミドDNAを抽出し、ダイターミネーターサイクルシークエンスFSレディリアクションキット(パーキンエルマー社)を用いて反応を行ない、373A DNAシークエンサー(パーキンエルマー社)によりcDNA断片の塩基配列を決定した。

取得したクローニングは、配列番号：7で表わされる717個の塩基配列を含む配列番号：8で表される795個の塩基配列を有しており、配列番号：2で表わされる239個のアミノ酸からなるマウス由来Fasリガンド様タンパク質をコードしていた〔図3〕。このマウス由来Fasリガンド様タンパク質と実施例1で得られた配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を有するヒト由来Fasリガンド様タンパク質とは、アミノ酸レベルで78%の相同意を有しており、また、それをコードするDNAは、塩基レベルで77%の相同意を有していた。

得られたマウス由来Fasリガンド様タンパク質をコードするDNAを保持するプラスミドpTB1958を大腸菌(Escherichia coli)DH5に導入して、形質転換体：大腸菌(Escherichia coli)DH5/pTB1958を得た。

【0142】

40

次に、プロモーターファインダーDNAウォーキングキット(クローンテック社)を用いて、本発明のマウス由来タンパク質をコードするDNAの開始コドン付近の配列の解析を行なった。

使用したマウスゲノムDNAは、予めScaIの制限酵素で消化され、その5'および3'

50

末端に、プライマーAP1（クローンテック社）やプライマーAP2（クローンテック社）が結合可能なアダプター配列が連結されている。

1 プライマーAP1：（配列番号：16）

5'-G T A A T A C G A C T C A C T A T A G G G C - 3'

2 プライマーAP2：（配列番号：17）

5'-A C T A T A G G G C A C G C G T G G T - 3'

3 アダプター配列：（配列番号：18）

5'-G T A A T A C G A C T C A C T A T A G G G C A C G C G T G G T C G A C G G
C C C G G G C T G G T - 3'

第1PCR反応は、このマウスゲノムDNA溶液とTakara LA PCRキットバージョン2（宝酒造（株））、AP1、合成オリゴヌクレオチドGSP1を用い、サーマルサイクラー（GeneAmp^R PCR System 2400, パーキンエルマー社）で、94, 2秒、72, 3分を7サイクル、94, 2秒、68, 3分を37サイクル、68, 4分、4放置の条件で行なった。 10

4 合成オリゴヌクレオチドGSP1：（配列番号：19）

5'-C A G C C C A G C A C C T A G C A G C A G C A C C A G - 3'

【0143】

次に、この反応液を滅菌水で50倍希釈し、第2PCR反応に用いた。第2PCR反応は、この第1PCR反応液、Takara LA PCRキットバージョン2（宝酒造（株））、前記プライマーAP2、合成オリゴヌクレオチドGSP2を用い、サーマルサイクラー（GeneAmp^R PCR System 2400, パーキンエルマー社）で、94, 2秒、72, 3分を5サイクル、94, 2秒、68, 3分を25サイクル、68, 4分、4放置の条件で行なった。 20

5 合成オリゴヌクレオチドGSP2：（配列番号：20）

5'-G C C G C C T G A A T G G G A T G T C C G T C T G T C - 3'

ScaIで消化したゲノムDNA溶液から得られた約1.1kbの増幅断片をpT7ブルーT-ベクター（ノバジェン社）にDNAライゲーションキットバージョン2（宝酒造（株））を用いて挿入し、大腸菌DH5⁺株に導入し、形質転換株を得た。

得られた形質転換株から、プラスミドDNAを抽出し、ダイターミネーターサイクルシーケンスFSレディリアクションキット（パーキンエルマー社）を用いて反応を行ない、373A DNAシークエンサー（パーキンエルマー社）により増幅断片の塩基配列の一部を決定した。取得したクローンには、配列番号：2で表わされるアミノ酸配列を有する本発明のマウス由来タンパク質の1番Met（開始コドン）から13番Aspをコードする塩基配列（配列番号：7で表わされる塩基配列の第1～39番目の塩基配列）と完全に一致する配列が存在したことから、本発明のマウス由来タンパク質をコードするcDNAのクローニングに用いた合成オリゴヌクレオチド（配列番号：14）の配列は、実際の本発明のマウス由来タンパク質をコードするDNAの配列の一部であることが確認された。 30

【0144】

【実施例3】

マウス由来Fasリガンド様タンパク質遺伝子のコード領域を含む染色体遺伝子のクローニング 40

マウス由来Fasリガンド様タンパク質遺伝子のオープンリーディングフレーム部分を含む領域をコードする染色体DNA断片の取得は、129SVJマウス染色体DNA Sa u3A I部分消化断片を組み込んだラムダF IX^RIIライブライマー（ストラタジーン社）を用いて、標識したマウス由来Fasリガンド様タンパク質cDNAをプローブとしたブラークハイブリダイゼーション法により単離した。まず、1-10×10⁴pfu（plaque-forming unit）/mlになるように希釈したファージ溶液に、0.2%マルトース、10mM MgSO₄を添加したLB培地で30一晩培養した大腸菌XL1-Blue MRAの培養液を同量混ぜ、37、10分間インキュベートした。該混合液200μlに対して、あらかじめ50に温めておいた5mlのトップアガロース（0.7%になるようアガロース 50

を添加したN Z Y 培地 [5 g/l NaCl、2 g/l MgSO₄ · 7 H₂O、5 g/l yeast extract、10 g/l NZアミン (pH 7.5 に調整)] を加え、N Z Y プレート (1.5 % アガロース、9 cm ディッシュ) に均一になるように重曹した後、9 時間、37 °C で静置した。あらかじめプレートの位置がわかるように印をつけたナイロントランスファーメンブレン HybondTM - N + (アマシャム社) を該プレート上に 1 分間密着させることにより、出現したファージ粒子をメンブレン上に移した。該メンブレンを変性溶液 (1.5 M NaCl、0.5 M NaOH) を染み込ませたワットマン 3 MM ペーパー濾紙 (ワットマンインターナショナル社) 上に、ファージのついた面を上にして 7 分間置いた後、中和溶液 (1.5 M NaCl、0.5 M トリス塩酸 (pH 7.2)、1 mM EDTA) を染み込ませた濾紙上に、ファージのついた面を上にして 3 分間放置した。再度この中和処理を繰り返した後、2 × SSC 溶液 (0.3 M NaCl、0.03 M クエン酸ナトリウム) で洗浄した。該メンブレンを自然乾燥させた後、0.4 M NaOH を染み込ませた濾紙上に、ファージのついた面を上にして 20 分間置き、5 × SSC 溶液 (0.75 M NaCl、7.5 mM クエン酸ナトリウム) で洗浄し、ハイブリダイゼーションパックにつめた。このパックに ECL 遺伝子検出システム (アマシャム社) のハイブリダイゼーションバッファーを 5 ml 加えて 1 時間、42 °C でプレハイブリダイゼーションを行なった。

【 0145 】

一方、マウス由来 Fas リガンド様タンパク質 cDNA のオープンリーディングフレーム部分 (720 bp) を PCR 反応により増幅させた DNA 断片を熱変性後に、ECL 遺伝子検出システムのラベリング試薬とグルタルアルデヒドを同量ずつ添加して 5 分間 37 °C でインキュベートし標識した後、これを 10 μl ずつプレハイブリダイゼーションパックに添加し、42 °C で 1 時間インキュベートした。その後パックよりメンブレンを取り出し、あらかじめ 42 °C に保温させた一次洗浄バッファー (6 M 尿素、4 g/l SDS、2.5 mM/L 20 × SSC) で 20 分間洗浄した。これを再度繰り返した後、室温で二次洗浄バッファー (2 × SSC) で 5 分間洗浄した。これを再度繰り返した後、ECL 遺伝子検出システムの検出試薬に 1 分間浸した後、メンブレンを X 線フィルムに重ね、感光させた。1 時間後に該メンブレンを取り出して現像を行ない、ポジティブクローニングを選択した。ここで選択したクローニングをさらに先と同様の方法により二次スクリーニングに供し、最終的に 5 つの候補クローニング (# 2, 3, 4, 5, 6) を得ることができた。PCR 反応を行なった結果から、これら 5 つの候補クローニングのうち、マウス由来 Fas リガンド様タンパク質をコードする遺伝子の全領域を包含しているクローニングは # 1 クローニング及び # 6 クローニングであることがわかった。

【 0146 】

次に、マウス由来 Fas リガンド様タンパク質遺伝子のコード領域を含む染色体 DNA の塩基配列を明らかにする目的でサブクローニングを行なった。まず得られた # 6 クローニングを制限酵素 XbaI で消化した後、0.7 % アガロースゲルを用いて電気泳動を行ない、マウス由来 Fas リガンド様タンパク質遺伝子のコード領域を含むことが考えられた約 9 kb の DNA 断片を切り出し、キアクイックゲル抽出キット (キアジェン社) を用いて回収・精製を行なった。一方、クローニングベクター pUC19 は制限酵素 XbaI で消化した後、1.0 % アガロースゲルを用いて電気泳動を行ない、2.7 kb に相当する DNA 断片を切り出し、キアクイックゲル抽出キット (キアジェン社) を用いて回収・精製を行なった後、ウシ小腸由来アルカリフィオスファターゼ CIP (宝酒造) を用いて末端の脱リン酸化を行なった。この CIP 处理 pUC19 に、先に調製した # 6 クローニング由来の DNA 断片を DNA Ligation Kit Ver.2 (宝酒造) を用いて連結し、大腸菌 DH5[®] に導入して得られたアンピシリン耐性株より目的の DNA 断片が挿入されたプラスミド DNA を選択・単離した。クローニングされた # 6 クローニング由来の XbaI DNA 断片の塩基配列については、種々の合成オリゴ DNA をプライマーとし、ダイターミネーターサイクルシーケンス FS レディリアクションキット (パーキンエルマー社) を用いたシーケンス反応を、添付資料の条件に従って GeneAmp[®] PCR System 2400 で行なった後、該試料を DNA シーケンサー 373A (パーキンエルマー社) で決定した。得られた塩基配列は遺伝子解析

10

20

30

40

50

ソフトレーザージーン (Lasergene、ディーエヌエースター (DNASTAR) 社) で確認した。その結果、マウス由来 F a s リガンド様タンパク質をコードする染色体遺伝子は 4 つのエクソンから成ることが分かった [図 4]。

以上のようにして取得した、マウス由来 F a s リガンド様タンパク質のコード領域を含む # 6 クローン由来の X b a I DNA 断片を保持するプラスミドは p T B 2 0 1 1 と命名し、大腸菌 (Escherichia coli) D H 5 に導入して得た形質転換体は、大腸菌 (Escherichia coli) D H 5 / p T B 2 0 1 1 とした。

【0147】

【実施例 4】

Pichia 酵母を宿主としたヒト由来 F a s リガンド様タンパク質の細胞外領域の発現とウエスタンプロット解析 10

本発明のヒト由来 F a s リガンド様タンパク質の細胞外領域を酵母 Pichia pastoris で発現させるためのベクターとしては p P I C Z A (インビトロジエン社) を用いた。本ベクターには該酵母のアルコールオキシダーゼ遺伝子 (A O X 1) のプロモーターの下流に Pichia 酵母でも機能的な出芽酵母 Saccharomyces cerevisiae の分泌シグナル - 因子をコードする遺伝子とそれに続くマルチクローニングサイトが含まれており、組換え蛋白質を培地中に分泌させることが可能である。

まず本発明のヒト由来 F a s リガンド様タンパク質の細胞外領域をコードする DNA 断片は PCR 法により調製するが、その際用いる次の 2 種のプライマーを DNA 合成機 (Oligo 1000M、ベックマン社) で合成した。 20

1 5' - プライマー : (配列番号 : 21)

5' - A C G A A T T C C A A G A G C G A A G G T C T C A C G A G G T C - 3'

(このプライマーは、E c o R I 認識配列とその 3' 側にヒト由来 F a s リガンド様タンパク質の細胞外領域のうち、N 末端側の 85 番 G l n から 8 アミノ酸をコードする 24 塩基を有する)

2 3' - プライマー : (配列番号 : 22)

5' - A G T C T A G A C T C C T T C C T T C A C A C C A T G A A A G C C C C - 3'

(このプライマーは、X b a I 認識配列とその 3' 側に終止コドン (T G A) とヒト由来 F a s リガンド様タンパク質の細胞外領域 C 末端 5 アミノ酸をコードする 15 塩基に相補的な配列を有する)

【0148】

得られたプライマーをそれぞれ 50 pmol、実施例 1 で得られたプラスミド p T B 1 9 3 9 を 100 ng、d A T P、d C T P、d G T P、d T T P を各 10 nmol、2.5 ユニットのネイティブ P f u DNA ポリメラーゼ (ストラタジーン社) とネイティブ P f u バッファー (ストラタジーン社) 5 μl を含む 50 μl の溶液を調製し、サーマルサイクラー (GeneAmp[®] PCR System 2400、パーキンエルマー社) を用いて、94 、 1 分、続いて 98 、 20 秒 55 、 30 秒 68 、 2 分を 1 サイクルとする反応を 30 サイクル、最後に 72 、 5 分の条件で PCR 反応を行なった。反応終了液から PCR 産物を回収し、E c o R I 、 X b a I で消化後、予め E c o R I 、 X b a I で消化・線状化した p P I C Z A に連結し、環状化プラスミドを得た。該プラスミド DNA を再び A O X 1 座位の S a c I ユニーク切断部位で切断し、線状化後、エレクトロポレーション法により Pichia pastoris K M 7 1 株に導入した。そこで得られた 100 μg/ml ZeocinTM (インビトロジエン社) 含有 Y P D 寒天培地 (1% yeast extract (ディフコ (Difco) 社) 、 2% Bactopeptone (ディフコ (Difco) 社) 、 2% glucose (和光純薬) 、 2% 寒天末 (和光純薬)) 上で生育可能な ZeocinTM 耐性株の中から数クローンを選択し、各染色体 DNA を調製後、それを鑄型に用いた、導入プラスミド DNA の染色体への組み込みを確認するための PCR 反応を行ない、組み込みが確認されたクローンを目的とする組換え蛋白質発現用形質転換株として選択した。 40

組換え蛋白質の発現は以下の手順で行なった。まず、1 白金耳のヒト由来 F a s リガンド様タンパク質の発現用形質転換株のコロニーを B M G Y 培地 (1% 酵母エキス、2% ペ

10

20

30

40

50

プトン、100mM リン酸カリウム (pH 6.0)、1.34% yeast nitrogen base with ammonium sulfate without amino acids (ディフコ (Difco) 社)、4 × 10⁻⁵% ビオチン、1% グリセロール) 25ml に接種し、30、20 時間培養した。菌体を遠心で集め、次に OD₆₀₀ = 1.0 になるように BMMY (1% 酵母エキス、2% ベプトン、100mM リン酸カリウム (pH 6.0)、1.34% yeast nitrogen base with ammonium sulfate without amino acids (ディフコ (Difco) 社)、4 × 10⁻⁵% ビオチン、0.5% メタノール) 培地に再懸濁後、30 で培養し、1日、または2日後に該培養液をサンプリングし、遠心して培養上清を得た。

【0149】

本培養上清を用いたウエスタンプロッティングは以下の通りに行なった。まず、ヒト由来 Fas リガンド様タンパク質の細胞外領域のアミノ酸配列の一部 (配列番号: 1 で表わされるアミノ酸配列の第 166 番目 ~ 第 180 番目までのアミノ酸配列) を含むペプチドを合成し、該合成ペプチドを認識するウサギ抗血清を公知の方法に従って作製した。次に上述の培養上清 5 μl をサンプル処理液 (0.25M Tris-HCl, 2% SDS, 30% glycerol, 10% - mercaptoethanol, 0.01% bromophenol blue, pH 6.8) 5 μl と混合し 95 で 5 分処理した後、SDS - ポリアクリルアミドゲル電気泳動 (10 - 20% グラジエントゲル) を用い、泳動終了後タンパク質プロッティング装置 (SemiPhorTM、ホーファ・ファルマシア・バイオテック (Hoefer Pharmacia BioTech) 社) を用いてニトロセルロース膜 (ファルマシア社) に泳動タンパク質を転写した。3% ゼラチン含有 TBS (20mM Tris, 500mM NaCl, pH 7.5) で膜をプロッキングして、次に TTBS (0.05% Tween-20 含有 TBS) で洗浄後、1.0% ゼラチン含有 TTBS で 2000 倍に希釈された上述のウサギ抗血清と室温で 2 時間反応させた。反応終了後、膜を TTBS で 2 回洗浄して、次に 1.0% ゼラチン含有 TTBS で 3000 倍に希釈されたアルカリリフォスファターゼ (AP) 標識ヤギ抗ウサギ IgG 抗体と室温で 1 時間反応させた。膜を TTBS で 2 回洗浄してさらに TBS で 1 回洗浄後、AP 発色キット (バイオラッド社) を用いて検出した。

〔図 5〕にそのウエスタンプロッティングの結果を示した。発現ベクターを導入した株の培養上清では約 20 kD 付近に主たるバンドが認められ、そのシグナルの強さは経時的に増加していたが、対照の pPICZ-A 導入株の培養上清では全くシグナルが認められなかった。

【0150】

【実施例 5】

ラット由来 Fas リガンド様タンパク質をコードする cDNA のクローニング

ラット由来 Fas リガンド様タンパク質をコードする cDNA のクローニングは、PCR 法によって行なった。

スーパースクリプトTM ラット肝臓 cDNA ライブライアリ (ギブコビーアールエル社) の大腸菌 DH12S 株を、100 μg/ml アンピシリン含有 Terrific Broth (1.2 g/l Bacto-tryp tone (ディフコ社), 2.4 g/l Bacto-yeast extract (ディフコ社), 2.3 g/l リン酸一カリウム, 12.5 g/l リン酸二カリウム, 0.4% グリセロール) で 30 で 16 時間培養し、集菌後、キアジェンプラスミドキット (キアジェン社) を用いてプラスミド cDNA ライブライアリを調製した。該 DNA を鋳型として、また、下記の 2 つの合成オリゴヌクレオチドをプライマー DNA として、また TaKaRa LA Taq (宝酒造 (株)) を DNA ポリメラーゼとして用いた反応系で PCR 反応を行なった。

5'-CCTGACCCCTGGGCTTCTGAGCCTC-3'

(配列番号: 23)

5'-TCCACAAATCCATTGTCGTCATAGCC-3'

(配列番号: 24)

反応はサーマルサイクラー (GeneAmp[®] PCR System 2400, パーキンエルマー社) を用いて

10

20

30

40

50

、 9 4 　・ 1 分を 1 サイクル、 9 8 　・ 2 0 秒 5 5 　・ 3 0 秒 7 2 　・ 3 分を 3 5 サイクル、 7 2 　・ 2 分を 1 サイクル、 4 　・ 放置のプログラムで行なった。反応終了液の一部を 1 . 0 % アガロースゲル電気泳動し、 P C R 反応で増幅された単一の D N A 断片に 10 対応するバンドを確認の後、キアクリックゲルエキストラクションキット（キアジェン社）を用いて該 D N A 断片を回収し、その塩基配列を決定するために pT7Blue T-vector (ノバジェン社) の T クローニングサイトに D N A ライゲーションキットバージョン 2 (宝酒造(株)) を用いて挿入・連結した。該ライゲーション液を大腸菌 D H 5 株に導入後、アンピシリン含有 L B 塞天培地上で出現してきたアンピシリン耐性形質転換株のコロニー群の中から 2 クローンを選択し、各々からプラスミド D N A を調製した。両クローンの各挿入 D N A の塩基配列を決定するため、各プラスミド D N A を鑄型に、 2 種 (P R M - 0 0 7 、 P R M - 0 0 8) の市販プライマー D N A (東洋紡績(株)) の他、 D N A 合成装置 (Oligo1000M、ベックマン社) で合成したオリゴ D N A をプライマー D N A として用い、 Thermo Sequenase™ dye terminator cycle sequencing pre-mix kit (アマシャム社) を用いたサイクルシークエンス反応を添付資料の条件に従って GeneAmp® PCR System 2400 で行なった後、該試料を D N A シーケンサー 3 7 3 A (パーキンエルマー社) で分析した。

【 0 1 5 1 】

得られた塩基配列は遺伝子解析ソフトレーザージーン (Lasergene、ディーエヌエースター (DNASTAR) 社) で解析した。その結果、両クローンとも、 T クローニングサイトには、配列番号： 3 で表される 2 3 9 個のアミノ酸からなるラット由来 F a s リガンド様タンパク質をコードする配列番号： 1 0 で表される 7 1 7 個の塩基配列からなるオープンリーディングフレーム (Open reading frame) を含む 7 8 4 塩基対の塩基配列の D N A 断片が含まれていた [図 6] 。このラット由来 F a s リガンド様タンパク質と実施例 1 で得られた配列番号： 1 で表されるアミノ酸配列を有するヒト由来 F a s リガンド様タンパク質とはアミノ酸レベルで 7 5 % の相同性を有しており、それらをコードする D N A は塩基レベルで 7 4 % の相同性を有していた。また、このラット由来 F a s リガンド様タンパク質と実施例 2 で得られた配列番号： 2 で表されるアミノ酸配列を有するマウス由来 F a s リガンド様タンパク質とはアミノ酸レベルで 9 6 % の相同性を有しており、それらをコードする D N A は塩基レベルで 9 4 % の相同性を有していた。

得られたラット由来 F a s リガンド様タンパク質をコードする D N A を保持するプラスミド p T B 2 0 1 2 を大腸菌 (Escherichia coli) D H 5 に導入して形質転換体：大腸菌 (Escherichia coli) D H 5 / p T B 2 0 1 2 を得た。

【 0 1 5 2 】

【 発明の効果 】

本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩は、アポトーシス活性、細胞傷害活性などの作用を有している。したがって、本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩、および本発明の D N A は、例えば、癌 (例、乳癌、前立腺癌、卵巣癌、乳癌性リンパ球腫、 p 5 3 変異を伴う癌、脳腫瘍、膀胱癌、子宮頸部癌、大腸癌 (結腸 / 直腸癌) 、非小細胞肺癌、小細胞肺癌、胃癌など) 、ウイルス感染 (例、エイズウイルス感染初期、ヘルペスウイルス感染、アデノウイルス感染、ボックスウイルス感染、水痘 - 帶状疱疹ウイルス感染、ヒトパピローマウイルス感染など) 、ヘルコバクター・ピロリ感染、侵襲性ブドウ球菌感染、肝炎 (例、 A 型肝炎、 C 型肝炎など) 、腎炎、骨疾患 (例、リウマチ関節炎 (例、リウマチにおける滑膜細胞の異常増殖) など) 、動脈硬化症、痛みなどの疾病の予防・治療剤などとして有用である。

また、本発明の D N A は、例えば、癌、ウイルス感染、肝炎、腎炎、リウマチ関節炎などの疾患の遺伝子診断剤として有用である。

本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩に対する抗体は、本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩を特異的に認識することができるので、被検液中の本発明のタンパク質等の定量などに使用することができる。また、本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩の活性を中和することができる抗体は、例えば

、エイズ、リウマチにおける関節組織の破壊、炎症、肝炎、自己免疫疾患などの予防・治療剤などとして使用することができる。

さらに、本発明のタンパク質、その部分ペプチドまたはそれらの塩は、本発明のタンパク質とレセプターとの結合性を変化させる化合物、プロテイナーゼ促進もしくは阻害作用を有する化合物、またはレセプター結合後の細胞内シグナル伝達を促進もしくは阻害する化合物をスクリーニングするための試薬として有用である。

【0153】

【配列表】

【配列番号：1】

Ser Ser Arg Val Trp Trp Asp Ser Ser Phe Leu Gly Gly Val Val His
195 200 205

Leu Glu Ala Gly Glu Lys Val Val Val Arg Val Leu Asp Glu Arg Leu
210 215 220

Val Arg Leu Arg Asp Gly Thr Arg Ser Tyr Phe Gly Ala Phe Met Val
225 230 235 240

【 0 1 5 4 】

【配列番号 : 2 】

10

Ser Arg Val Trp Trp Asp Ser Ser Phe Leu Gly Gly Val Val His Leu
195 200 205

Glu Ala Gly Glu Glu Val Val Val Arg Val Pro Gly Asn Arg Leu Val
210 215 220

Arg Pro Arg Asp Gly Thr Arg Ser Tyr Phe Gly Ala Phe Met Val
225 230 235

【 0 1 5 5 】

【配列番号：3】

10

Ser Arg Val Trp Trp Asp Ser Ser Phe Leu Gly Gly Val Val His Leu
 195 200 205

Glu Ala Gly Glu Glu Val Val Val Arg Val Pro Gly Asn Arg Leu Val
 210 215 220

Arg Pro Arg Asp Gly Thr Arg Ser Tyr Phe Gly Ala Phe Met Ile
 225 230 235

【0156】 10
 【配列番号：4】

配列の長さ：720

配列の型：核酸

鎖の数：二本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：cDNA

配列

ATGGAGGAGA GTGTCGTACG GCCCTCAGTG TTTGTGGTGG ATGGACAGAC CGACATCCCA 60
 TTCACGAGGC TGGGACGAAG CCACCGGAGA CAGTCGTGCA GTGTGGCCCG GGTGGGTCTG 120
 GGTCTCTTGC TGTTGCTGAT GGGGGCTGGG CTGGCCGTCC AAGGCTGGTT CCTCCTGCAG 180
 CTGCACTGGC GTCTAGGAGA GATGGTCACC CGCCTGCCCTG ACGGACCTGC AGGCTCCTGG 240
 GAGCAGCTGA TACAAGAGCG AAGGTCTCAC GAGGTCAACC CAGCAGCGCA TCTCACAGGG 300
 GCCAACTCCA GCTTGACCGG CAGCGGGGGG CCGCTGTTAT GGGAGACTCA GCTGGGCCTG 360
 GCCTTCCTGA GGGGCCTCAG CTACCACGAT GGGGCCCTTG TGGTCACCAA AGCTGGCTAC 420 30
 TACTACATCT ACTCCAAGGT GCAGCTGGGC GGTGTGGGCT GCCCCGCTGGG CCTGGCCAGC 480
 ACCATCACCC ACGGCCTCTA CAAGCGCACA CCCCCTGCTACC CCGAGGGAGCT GGAGCTGTTG 540
 GTCAAGCCAGC AGTCACCCCTG CGGACGGGCC ACCACCGAGCT CCCGGGTCTG GTGGGACAGC 600
 AGCTTCCTGG GTGGTGTGGT ACACCTGGAG GCTGGGGAGA AGGTGGTCGT CCGTGTGCTG 660
 GATGAACGCC TGGTTCGACT GCGTGATGGT ACCCGGTCTT ACTTCGGGGC TTTCATGGTG 720

【0157】 40
 【配列番号：5】

配列の長さ：1491

配列の型：核酸

鎖の数：二本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：cDNA

配列

CGAGACTCCA TCTCAAAAC AAAACAAATA AACGAACAAA AAAACCCACA ACGTATTATT	60	10
TTCTTGTAA CGAGGTTCT TGTCTCTCTG GCTCCACCAG AAGAGGAGCA GGGACCCCTTC	120	
TTGCTGTTGT TCATTGCTGC ATCCCCACA CCGAGAGCAG AGCCTGGCAT GGGCAGAAAG	180	
TCCTCAGTCG ATATTGGTG GCCCAAGCG AATGAAGCAT CCAAGAAGGG AAAGCTGGGG	240	
GCTCCCCACT GCACTTGCCA CCTGAGTCAC ATTTCAAGAA GCCTCTGGAA AGTCGTGCAC	300	
AGCCCAGGAG TGTGAGCAA TTTCGGTTTC CTCTGAGGTT GAAGGACCCA GGCGTGTCA	360	
CCCTGCTCCA GACACCTTGG GCATGGAGGA GAGTGTGTA CGGCCCTCAG TGTTTGTGGT	420	
GGATGGACAG ACCGACATCC CATTACCGAG GCTGGGACGA AGCCACCGGA GACAGTCGTG	480	20
CAGTGTGGCC CGGGTGGGTC TGGGTCTCTT GCTGTTGCTG ATGGGGGCTG GGCTGGCCGT	540	
CCAAGGCTGG TTCCCTCTGC AGCTGCACTG GCGTCTAGGA GAGATGGTCA CCCGCCTGCC	600	
TGACGGACCT GCAGGCTCCT GGGAGCAGCT GATACAAGAG CGAAGGTCTC ACGAGGTCAA	660	
CCCAAGCAGCG CATCTCACAG GGGCCAACTC CAGCTTGACC GGCAGCGGGG GGCCGCTGTT	720	
ATGGGAGACT CAGCTGGGCC TGGCCTTCCT GAGGGGCCTC AGCTACCACG ATGGGGCCCT	780	
TGTGGTCACC AAAGCTGGCT ACTACTACAT CTACTCCAAG GTGCAGCTGG GCGGTGTGGG	840	
CTGCCCGCTG GGCGTGGCCA GCACCATCAC CCACGGCCTC TACAAGCGCA CACCCCGCTA	900	30
CCCCGAGGAG CTGGAGCTGT TGGTCAGCCA GCAGTCACCC TGCGGACGGG CCACCAAGCAG	960	
CTCCCGGGTC TGGTGGACA GCAGCTTCCT GGGTGGTGTG GTACACCTGG AGGCTGGGA	1020	
GAAGGTGGTC GTCCGTGTGC TGGATGAACG CCTGGTTCGA CTGCGTGATG GTACCCGGTC	1080	
TTACTTCGGG GCTTCATGG TGTGAAGGAA GGAGCGTGGT GCATTGGACA TGGGTCTGAC	1140	
ACGTGGAGAA CTCAGAGGGT GCCTCAGGGG AAAGAAAAT CACGAAGCAG AGGCTGGCG	1200	
TGGTGGCTCT CGCCTGTAAT CCCAGCACTT TGGGAGGCCA AGGCAGGCCG ATCACCTGAG	1260	
GTCAGGAGTT CGAGACCAGC CTGGCTAACCA TGGCAAAACC CCATCTCTAC TAAAAATACA	1320	40
AAAATTAGCC GGACGTGGTG GTGCCTGCCT GTAATCCAGC TACTCAGGAG GCTGAGGCAG	1380	
GATAATTTCG CTTAAACCCG GGAGGCAGGAG GTTGCAGTGA GCCGAGATCA CACCACTGCA	1440	
CTCCAACCTG GGAAACGCAG TGAGACTGTG CCTCAAAAAA AAAAAAAA A	1491	

【0158】

【配列番号：6】

配列の長さ：1353

配列の型：核酸

鎖の数：二本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：cDNA

配列

CCACACGCGTC CGCCCACGCG TCCGCTGAGG TTGAAGGACC CAGGCCTGTC AGCCCTGCTC	60	10
CAGACACCTT GGGCATGGAG GAGAGTGTG TACGGCCCTC AGTGTGTTGTG GTGGATGGAC	120	
AGACCGACAT CCCATTACG AGGCTGGGAC GAAGCCACCG GAGACAGTCG TGCAGTGTGG	180	
CCCGGGTGGG TCTGGGTCTC TTGCTGTTGC TGATGGGGC TGGGCTGGCC GTCCAAGGCT	240	
GGTTCCCTCCT GCAGCTGCAC TGGCGTCTAG GAGAGATGGT CACCCGCCTG CCTGACGGAC	300	
CTGCAGGCTC CTGGGAGCAG CTGATAACAAG AGCGAAGGTC TCACGAGGTC AACCCAGCAG	360	
CGCATCTCAC AGGGGCCAAC TCCAGCTTGA CCGGCAGCGG GGGGCCGCTG TTATGGGAGA	420	
CTCAGCTGGG CCTGGCCTTC CTGAGGGGCC TCAGCTACCA CGATGGGCC CTTGTGGTCA	480	20
CCAAAGCTGG CTACTACTAC ATCTACTCCA AGGTGCAGCT GGGCGGTGTG GGCTGCCCGC	540	
TGGGCCTGGC CAGCACCATC ACCCACGGCC TCTACAAGCG CACACCCCGC TACCCCGAGG	600	
AGCTGGAGCT GTTGGTCAGC CAGCAGTCAC CCTGCGGACG GGCCACCAGC AGCTCCCGGG	660	
TCTGGTGGGA CAGCAGCTTC CTGGGTGGTG TGGTACACCT GGAGGCTGGG GAGAAGGTGG	720	
TCGTCCGTGT GCTGGATGAA CGCCTGGTTC GACTGCGTGA TGGTACCCGG TCTTACTTCG	780	
GGGCTTCAT GGTGTGAAGG AAGGAGCGTG GTGCATTGGA CATGGGTCTG ACACGTGGAG	840	
AACTCAGAGG GTGCCTCAGG GGAAAGAAAA CTCACGAAGC AGAGGCTGGG ATTACAGGCG	900	30
TGAGCCACTG TTCCCAGCAG GAATTCTTT TTTATAGTAT TGGATAAAGT TTGGTGTGTTT	960	
TACAGAGGAG AAGCAATGGG TCTTAGCTCT TTCTCTATTA TGTTATCATC CTCCCTTTT	1020	
TGTACAATAT GTTGTAACTC TGAAAGGAAG GTTCTATTG GTTGGTTGTG GACCTGGACA	1080	
AAGTCCAAGT CTGTGGAAC TAAAACCTTG AAGGTCTGTC ATAGGACTCT GGACAATCTC	1140	
ACACCTTAGC TATTCCCAGG GAACCCAGG GGGCAACTGA CATTGCTCCA AGATGTTCTC	1200	
CTGATGTAGC TTGAGATATA AAGGAAAGGC CCTGCACAGG TGGCTGTTTC TTGTCTGTTA	1260	
TGTCAGAGGA ACAGTCCTGT TCAGAAAGGG GCTCTCTGA GCAGAAATGG CTAATAAACT	1320	
TTGTGCTGAT CTGGAAAAAA AAAAAAAA AAA	1353	40

【0159】

【配列番号：7】

配列の長さ：717

配列の型：核酸

鎖の数：二本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：cDNA

配列

ATGGAGAGTG TGGTACAGCC TTCA	GTGGTGGATG GACAGACGGA CATCCCATT	60	10
AGGC	GGCTGG AACAGAACCA CCGGAGACGG CGCTGTGGCA CTGTCCAGGT CAGCCTGGCC	120	
CTGGT	GCTGC TGCTAGGTGC TGGGCTGGCC ACTCAGGGCT GGTTTCTCCT GAGACTGCAT	180	
CAAC	GTCTTG GAGACATAGT AGCTCATCTG CCAGATGGAG GCAAAGGCTC CTGGGAGAAG	240	
CTG	ATAACAAG ATCAACGATC TCACCAGGCC AACCCAGCAG CACATTTAC AGGAGCCAAC	300	
GCCAG	GCTTGA TAGGTATTGG TGGACCTCTG TTATGGGAGA CACGACTTGG CCTGGCCTTC	360	
TTGAG	GGGGCT TGACGTATCA TGATGGGGCC CTGGTGACCA TGGAGCCCGG TTACTACTAT	420	
GTG	TACTCCA AAGTGCAGCT GAGCGCGTG GGCTGCC	480	20
CCC	CCCC ATGGACTATA CAAGCGCACA TCCCCTACCG CGAAGGAGTT AGAACTGCTG	540	
GTC	AGTCGGC GGTCACCCCTG TGGCCGGGCC AACAGCTCCC GAGTCTGGTG GGACAGCAGC	600	
TTCC	CTGGGGCG GCGTGGTACA TCTGGAGGCT GGGGAAGAGG TGGTGGTCCG CGTGCCTGGA	660	
AACCG	CCTGG TCAGACCACG TGACGGCACC AGGTCTATT TCGGAGCTTT CATGGTC	717	

【0160】

【配列番号：8】

配列の長さ：795

配列の型：核酸

鎖の数：二本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：cDNA

配列

TCTGCTCTGG	CATGGAGAGT	GTGGTACAGC	CTTCAGTGT	TGTGGTGGAT	GGACAGACGG	60	10
ACATCCCATT	CAGGCGGCTG	GAACAGAAC	ACCGGAGACG	GCGCTGTGGC	ACTGTCCAGG	120	
TCAGCCTGGC	CCTGGTGCTG	CTGCTAGGTG	CTGGGCTGGC	CACTCAGGGC	TGGTTCTCC	180	
TGAGACTGCA	TCAACGTCTT	GGAGACATAG	TAGCTCATCT	GCCAGATGGA	GGCAAAGGCT	240	
CCTGGGAGAA	GCTGATACAA	GATCAACGAT	CTCACCAAGGC	CAACCCAGCA	GCACATCTTA	300	
CAGGAGCCAA	CGCCAGCTTG	ATAGGTATTG	GTGGACCTCT	GTTATGGGAG	ACACGACTTG	360	
GCCTGGCCTT	CTTGAGGGGC	TTGACGTATC	ATGATGGGGC	CCTGGTGACC	ATGGAGCCCG	420	
GTACTACTA	TGTGTACTCC	AAAGTGCAGC	TGAGCGGCGT	GGGCTGCC	CAGGGGCTGG	480	20
CCAATGGCCT	CCCCATCACCC	CATGGACTAT	ACAAGCGCAC	ATCCCCTAC	CCGAAGGAGT	540	
TAGAACTGCT	GGTCAGTCGG	CGGTACCCCT	GTGGCCGGGC	CAACAGCTCC	CGAGTCTGGT	600	
GGGACAGCAG	CTTCCTGGGC	GGCGTGGTAC	ATCTGGAGGC	TGGGGAAGAG	GTGGTGGTCC	660	
GCGTGCCTGG	AAACCGCCTG	GTCAGACCAAC	GTGACGGCAC	CAGGTCTAT	TTGGAGCTT	720	
TCATGGTCTG	AAGGCTGCGG	TGACAATGTA	TTTGTGGAG	GGACCTCTCC	AGGACTCACC	780	
TCAAACCCAG	CAATA					795	

【0161】

【配列番号：9】

30

配列の長さ：9058

配列の型：核酸

鎖の数：二本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：ゲノムDNA

配列

TCTAGATTGC ATTAACAGAG AGAAGACCT GAGTATGGGT GGAGTCATCT CAGGGCTGAG	60	10
GTCCCTGGGCT GAATGAAAAT GACAGAGTGA GCAGAGCACC CGTGTCTTT GGTTTCTGCT	120	
ACCTCACTGT GGATTGACA TGACCAACTG CCTCGTGCTA CCTCCCCCTCT CCCCCACTTTG	180	
ACTTCTCCAC TGTGATAGAC ACTTCTCACT ATGAGCCAAG ATTTTCTTC CTCCCAGTCT	240	
TAGTTGGGGT TTCTACTGCT GTGCTAAAAC ACCATGACCA AAAGCAACTT GGAGAGAAGA	300	
GGGTTTATT CAGTTACATT TCCAGGTTAT AGTTCATCAC TGAATAAAAT CAGGACAGGA	360	
ATTCTAATTG TGCAGGATCC TGGAGGCAGT AGGTGACGCA GAGGCCATGA GGATGCTGCT	420	
TGCTAGTTG CTCCCCATGG CTTGCTTGCT CAGCCTGCTT TCTTATAGAA CCCAGGATCA	480	20
TCAGCCCAGG GGATGGTGCC ATCCACAGTG GACTGGGCCCT TTCCGCATCA ATCACTAATG	540	
GAGAAAATGC CCCACGGGCT TAAATGCATC CTGATCTTAT GGAGGCATTT TTTTTCAAC	600	
TGAGGCTCCC TCCTCTCAGA TGATTTTGC TCGTGTCAAG TTGACATAAA ACTATCCAGC	660	
ACCCCTGTACC CTTTGTCACT TTGACACACA AACACAACAC TAGTAAGCCA CAACCTTCC	720	
TTTCTTGTCA TCTCCAAGAT CAAACATTAA TATCAACGTC ACAACATAAA AACATTTGT	780	
GGGCTAGAGA GATGGCTTGG AGGCTAAGAG CACTGGCTGT CCTTCAAGAA AATGAGCAAT	840	
TCCCAGCACC CACACGGCAG CTCACAACCTG TCTTAAATTCA ATTTCAGG GGATCCAAT	900	30
CCCTCACACA TGCAAGCAAA ACACTAATGT ACAGAAAATA GAAATAAATA AATTTTAAA	960	
CATTTGCAA ACTAAAAAAA AAAAAAAGTC CCACCACTTT ACAATTCAA ACAGGTTAAA	1020	
ATTTAGTGTCA TTTAAAACCTC CAAAGTTAA AGTTGAAAAA CCTTTAAAT CTAAAATATT	1080	
TTAAAAGCTA GCCTCTCAGC TGTGGGATCC TATAACATTG AAAACAAGCT TAATACTTCC	1140	
TTATTTCAAG AGGGAAGAAC CACGGCACAG TCAACAACCT GAACAAGCAA AACCAAATAC	1200	
CAGCTGTGTA AATAATTGCA TTTCCAGTGT CTGGGATTCA AACATGATCT TCTGGGCTCC	1260	
TCCAAAGGTC CTGAGTGCCT TCTCTGGTGC TGCCCTATGC AGCCCTCACA TCTTGTCTTC	1320	
TAGGCTGGGG CTGGCTCCAC CCCAAGGCTG CTGCTGCTGC TGCTGCTGCT GGTGATCATC	1380	40

CCAAGACACC AGCATCTTCA AAATACTGTG GTCTTCTGCT GCCACGGAGG CTGCACTTTC 1440
 ACCAACAGCC TCTCCTGGTC CCACACAGTG CCATGCCTCA GCTTCTCTCC ATGGCCTCCT 1500
 TATCCTTCCA AACCCAGCAT CATCTGAGGA TAACCTTGTGTT CACCTTAACA GCACAGCTTC 1560
 TGTGTACTGG TTCTCTCAGG AAACACTCCC CAGATTCAC CTCAGTGATG CAGGTCTCTT 1620
 CTAATCACG GCCAGTTCTG CAGAACAAAGC TAAGCAGAAC TAAGAATCTC ATTTCAAATA 1680
 TCAAACATCC CCAATGCTCT CCTTGTGTT GTTTTGTGTT TAAAATAGAA TCCCTTTATA 1740
 GTTCTTGCTC TCTTGGAACT CACTATGTAG AATAGGCTGG TTTGATCTC ACAGGAGATC 1800 10
 CATCTGCCTC TGCCTCCCAA AGGTGTGTAC TACCCCTACCC AGGAAATCGT GGTGGTCTTT 1860
 AAGAAACTCT CAAACTTCCC TCTGTAATT CACAAGGCAG GCCTCCATCA TCTGCCGTAT 1920
 TCTCAGCATT TTGAACCTCC AAGCTCCCAC AGAACAGCCC ACTGAGCTCT GCATGGAACA 1980
 GTTTCTCCAG TCCAAAGTTG AGAGGCCGTA CAATCTTCTC AATACCATAG TCAGGTCTTT 2040
 CCTATTCTTA ACCCACACCT GATTCCAATT TGTGTCTTGG CTAGGATTTC TATTGCTGTC 2100
 ATAAAACAGC ATGATCAAAA GCAACCTCAG CTTACACTTT CAGGTACAC CCCATCCACT 2160
 GAGGGAGGTC AGGACAGGAA CCTGGAGACA GGAGCTGATG CAGAGACTAT GGAAGAACAC 2220 20
 TGCTTACTGG CTTGTGTCT ATGACTTGTGTT CAGCCTGCTT TCTTATAGAA CTCAGGAATG 2280
 CCAGTGCAGG GAAGGCCAG TTTACAGTGA GCACGGCCTC CCACAAGCCA ATCTGTTGGG 2340
 GGTGTTTCT CCATTGAAGT TTCTCTTCC AAAATGAATG TAGCTTGTGT CAAATTGACA 2400
 CTGGCCAGCA CAGACCATGA GAGATTAGAG AACGCTTCCA GGCAGATCCT TTATGGAGTA 2460
 TCAGATACTC CGGGCTGCTG AGTAATTGC ACAGTTCCAG GAATGGACCT GAGTTGGGCA 2520
 ACAGCAAAGA GATGAAGAAA CGACAAACAC AGACATCCAG GAATCCTGGG GTCATGTGAT 2580
 CTGGGCCTTC TGCACACGAG TTCTCTTAGC ACGTTATTAT ATAGAGTCGA GTGGAGAAGT 2640 30
 GGGGTTATTG CCTACCACTG AAAAAGGCAA CTTATTACAT ACAGTTAACG AAGGAGGCAG 2700
 GGTATATATG CACAATGGGA TGGGGAAAGGC AGGTTGAGTT AGTCTCCATA AGAACTGTCC 2760
 CTGGAAGGGA GCTATGTTCA TGCAGTCAGCA CTCAAGGGGG AGGATGGTGA ACACATTCTA 2820
 CACACACTGG CGACATGCAC ATCCATGCGT GGACCAGAAC AGAAGGCTAT GTTCCCTCT 2880
 GGGTCTGAGG CTCTGGAGTT GTTGACAAGC TCATGTCAAC AGCACACATC CCTTCAGCAC 2940
 CTCACAGACC TGGGCTTCCT CTGAAGGGCT CTGTTGCTGA GGCAGGTGGA TGGGTGGGTC 3000
 CTGCAGGGGG ACAGGAGTCT CAGCAGTACT TTCCCTGGAA CCCTTGGTTA GAGAACCCAT 3060 40
 GAATCAGCAG CGTGGCAGAG CACTGGGGTT CTGTTGCTAC AGCATGCCA GCCCTGTGTC 3120

AAGACAAACA CTACAGCATG GGGGCCATTG ACATTGAGAA GGGGCCTGG TGATTCTTAT 3180
 AACTGAACCC CCAAGTCTTC AGTATCTGGG AGGGTGTCTG ATGGGGTAA GCTCCAAGCT 3240
 GAAGATTTGG GGACAAGGTG GTATCTGAAA ATCTACCCCA GCACCGTCTC CAGTGGACAC 3300
 ACATATGAAC ACATCTGAGG TTCATGTGTG CATGTGCTAA TAGATGATAG ACACTGTAGT 3360
 GTGTGTGTGT GTGTGTGTCC ATATATGGAC CTGCACACAC ATCAGGAAAT GCCTGTGTGC 3420
 TTGTTCCAGC ACTTGCAGAC ACATATCAGA ACATCTACAC CTGTGTGCAC ACATCCACGA 3480
 ACCGTGCATC TGTACAAGCA CCTGCACCCA TATGCACAGA CTAAAGCAAA CACAGAGGCC 3540 10
 TCTGCTTGTGTC AGCGCGTGCA AATGCAGGTG CGGTGCAAGA TGCTTGCATG GAACCCACAG 3600
 AAGTTCTTT GAGGGAAACA AAAGCCACCA AGTACATCGG AGCAGGGCT GCCCCATCCA 3660
 TCCCACCTGA GTCACATTTT CTGGAAAGTG TGAGCTATGG TGGCCTCAGT GAGAGTGATC 3720
 GACCGGGGGC TGGCCTCTG GGGGCACAGG AAGAAGAGGA GGTACGTGAG GAAAGGGGAG 3780
 GCACCAGACT TCAGCTTAA AGTGAGTCCT AGGGGTGACA GGAACCTTTT GCAGTTGCA 3840
 CAGCCCCAGC GTGTTGGCA ATTGTGGTT CCTCCGGAGA GGAGGAACTC AGGCTTGCCA 3900
 ACCCTTCCC CTGGGCTTCG GAGCCTCAGC TGCTCTGGCA TGGAGAGTGT GGTACAGCCT 3960 20
 TCAGTGTTC TGTTGGATGG ACAGACGGAC ATCCCAATTCA GGCGGCTGGA ACAGAACAC 4020
 CGGAGACGGC GCTGTGGCAC TGTCCAGGTC AGCCTGGCCC TGGTGCTGCT GCTAGGTGCT 4080
 GGGCTGGCCA CTCAGGGCTG GTTCTCCTG AGACTGCATC AACGTCTTGG AGACATAGTA 4140
 GCTCATCTGC CAGTAAGTGG GGCTTGGGA ACCAGCGAGT CTTCTCCAGT ACCTGTCCCT 4200
 TTATGGTTGT GTATTGTGTG CTAGAACCCA GGGCTTCGGT TAGCCTGTCT CTCTGACCC 4260
 CAGTCTTCTC ATCTTACAT GAGGATCTGA TACACGTGCA GTGCCCGGCA GTTCCCTTGG 4320
 GATTCACCTA CTCGGTTGTT GTTCCAGCC CAAACCTTG TCCACCACTG GCTTCATGGT 4380 30
 CACCCCTGCTT CACTCGCAGC TCTCTCATGT GCTTGCTCTA CTGTTCCCTT TCAGACAAGC 4440
 CATGGGTGTG TCACAGTATG CTCCCGAGTC TTTGCCTATA TTTTCTTTT AAGTTTTTT 4500
 TTTAATTAC ATTTACTTAT TTAGTGTGTA GACATGAAAA AGTATGCATG TGCCCGAGCA 4560
 TGTATGTGGA ACACCTCTAT GGAATCACTT CTCTGTGCCT TCCCTTGTGG AGGGTCTAG 4620
 GGACTGAACT CAGGTAGCCA GGCTTGGCAG CAAGCACTT TACCGCCTGA GCCCTCTCAC 4680
 CGGCCCTCAA CTATCCAAAA ACCTCGAAAA CAGTTCCGAA ACAATTCTAG TCTCAAGCAT 4740
 TTCAGACACT CGACTTGACT AGTTAATTCC TCATCCCAGC ACTTGGGCAG GGGAGGCAGA 4800 40
 AGACTGAGGG AGTTCAAGGT CATCCTAGGC TATTAGCAA GTCTGAGGCC AGACTGGGCT 4860

ACATGAGAGC CTATCTTGGAA AATACAACAG ATCTAATTAG GTGTGTGCCCTCCTGC 4920
 ATCTGTGTGT ATGTATGTGA TATGTGCATG TGTGGCTCTG CATAACATGTC CATGGGTGGT 4980
 GTCTGTGGCC ATGGCCAGAC AGTCTCATCA CCACATACCA GTGAGACTCG GAGCGGCATG 5040
 TCCTTACCAA ACATCCCTGT CTGCATTCA GGATGGAGGC AAAGGCTCCT GGGAGAAGCT 5100
 GATACAAGGT GAGTTGGGC CCCAGTCCCT TTGAAGCAGG TGGAAATGGTT TCCGTTCAAGC 5160
 ACCTCCCCAC ACCAACTCTG GGTCACTCACC CAGTGTCAACA TTGTAGGCCT CGCAGGTGCC 5220
 CCTCCCCCAG GGCCAGAGAA GCAGAAATCT GGGTCCAAAA GGGACAGAGC CTGACACAGG 5280 10
 TAGCCTCAAT TGATGTGTGA GAAACTTCGG GTACACACAC ACTGAGACAT GCGTGCACAC 5340
 ACACACATAC ACACACACAC ACACACACAC AATCCTCTTT TTGTCTCTAA CCTTTGACTC 5400
 TCTTCCTCAG ATCAACGATC TCACCAGGCC AACCCAGCAG CACATCTTAC AGGTGAGAGG 5460
 GACCCAGAT CTTCACACGG AATGGGGTTT AGCATGTCTT GGGAGACTCA GATCTTATA 5520
 AGTTAGAGCA CTCGTTTATG CATTCAATTAA GTGTGTCTTT AAATTTTTTG TGACATTAC 5580
 TTCTTTTAT TCATTATTAA TTGCACATGT GCATGCCATA GTGTAGAGGT CAGAAAACTC 5640
 TCAGGGGAAC GATTCTTCC TTCCACCTTT TGGCCTCCGT GTACTGATCT CAGCCATCAG 5700 20
 GCTTGGCTCT AAGTACCTTT ACTCTCTGCG CCATCTTGCC GGTCACTTT TTTTTCTCA 5760
 GTGTTTACTA AAAAACAGCC CAGAGAAGAG CCACAGGGAG CCATGTAAAG TCAACTCTTC 5820
 ACCCTGCTAG TCATGGGAC ACATCCCAAG GTCCCTGGAG GCCTCAGAAG ATGTTGGGAC 5880
 TCAGACCTAC CACAGTTAT ATTTGTTGT TTGTTGGTT GGTTGGTTGG TTGGTTGGTT 5940
 GGTTGGTTGA TTGGTTGGTT GGTTGGTT TTGGAGACAG GGTCTCTCTG TGTAGCTTGG 6000
 GCTGCCTGGG TAGACCTGCC TCTGTCTGA GTACTGGAAT TAACAGGAAT TAACGACGTG 6060
 GGCCACTACA CCCAGCTGTA TATACTGGTT TTTCTTTGG CATAGACAGT TTAATTATA 6120 30
 ATTTAACAAAG TAAGAAACTA ACAAGAACATAC ACATAAAAGTA TGCTGTAATT AAAAACTATT 6180
 TTTGAAACAT GATGTGGGAG ATAGGGAGGT GGCTCCATGT GCAAATTGCT AGCCACTTT 6240
 GACTCAACAT CTGAGCCAAA AGCCAAACAC ACACCTCCGT GACAGTTACA GAGGCAGATT 6300
 CAGACAGACA CACACTCCTG TGACAGTCAT GGAGACAGAG ACAGGCAGAG AGGTCCCTAG 6360
 GACCTGCTGT CCAGCAGCCT TGACAAACAG GGGACTTCCA GGGTCAATAA GAGACTCTGC 6420
 CTCAAAACTA AGGTGGACAG AGGTTGAAAC TGAGGAAGTT GCCTGGTTTT GACTTCTGGG 6480 40
 CACACACACA CACACACACA CACATATATA TAACACATAC ATCACACACA TATACACAAA 6540
 CATAAGTCA CACACACTTT TTGAGATAGA GTCTCATGTA GCCTAAACCG GCCTTGAAC 6600

CTTGATCCTC CAGACTCGAC GTCCAAGAT CTGGATGTCA CCACTACACC TGATTTATTT 6660
 GGTACTGGGG CTGGAATGTA CAGCCTTCGG CATGCTGGC GAGTGTCCA CCTCCTAAAT 6720
 CCTAACCCCCA TTTAAAAAAA ATTTTTTGA CATTCACTA GGAAGCTTCA ATACCTTGTG 6780
 CCTCAGTTTC TTCTTGGTA TCAGAGTGCAC TTTGCTCCTC AGTGCTTCAG TGTCTACCC 6840
 TGCAGAAGGA GATGGGAATG AACGGAGTTA AGACACAACC ACCAAATTAC TTTGCTTGTG 6900
 TTCCCTGTATC TCAGTTCTT CCCCCCTGCAA GATAGGAATG GGCTGAGTCA ACCCAGACAA 6960
 GCAGCCTACT ATGGTGGTGA AACCAAGAGGG AACTAGCATA AGGTCACACA GAAAGGGTGG 7020 10
 GCACAATGCT AACCGTGCTG ACGGGTTATC TTTCTCTCTC CTTTCCTCCC AGGAGCCAAC 7080
 GCCAGCTTGA TAGGTATTGG TGGACCTCTG TTATGGGAGA CACGACTTGG CCTGGCCTTC 7140
 TTGAGGGGCT TGACGTATCA TGATGGGGCC CTGGTGACCA TGGAGCCCGG TTACTACTAT 7200
 GTGTACTCCA AAGTGCAGCT GAGCGGCGTG GGCTGCCCCC AGGGGCTGGC CAATGGCCTC 7260
 CCCATCACCC ATGGACTATA CAAGCGCACA TCCCGCTACC CGAAGGAGTT AGAACTGCTG 7320
 GTCAGTCGGC GGTCACCCCTG TGGCCGGGCC AACAGCTCCC GAGTCTGGTG GGACAGCAGC 7380
 TTCCCTGGGCG GCGTGGTACA TCTGGAGGCT GGGGAAGAGG TGTTGGTCCG CGTGCCTGGA 7440 20
 AACCGCCTGG TCAGACCACG TGACGGCACC AGGTCTTATT TCGGAGCTTT CATGGTCTGA 7500
 AGGCTGCGGT GACAATGTAT TTTGTGGAGG GACCTCTCCA GGACTCACCT CAAACCCAGC 7560
 AATAGGGTTT GAAGTCCCTCC CTTAAGGAG CCCTGAACTC TGCAGTGCTC GGGGCGGTGT 7620
 TCACTGCTGA CCTGCTTGG GCAATCTCA AATCAGAGAC CTGGAGACTT GGGGCGTGG 7680
 GCCCAGGAGC GAGGGGTCAG CTCATTTGCC TGATATTCAAGA TCAAGCTGGG 7740
 GTATTTATGC TTCTGATGCA AACACTGAGA TTTGGCTTT CTGGGTTTG AGCTGGAGGC 7800
 AAGAAACCTT CCCAGAGTGT CATCAGGACC ATGTTGGCAG GACTTGGGCC TCCAGACTTG 7860 30
 CCACCAACT CTGGCCTCTC CCATCCATCC GCTGCATTGG TTTCCAGCCA CCAAAACAGC 7920
 ACTGGCCCCC TGGCTGCAAC TGGCCAGGT ACGCTTCTG AGCACCTACA TTCTCAGGG 7980
 ACATCTTGAT GAGATCTCAG TACTCAGTCC AATGCGCAGC AGCGACAGAC ATGCCAGGAA 8040
 TGGTTGGTCA GAAGGGAAGG GAGGAAAGGG AGGAAAGAAC GGAATGCACA AGAGAAGGGG 8100
 GGAAAACAAG ACCAAAACAA AACAGCAACA ACAAAAGCGGC AGGGAAAGAAC TTGACACCC 8160
 TGGGGATACT TTAGTCAACA CACTTAGAAC AGATTGTGCC AGGCCTGTTG GATTCTGGA 8220
 GTTGATGGGA TCGTGGGAAG GCACAAATGGG GAGCAAGTGG GCTTGGGTTA TGGCTCAGTG 8280 40
 GGTAAAGTGC AATTATGGGG ATCTGAGTTT GAATCCCTGG TACCCATATA AAGACACAGA 8340

TGCGGTGATG GGCACTTGTG ACAATGAGAT CATCAATAGG GAATGGAGAC AGGAGGGACC 8400
 TCTGGGGTTC ACTGGCCAGG CAGTCTAGCT GAATCAAAGA GCTCCAAGTT CAGTCGATAG 8460
 CTCCCTGAAGA TGACAACTGA GGCTATTCTC CAAACCCAC ACAGCAGGGAC ACATGCGTAA 8520
 TAAATAAAAT TTTAAAAATA TTAAATAATA GTGTTGAGA GGCACTTAT ATGTTCTAAT 8580
 CATTGTGCT TTTGTTATT TGTCAGGTT TGTTGTTG TTTGTTGGAA GACAGGGGTC 8640
 TCAAGTAGGCC CAGGCTAGCT TTGAACATA TATTTCATAT ATTTGAGGC AGTCTTATGC 8700
 CTTTATCTA GGTTTCTTG GCATCTAAAG CTATAGCTGT GTGTTACTCC AATGGAACAT 8760 10
 CTGGGCAGTT ACCCAGCACC TTCAAATGCA GAGCCCACAC CTGATAGGGT CGGGCTCGCC 8820
 CTGCTCAGGG GTCGCTGCTA GTCCAAGCCA GTCCAAGCGG ACTTCCCGCG TCCTGTCCTT 8880
 GCAACCCCTGG TGGGAGGTGG AAAAGCCCCC AAATACCCAG TCTCACCCCTC CATCGGAGTT 8940
 TCCTTATGC TTATCACGGC CTGTTCCGT GTCTTGATG AGACCAAGGT GTGGGGACAG 9000
 TATATTATA AAAAGCCACC AGCAGTTCC GCTGTAAGGA AAAAAAAATC ACTCTAGA 9058

【 0 1 6 2 】

【配列番号：10】

20

配列の長さ：717

配列の型：核酸

鎖の数：二本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：c DNA

配列

ATGGAGAGTG TGGTACAGCC TTCAGTGTG GTGGTGGATG GACAGACAGA CATCCCATT 60 30
 AGGCAGGCTGG GACAGAACCA CAGGAGACGG CACTGGGGCA CTGTCCAGGT CAGCCTGGCC 120
 CTGCTGCTGC TGCTGGGTGC TGGGCTGGCC ACTGAGGGCT GGTTTCTCCT GAGACTGCAT 180
 CAGCGTCTTG GGGACATAGT AGCTCATCTG CCAGATGGAG GCAAAGGCTC CTGGGAGAAG 240
 CTGATACAAG ATCAACGATC TCACCAGCCC AACCCAGCAG CACATCTCAC AGGAGCTAAC 300
 GCCAGCTTGA TAGGCATTGG TGGACCTCTG TTATGGGAGA CACAACTTGG CCTGGCCTTC 360
 CTGAGGGGCC TGACGTATCA TGATGGGGCC CTGGTGACCA CCGAGGGCTGG CTACTACTAC 420
 GTGTACTCCA AAGTGCAGTT GAGTGGTGTG GGCTGCCCGG AGGGGCTGGC CAATGGCCTC 480 40
 CCCATCACCC ACGGGCTGTA CAAGCGCACA TCCCGATAACC CCAAGGAGTT AGAACTGCTG 540
 GTCAGCCGGC GGTCACCTTG TGGCCGGGCC AACAGCTCCC GAGTCTGGTG GGACAGTAGT 600
 TTCCCTCGGCG GAGTGGTACA TCTGGAGGCC GGAGAAGAGG TGGTGGTCCG CGTGCCTGGA 660
 AACCGCCTGG TCAGACCAAG TGATGGCACG AGGTCTTATT TCGGAGCTTT CATGATC 717

【 0 1 6 3 】

【配列番号：11】

配列の長さ：24

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：合成DNA

配列

AGGTCAACCC AGCAGCGCAT CTCA 24

10

【0164】

【配列番号：12】

配列の長さ：28

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：合成DNA

20

配列

AGGTCAACCC AGCAGCGCAT CTCACAGG 28

【0165】

【配列番号：13】

配列の長さ：30

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

30

トポロジー：直鎖状

配列の種類：合成DNA

配列

CAAATTAAAC CGGGTACCAT CACGCAGTCG 30

【0166】

【配列番号：14】

配列の長さ：25

40

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：合成DNA

配列

TCTGCTCTGG CATGGAGAGT GTGGT 25

50

【 0 1 6 7 】

【配列番号：15】

配列の長さ：24

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：合成DNA

配列

CTATTGCTGG GTTGAGGTG AGTC 24

10

【 0 1 6 8 】

【配列番号：16】

配列の長さ：22

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

20

配列の種類：合成DNA

配列

GTAATACGAC TCACTATAGG GC 22

【 0 1 6 9 】

【配列番号：17】

配列の長さ：19

30

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：合成DNA

配列

ACTATAGGGC ACGCGTGGT 19

【 0 1 7 0 】

【配列番号：18】

40

配列の長さ：48

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：合成DNA

配列

GTAATAACGAC TCACTATAGG GCACGCGTGG TCGACGGCCC GGGCTGGT 48

10

【0171】

【配列番号：19】

配列の長さ：27

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：合成DNA

20

配列

CAGCCCAGCA CCTAGCAGCA GCACCAG 27

【0172】

【配列番号：20】

配列の長さ：27

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

30

トポロジー：直鎖状

配列の種類：合成DNA

配列

GCCGCCCTGAA TGGGATGTCC GTCTGTC 27

【0173】

【配列番号：21】

配列の長さ：32

40

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：合成DNA

配列

ACGAATTCCA AGAGCGAAGG TCTCACGAGG TC 32

50

【 0 1 7 4 】

【配列番号：22】

配列の長さ：35

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：合成DNA

配列

AGTCTAGACT CCTTCCTTCA CACCATGAAA GCCCC 35

10

【 0 1 7 5 】

【配列番号：23】

配列の長さ：24

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

20

配列の種類：合成DNA

配列

CCTGACCCCTG GGCTTCTGAG CCTC

【 0 1 7 6 】

【配列番号：24】

配列の長さ：27

30

配列の型：核酸

鎖の数：一本鎖

トポロジー：直鎖状

配列の種類：合成DNA

配列

TCCACAAAAT CCATTGTCGT CATAGCC

【 0 1 7 7 】

【配列番号：25】

40

Xaa Xaa Ser Ser Arg Val Trp Trp Asp Ser Ser Phe Leu Gly Gly Val			
195	200	205	
Val His Leu Glu Ala Gly Glu Xaa Val Val Val Arg Val Xaa Xaa Xaa			
210	215	220	
Arg Leu Val Arg Xaa Arg Asp Gly Thr Arg Ser Tyr Phe Gly Ala Phe			
225	230	235	240
Met Val			10

【 0 1 7 8 】

【 図面の簡単な説明 】

【 図 1 】実施例 1 で得られたプラスミド p T B 1 9 3 9 に含まれる本発明のヒト由来タンパク質をコードする D N A の塩基配列、およびそれから推定される本発明のヒト由来タンパク質のアミノ酸配列を示す。

【 図 2 】実施例 1 で得られたプラスミド p T B 1 9 4 0 に含まれる本発明のヒト由来タンパク質をコードする D N A の塩基配列、およびそれから推定される本発明のヒト由来タンパク質のアミノ酸配列を示す。

【 図 3 】実施例 2 で得られたプラスミド p T B 1 9 5 8 に含まれる本発明のマウス由来タンパク質をコードする D N A の塩基配列、およびそれから推定される本発明のマウス由来タンパク質のアミノ酸配列を示す。

【 図 4 】実施例 3 で得られたプラスミド p T B 2 0 1 1 に含まれる本発明のマウス由来タンパク質をコードするゲノム D N A の塩基配列、およびそれから推定される本発明のマウス由来タンパク質のアミノ酸配列を示す。

【 図 5 】実施例 4 で Pichia 酵母を宿主とした本発明のヒト F a s リガンド様タンパク質の細胞外領域組換えタンパク質の発現を該タンパク質に対する抗血清を用いたウエスタンプロット解析で調べた結果を示す。レーン 1 ~ 3 はヒト F a s リガンド様タンパク質発現ベクターを導入した株の培養上清を用いた場合の結果を、レーン 4 ~ 6 はベクター p P I C Z A を導入した株の培養上清を用いた場合の結果を示す（レーン 1 、 4 は B M M Y 培地での培養開始直後、レーン 2 、 5 は培養 1 日後、レーン 3 、 6 は培養 2 日後）。バンドは目的の組換えタンパク質の発現を示す。

【 図 6 】実施例 5 で得られたプラスミド p T B 2 0 1 2 に含まれる本発明のラット由来タンパク質をコードする D N A の塩基配列、およびそれから推定される本発明のラット由来タンパク質のアミノ酸配列を示す。

20

20

30

【図1-1】

CCACCGCGTCCGCCACGGCTCCGTGAGGTGAAGGACC 40
 CAGCGTGTCAAGCCCTGCTCCAGACACCTTGGCATGGAG 80
 MetGlu
 GAGAGTGTGCTACGGCCCTCAGTTGTTGTTGGATGGAC 120
 GluSerValValArgProSerValPheValValAspGlyG
 AGACCGACATCCCATTCAACGGAGCTGGGACGAAGCCACCG 160
 1nThrAspIleProPheThrArgLeuGlyArgSerHisAr
 GAGACAGTCGTGCAGTGTGCCCGGTGGCTGGTCTGGTCTC 200
 gArgGlnSerCysSerValAlaArgValGlyLeuGlyLeu
 TTGCTGTTGCTGATCGGGCTGGCTGGCGTCCAAGGCT 240
 LeuLeuLeuLeuMetGlyAlaGlyLeuAlaValGlnGlyT
 GTTCCCTCCTGCAGCTGCACCTGGCTCTAGGAGAGATGGT 280
 rpPheLeuLeuGlnLeuHisTrpArgLeuGlyGluMetVa
 CACCCGCCTGCCGTGACGGACCTGCAAGGCTCCGGAGCAG 320
 1ThrArgLeuProAspGlyProAlaGlySerTrpGluGln
 CTGATACAAGAGGAAGGCTCAGCAGGTCAACCCAGCAG 360
 LeuIleGlnGluArgArgSerHisGluValAsnProAlaA
 CGCATCTCACAGGGCCAACCTCAGCTTGACGGCAGCGG 400
 1aHisLeuThrGlyAlaAsnSerSerLeuThrGlySerG1

【図1-2】

GGGGCCGCTGTTATGGGAGACTCAGCTGGGCTGGCCITTC 440
 yGlyProLeuLeuTrpGluThrGlnLeuGlyLeuAlaPhe
 CTGAGGGGCTCAGCTACCACGATGGGGCCTTGTGGTCA 480
 LeuArgGlyLeuSerTyrHisAspGlyAlaLeuValValT
 CCAAAGCTGGCTACTACTACATCTACTCCAAGGTGCAGCT 520
 hrLysAlaGlyTyrTyrIleTyrSerLysValGlnLe
 GGGCGGTGTTGGCTGCCGCTGGGCTGGCCAGCACCATC 560
 uGlyGlyValGlyCysProLeuGlyLeuAlaSerThrIle
 ACCCACGGCTCTACAAGGCACACCCGCTACCCGAGG 600
 ThrHisGlyLeuTyrLysArgThrProArgTyrProGluG
 AGCTGGAGCTGTTGGTCAGCCAGCAGTCACCCCTGGGACG 640
 luLeuGluLeuLeuValSerGlnGlnSerProCysGlyAr
 GCCCACCCAGCAGCTCCGGCTGGTGGACAGCAGCTTC 680
 gAlaThrSerSerArgValTrpTrpAspSerSerPhe
 CTGGGTGGTGTGGTACACCTGGAGCTGGGAGAAGGTGG 720
 LeuGlyGlyValValHisLeuGluAlaGlyGluLysValV
 TCGTCCCTGGCTGGATGAACGCCCTGGTCAGCTGCTGA 760
 alValArgValLeuAspGluArgLeuValArgLeuArgAs
 TGGTACCCGGCTTACTTCGGGGCTTCATGGTGTGAAGG 800
 pGlyThrArgSerTyrPheGlyAlaPheMetVal

【図1-3】

AAGGAGCGTGGTCATTGGACATGGCTGACACGTGGAG 840
 AACTCAGAGGGTGCCTCAGGGAAACAAACTCAGGAAGC 880
 AGAGGCTGGGATACAGCGTGAGGCCACTGTTCCCGCAG 920
 GAATTTCTTTTATAGTATTGGATAAAAGTTGGTGT 960
 TACAGAGGAGAACGAAATGGCTCTAGCTCTTTCTCTATT 1000
 TGTTATCATCCCTCCCTTTTGTACAATATGTTGTTTAC 1040
 TGAAAGGAAGGTTCTATTGTTGGTGTGGACCTGGACA 1080
 AAGTCCAAGTCTGTGGAACTTAAACCTTGAAGGCTGTC 1120
 ATAGGACTCTGGACAATCTCACACCTTAGCTATTCCCAAG 1160
 GAAACCCCAGGGGCAACTGACATTGCTCCAAGATGTC 1200
 CTGATGTAGCTTGAGATATAAGGAAAGGCCCTGACAGG 1240
 TGGCTGTTCTGCTGTTATGTCAGAGGAACAGTCCTGT 1280
 TCAGAAAGGGCTCTCTGAGCAGAAATGGCTAATAAAACT 1320
 TTGTGCTGATCTGGAAAAAAAAAAAAAAA 1353

【図2-1】

CGAGACTCCATCTAAAAACAAAACAAATAAACGAACAAA 40
 AAAACCCACAACTGATTATTTCTCTGTTACGAGGTTCT 80
 TTGCTCTCTGGCTCCACCCAGAAGAGGAGCAGGGACCTTC 120
 AGCCTGGCATGGCAGAAAGTCCTCAGTCGATATTGGTG 160
 GCCCAAGCGAATGAAGCATCCAAGAAGGGAAAGCTGGGG 200
 GCTCCCCACTGCACTGCCACCTGAGTCACATTTCAGAA 240
 GCCTCTGGAAAGTCGTGACAGCCCAGGAGTGTGAGCAA 280
 TTTCGGTTCTCTGAGGTGAAGGACCCAGGCGTGTCA 320
 CCCTGCTCCAGACACCTGGGCTGAGGAGACTGTCGTA 360
 MetGluGluSerValVal
 CGGCCCTCAGTGTGTTGGTGGATGGACAGACCATCC 440
 ArgProSerValPheValValAspGlyGlnThrAspIleP
 CATTCAAGGGCTGGGACGAAGGCCACGGAGACAGTCGIG 480
 roPheThrArgLeuGlyArgSerHisArgArgGlnSerCy
 CAGTGTGGCCGGGTTGGCTGGGCTCTGCTGTTGCTG 520
 sSerValAlaArgValGlyLeuGlyLeuLeuLeuLeu
 ATGGGGCTGGGCTGCCCTCAAGGCTGGTCTCCCTGC 560
 MetGlyAlaGlyLeuAlaValGlnGlyTrpPheLeuLeuG
 AGCTGCAGTGGCGTCTAGGAGAGATGGTCACCCGCTGCC 600
 1nLeuHisTrpArgLeuGlyGluMetValThrArgLeuPr
 TGACGGACCTGCAGGCTCTGGAGCAGCTGATACAAGAG 640
 oAspGlyProAlaGlySerTrpGluGlnLeuIleGlnGlu

【図2-2】

CGAAGGTCTCACGAGGTCAACCCAGCAGGCCATCTCACAG 680
ArgArgSerHisGluValAsnProAlaAlaHisLeuThrG
GGGCCAACTCCAGCTTGACCGGCAGCGGGGGCCGCTGTT 720
IyAlaAsnSerSerLeuThrGlySerGlyGlyProLeuLe
ATGGGAGACTCAGCTGGGCCTGGCCTCTGAGGGCCCTC 760
uTrpGluThrGlnLeuGlyLeuAlaPheLeuArgGlyLeu
AGCTTACACAGATGGGGCCCTTGTTGTCACCAAAGCTGGCT 800
SerTyrHisAspGlyAlaLeuValValThrLysAlaGlyT
ACTACTACATCTACTCCAAGGTGCAGCTGGCGGTGTTGGG 840
yrTyrTyrIleTyrSerLysValGlnLeuGlyGlyValGl
CTGCCCCGCTGGGCCTGGCCAGCACCACCAACGGCCCTC 880
yCysProLeuGlyLeuAlaSerThrIleThrHisGlyLeu
TACAAGCGCACACCCCGCTACCCCGAGGAGCTGGAGCTGT 920
TyrLysArgThrProArgTyrProGluGluLeuGluLeuL
TGGTCAGCCAGCAGTCACCCCTGCGGACGGGCCACCAGAG 960
euValSerGlnGlnSerProCysGlyArgAlaThrSerSe
CTCCCCGGCTGGTGGGACAGCAGCTTCTGGGTGGTGTG 1000
rSerArgValTrpTrpAspSerSerPheLeuGlyGlyVal
GTACACCTGGAGGCTGGGGAGAAGGTGGTGTCCGTGTGC 1040
ValHisLeuGluAlaGlyGluLysValValValArgValL

【図2-3】

TGGATGAACGCCCTGGTTCGACTTCGCGTGATGGTACCGGGTC 1080
euAspGluArgLeuValArgLeuArgAspGlyThrArgSe
TTACITCGGGCTTTCATGGTGTGAAGGAAGGAGCGTGGT 1120
rTyrPheGlyAlaPheMetVal
GCATTGGACATGGGCTGACACGTGGAGAACTCAGAGGGT 1160
GCCTCAGGGAAAGAAAAACTCACGAAGCAGGGCTGGGCG 1200
TGGTGGCTCTCCCTGTAATCCCACACTTGGGAGGCCA 1240
AGGCAGGGGATCACCTGAGGTGAGGTCAGGAGTTGAGACCAGC 1280
CTGGCTAACATGGCAAACCCCATCTCTACTAAAAATACA 1320
AAAATTAGCCGGACGTGGTGGTGCCTGCTGTAATCCAGC 1360
TACTCAGGAGGTGAGGCAGGATAATTTCCTTAAACCCCG 1400
GGAGCCGGAGGTGCACTGAGCCGAGATCACACCACTGCA 1440
CTCCAACCTGGAAACGCACTGAGACTGTGCTCAAAAAAA 1480
AAAAAAAAAA 1491

【図3-1】

TCTGCTCTGGCATGGAGAGTGTGGTACAGCCTTCAGTGT 40
MetGluSerValValGlnProSerValPh
TGTGGTGGATGGCAGACGAGCAGCATCCCATTCAGGGCTG 80
eValValAspGlyGlnThrAspIleProPheArgArgLeu
GAACAGAACCAACCGGAGACGGCGCTGTGCACTGTCCAGG 120
GluGlnAsnHisArgArgArgCysGlyThrValGlnV
TCAGCCTGGCCCTGGTGTGCTGCTAGGTGCTGGCTGGC 160
alSerLeuAlaLeuValLeuLeuLeuGlyAlaGlyLeuAl
CACTCAGGGCTGGTTCTCTGAGACTGCATCAACGTCTT 200
aThrGlnGlyTrpPheLeuLeuArgLeuHisGlnArgLeu
GGAGACATAGTAGCTCATCTGCCAGATGGAGGCAAAGGCT 240
GlyAspIleValAlaHisLeuProAspGlyGlyLysGlyS
CTGGGAGAAGCTGATACAAGATCAACGATCTCACCAAGGC 280
erTrpGluLysLeuIleGlnAspGlnArgSerHisGlnAl
CAACCCAGCAGCACATCTTACAGGAGCCAACGCCAGCTTG 320
aAsnProAlaAlaHisLeuThrGlyAlaAsnAlaSerLeu
ATAGGTATTGGTGGACCTCTGTTATGGGAGACACGACTTG 360
IleGlyIleGlyGlyProLeuLeuTrpGluThrArgLeuG
GCCTGGCCCTTGAGGGGCTTGACGTATCATGATGGGC 400
IyLeuAlaPheLeuArgGlyLeuThrTyrHisAspGlyAl

【図3-2】

CCTGGTGACCATGGAGCCCGGTTACTACTATGTTACTCC 440
aLeuValThrMetGluProGlyTyrTyrValTyrSer
AAAGTGCAGCTGAGCCGGTGGCTGCCCCCAGGGCTGG 480
LysValGlnLeuSerGlyValGlyCysProGlnGlyLeuA
CCAATGGCTCCCCATCACCCATGGACTATACAAGCGCAC 520
1aAsnGlyLeuProIleThrHisGlyLeuTyrLysArgTh
ATCCCGCTACCCGAAGGAGTTAGAACTGCTGGTCAGTCGG 560
rSerArgTyrProLysGluLeuGluLeuLeuValSerArg
CGGTACCCCTGTGGCCGGCCAACAGCTCCGAGTCTGGT 600
ArgSerProCysGlyArgAlaAsnSerSerArgValTrpT
GGGACAGCAGCTTCTGGCGGGCTGGTACATCTGGAGGC 640
rpAspSerSerPheLeuGlyGlyValValHisLeuGluAl
TGGGGAGAGGTGGTGGTCCGCGTGCTGGAAACCGCTG 680
aGlyGluGluValValValArgValProGlyAsnArgLeu
GTCAGACCACGTGACGGCACCAGGTCTTATTCGGAGCTT 720
ValArgProArgAspGlyThrArgSerTyrPheGlyAlaP
TCATGGCTGAAGGCTGGGTGACAATGTATTTGTGGAG 760
heMetVal
GGACCTCTCCAGGACTCACCTCAAACCCAGCAATA 795

【図4-1】

TCTAGATTGCATTAACAGAGAGAAGACCCCTGAGTATGGGT 40
 GGAGTCATCTCAGGGCTGAGGTCTGGCTGAATGAAAAT 80
 GACAGAGTGAGCAGAGCACCCGTGTTCTGGTTCTGCT 120
 ACCTCACTGTGGATTGACATGACCAACTGCCCTGCTA 160
 CCTCCCCCTCCCCACTTTGACTTCTCCACTGTGATAGAC 200
 ACTTCTCACTATGAGCCAAGATTTCTTCTCCCTCCAGTCT 240
 TAGTTGGGTTCTACTGCTGTCTAAACACCATGACCA 280
 AAAGCAACTTGGAGAGAAGAGGGTTTATTTCAGTACATT 320
 TCCAGGTTATAGTTCATCACTGAATAAAATCAGGAGAGA 360
 ATTCATAATTGTCAGGATCTGGAGGCAGTAGGTGACGCA 400
 GAGGCCATGAGGATGCTGCTGCTAGTTGCTCCCCATGG 440
 CTGCTGCTCAGCCTGCTTCTTATAGAACCCAGGATCA 480
 TCAGCCCAGGGATGGGCCATCCACAGTGGACTGGGCC 520
 TTCCGCATCAACTAATGGAGAAAATGCCCAACGGCT 560
 TAAATGCATCTGATCTTATGGAGGCATTTTTTCAAC 600
 TGAGGCTCCCTCTCTCAGATGATTTGCTGTGTCAG 640
 TTGACATAAAACTATCCAGCACCCGTACCCCTTGTAC 680
 TTGACACACAAACACAACACTAGTAACCCACAACCTTC 720
 TTCTTGTCATCTCCAAGATCAAACATTAATCACGTC 760
 ACAACATAAAACATTGTTGGGCTAGAGAGATGGCTTG 800
 AGGCTAAGAGACTGGCTGCTTCAAGAAAATGAGCAAT 840
 TCCAGCACCACACGGCAGCTCACACTGCTTAAATTC 880
 ATTTTCCAGGGATCCAATCCCTCACACATGCAAGCAA 920
 ACACATAATGTCAGAAAATAGAAATAATTAATTTAAA 960
 CATTITGCAAACTTAAAAAAAGTCCCACCACTT 1000
 ACAAAATTCAAACAGGTAAAATTAGTGTCTTAAACTC 1040
 CAAAGTTAAAGTGTGAAAACCTTTAAATCTAAATATT 1080
 TTAAAAGCTAGCCTCTCAGCTGTGGGATCTATAACATG 1120
 AAAACAAGCTTAATACITCCATTATTCAGAGGGAGAAC 1160

【図4-2】

CACGGCACAGTCACAAACCTGAACAAGCAAAACCAAATAC 1200
 CAGCTGTAAATAATTCGATTTCCAGTGTCTGGGATTCA 1240
 AACATGATCTCTGGCTCTCCAAAGGTCTGAGTGCCT 1280
 TCTCTGGTGTGCTGCCATGCAGCCCTCACATCTGCTTC 1320
 TAGGCTGGGCTGGCTCCACCCAAAGGCTGCTGCTGCTG 1360
 TGCTGCTGCTGGTGTGATCATCCAAAGACACCAGCATCTCA 1400
 AAATACTGTGGTCTCTGCTGCCACGGAGGCTGACTTTC 1440
 ACCAACAGCCTCTCTGGTGTGCCACAGTGCCATGCCCTCA 1480
 GCTTCTCTCCATGGCCCTTATCCCAAACCCAGCAT 1520
 CATCTGAGGATAACCTGTTCACCTTAACAGCACAGCTTC 1560
 TGTTGACTGGTCTCTCAGGAAACACTCCCCAGATTTCAC 1600
 CTCAGTGTGCTGCCAGTCTCTAAATCACGCCAGTTCTG 1640
 CAGAACAAAGCTAACGAGAACTAAGAATCTCATTTCAAATA 1680
 TCAAACATCCCCATGCTCTTGTGTTGTTGTTT 1720
 TAAAATAGAATCCCTTATAGTCTGCTCTTGGAACT 1760
 CACTATGTAGAATAGGCTGGTTTGATCTCACAGGAGATC 1800
 CATCTGCCTCTGCCCTCCAAAGGTGTGACTACCCCTACCC 1840
 AGGAAATCGTGGTGTCTTAAAGAAACTCTCAAACCTTCCC 1880
 TCTGTAATTTCAAGGCAGGCCATCATCTGCCGTAT 1920
 TCTCAGCAATTGTAACCTCAAGCTCCACAGAACAGCCC 1960
 ACTGAGCTCTGCATGGAACAGTTCTCCAGTCCAAAGTIG 2000
 AGAGGCCGTAATCTCTCAATACCATAGTCAGGTCITT 2040
 CCTATTCTCAACCCACACCTGATTCAATTGTTGCTTGG 2080
 CTAGGATTCTATTGCTGTCTAAACAGCATGATCAAAA 2120
 GCAACCTCAGCTTACACTTCAAGGTCACACCCATCCACT 2160
 GAGGGAGGTCAAGCACAGGAACCTGGAGACAGGAGCTGATG 2200
 CAGAGACTATGAAAGAACACTGCTTACTGGTTGTGCTT 2240
 ATGACTTGTCTGCTGCTTCTTATAGAAACTCAGGAATG 2280
 CCAGTGCAGGAAGGCCAGTTACAGTGAGCACGGCCTC 2320

【図4-3】

CCACAAGCCAATCTGTTGGGGTGTCTCCATTGAGT 2360
 TTCTCTTCCAAAATGAATGCTAGCTTGTGCTAAATGACA 2400
 CTGGCCAGCACAGACCATGAGAGATTAGAGAACGCTTCA 2440
 GCGAGATCCATTATGGAGATCACAGATACTCCGGCTGCTG 2480
 AGTAATTGCGACAGTCTCAGGAATGGACCTGAGTTGGCA 2520
 ACAGCAAAGAGATGAAGAACGACAAACACAGACATCCAG 2560
 GAATCCTGGGTCATGTGATCTGGGCTTCTGCACACGAG 2600
 TTCTCTTAGCACGTTATTATAGAGTCGAGTGGAGAAGT 2640
 GGGGTTATTGCTTACCACTGAAAAGGCAACTTATTACAT 2680
 ACAGTTAACAGGAGGCAACACTACACACTGGGCAATGGGA 2720
 TCGGAAGGGCAGCTATGTTCTGCTGAGCAGGGGG 2760
 CTGGAAGGGAGCTATGTTCTGCTGAGCAGGGGG 2800
 AGGATGGTGAACACATTCTACACACTGGGCAATGGCAC 2840
 ATCCATTCGGTGGACAGAACAGGAGCTATGTTCCCT 2880
 GGGTCTGAGCTTCTGGAGTTGACAACCTCATGTCAC 2920
 ACCACACATCCCTCAGCACCTCACAGACCTGGCTTCT 2960
 CTGAAGGGCTCTGCTGAGGCACTGGGCTTCTG 3000
 CTGCAAGGGGACAGGGAGCTCAGCAGTACTTCTCCCTG 3040
 CCTTGGTTAGAGAACCCATGAATCAGCACCGCTGGCAGAG 3080
 CACTGGGTTCTGTTGTCACAGCATGCCAGCCCTGTC 3120
 AAGACAAACACTACAGCATGGGGCCATTGACATTGAGAA 3160
 GGGCGCTGGTGTGATCTTATAACTGAACCCCCAAGTCTC 3200
 ACTATCTGGGAGGGTGTGATGGGGTAAGCTCAAGCT 3240
 GAAGATTGGGACAAGGTGTATCTGAAATCTACCCCA 3280
 GCACCGTCTCCAGTGGACACACATGAAACACATCTGAGG 3320
 TTGATGTGCTGATGTGCTAATAGATGATAGACACTGTAGT 3360
 GTGTTGTTGCTGCTGCTGCTGACACAC 3400
 ATCAGGAAATGCTGTGCTGCTGCTGCTGACACAC 3440
 ACATATCAGAACATCTACACCTGTGTCACACATCCAGCA 3480

【図4-4】

ACCGTGATCTGACAAGCACCTGCACCCATATGCACAGA 3520
 CTAAGGAAACACAGAGGCCCTGCTGCTGAGGCCGTGCA 3560
 AATGCAGGTGCGGTGCAAGATGCTGCTGATGAAACCCACAG 3600
 AAGTTCTTTGAGGAAACAAAAGCCACCAAGTACATCGG 3640
 AGCAGGGGCTGCCCATCCATCCACCTGAGTCACATTTC 3680
 CTGAAAGTGTGAGCTATGGTGGCCCTCAGTGAGAGTGTAC 3720
 GACCGGGGCTGGCTCTGGGGCACAGGAAGAGAGGA 3760
 GGTACGTGAGGAAGGGGAGGCCAGACCTCAGCTTAA 3800
 AGTGAATCTAGGGTGTACAGGAACCTTTGCTGAGTTGCA 3840
 CAGCCGAGCGTGTGGCAATTGTTGCTCCCTCCGGAGA 3880
 GGAGGAACTCAGGCTGCAACCTTCTCCCTGGCTTCTG 3920
 GACCTCAGCTGCTGCTGAGAGTGTGCTGACAGCCT 3960
 MetGluSerValValAlaGlnPro
 TCAGTGTGTTGCTGGATGGACAGACGGACATCCATTCA 4000
 SerValPheValValAspGlyGlnThrAspIleProPheA
 GCGGGCTGGAACAGAACCCGGAGACGGCGCTGTCAC 4040
 rgArgLeuGluGlnAsnHisArgArgArgArgCysGlyIth
 TGTCCAGGTCAAGCTGGCCCTGGTGTGCTGCTAGGTGCT 4080
 rValGlnValSerLeuAlaLeuValLeuLeuLeuGlyAla
 GGCTGGCCACTCAGGGCTGGTCTCCTGAGACTGCATC 4120
 GlyLeuAlaThrGlnGlyTrpPheLeuLeuArgLeuHisG
 AACGTCTGGAGACATAGTAGCTCATCTGCCAGTAAGTGG 4160
 lnArgLeuGlyAspIleValAlaHisLeuPro

【図4-5】

GGCTTGGGAACCAGCGAGTCTCTCCAGTACCTGTCCCT 4200
 TTATGGTTGTGATTGTTGCTAGAACCCAGGGCTTCGGT 4240
 TAGCCTGTCCTCTGACCCCTCAGTCCTCTCATCTTACAT 4280
 GAGGATCTGATACACGTGCGAGTGCCTGGCAGTTCTTGG 4320
 GATTCACCTACTCGGTTGTTGCTAGAACCCAACTTGT 4360
 TCCACCACTGGCTCATGTCACCCCTGCTCACTCCGAGC 4400
 TCTCTCATGTGCTGCTACTGTTCCCTTCAGACAAGC 4440
 CATGGGTGTCACAGTATGCTCCGAGTTGCTATA 4480
 TTTCTTTTAAGTTTTTTAATACATTTACTTAT 4520
 TTAGTGTGAGACATGAAAAGTATGCATGTGCCGAGCA 4560
 TGATGTGAAACACCTCATGGAATCACTCTCTGTGCT 4600
 TCTTTGAGGGTCTAGGGACTGAACCTCAGGTAGCCA 4640
 GGCTTGGCAGCAAGCAGCTTACCGCTGAGCCCTCAC 4680
 CGGCCCTCAACTATCCAAAACCTCGAAAACAGTTCGAA 4720
 ACAATTCTAGTCAGCATTTCAGACACTCGACTTGTACT 4760
 AGTTAAITCCCTCATCCAGCAGTTGGCAGGGGAGGAGA 4800
 AGACTGAGGGAGTCAAGGTCACTTAGGCTATTAGCAA 4840
 GTCTGAGGCCAGACTGGCTACATGAGACGCTATCTTGA 4880
 AATACAAACAGATCTAATTGGTGTGCCCCCTCCCCCTGC 4920
 ATCTGTTGTTGATGTGATATGTCAGTGTGCTCTG 4960
 CATACATGTCATGGGGTGTCTGAGGCTATGGCAGAC 5000
 AGTCTCATCACACATACCAAGTGAAGCTCGGAGCGCATG 5040
 TCCTTACCAACATCCCTGTCAGATGGAGGC 5080
 AspGlyGly

AAAGGCTCCTGGAGAAGCTGATACAAGGTGAGTTGGC 5120
 LysGlySerTrpGluLysLeuIleGlnA

CCAGTCCCTTGAAGCAGGTGGAATGGTTCCGTCAGC 5160

【図4-6】

ACCTCCCCACACCAACTCTGGGTACACCCAGTGTACACA 5200
 TTGTAGGCCCTCGCAGGGCCCTCCCCCAGGGCAGAGAA 5240
 GCAGAAATCTGGGTCAAAGGGACAGAGCTGACACAGG 5280
 TAGCCTCAATTGATGTGAGAAACTTCGGGTACACACAC 5320
 ACTGAGACATGCGACACACACACACACACAC 5360
 ACACACACACAATCCCTTTTGTCTCAACCTTGACTC 5400
 TCTTCCCTCAGATCAACGATCTCAGGCAACCCAGCAG 5440
 spGlnArgSerHisGlnAlaAsnProAlaA

CACATCTTACAGGTGAGAGGGACCCAGATCTCACACGG 5480
 laHisLeuThrG

AATGGGGTTAGCATGTCCTGGAGACTCAGATCTTATA 5520
 AGTTAGCACTCGTTATGCATTCTATTAGTGTGCTTT 5560
 AAATTTTTTTGACATTACTCTTTTATTCAATTAAITA 5600
 TTGACATGTGCACTGCATAGTGTAGAGGTGAGAAAATC 5640
 TCAGGGGAAACGATTCTTCCTCCACCTTTGGCTCCGT 5680
 GTACATGTCAGGCTACAGCTGCTAACTACCTTT 5720
 ACTCTCTGCCCCATCTGGCTCACTTTTTCTCA 5760
 GTGTTACTAAAACAGCCAGAGAAGAGCCACAGGGAG 5800
 CCATGTAAGTCAACTCTCACCCCTGCTAGTCATGGGAC 5840
 ACATCCAAGGTCTTGGAGGCCAGAAGATGTGGGAC 5880
 TCAGACCTACCAACAGTTATATTGTTGTTGGTT 5920
 GGTGGTTGGTTGGTTGGTTGGTTGATTGGTTGGTT 5960
 GGTGGTTGGTTGGAGACAGGGCTCTCTGTTAGCTTGG 6000
 GCTGCTGGGTAGACCTGCTCTGCTGAGTACTGGAAT 6040
 TAACAGGAATTAACGACGTGGGCACTACACCCAGCTGTA 6080
 TATACTGGTTTTCTTTGGCATAGACAGTTAAATTATA 6120
 ATTAAACAAGTAAGAAACTAACAGAACATAAAAGTA 6160

【図4-7】

TGCTGTAATTTAAACTATTTGAAACATGATGTGGGAG 6200
 ATAGGGAGGTGGCTCCATGTCAAATTGCTAGCCACTTT 6240
 GACTCAACATGAGCAAAGCCAAACACACACTCCCGT 6280
 GACAGTTACAGAGGCAGATTGACAGACACACACTCCGT 6320
 TGACAGTCACTGGAGACAGAGACAGGGAGGAGGTCCCTAG 6360
 GACCTGCTGTCAGCAGCCCTGACAAACAGGGGACTTCCA 6400
 GGGTCAATAAGAGACTCTGGCTCAAACACTGGAGCAG 6440
 AGGTTGAAACTGAGGAAGTGTGCTGGTTGACTCTGG 6480
 CACACACACACACACACACATATATAACACATAC 6520
 ATCACACACATATAACACACATACAGTCACACACACTT 6560
 TTGAGATAGAGTCTCATGTCAGCTAACGGGCTTGAAC 6600
 CTGATCTCCAGACTCGACGTCCTAACAGATCTGGATGICA 6640
 CCACTACACCTGATTTATTTGGTACTGGGCTGGAATGTA 6680
 CAGCCTTCGGCATGCTGGGAGTGTGTCACCTCTAAAT 6720
 CCTAACCCATTAAAAAAATTTTTGACATTCACTA 6760
 GGAAGCTCAATACCTTGTGCTCAGTTCTCTTGGTA 6800
 TTCAAGTGACTTGTCTCTGCTTCACTGTTGACTGTCTACCT 6840
 TGCAGAAGGAGATGGGAATGAAACGGAGTTAAGACACAA 6880
 ACCAAATTAACCTTGCTTCTGTTGACTCTCAGTTCT 6920
 CCCCTGCAAGATAGGAATGGGCTGACTCAACCCAGACAA 6960
 GCAGCCTACTATGGTGGTGAACCCAGAGGGACTAGCATA 7000
 AGGTCAACAGAAAGGGGGACAATGCTAACCGTGTG 7040
 ACGGGTTATCTCTCTCCTTCCCTCCAGGAGCCAC 7080
 lyAlaAsn

GCCAGCTTGTAGGTATTGGTGGACCTCTGTTATGGGAGA 7120
 AlaSerLeuIleGlyIleGlyGlyProLeuLeuTrpGluT

【図4-8】

CACGACTTGGCCTGGCTTCTGAGGGCTTGACGTATCA 7160
 hrArgLeuGlyLeuAlaPheLeuArgGlyLeuThrTyrHi

TGATGGGCCCTGGTGAACCATGGAGCCCGTTACTACTAT 7200
 sAspGlyAlaLeuValThrMetGluProGlyTyrTyrTyr

GTGTAACCTAAAGTGCAGCTGAGCGCGTGGCTGCCCT 7240
 ValTyrSerLysValGlnLeuSerGlyValGlyCysProG

AGGGCTGGCCAATGGCTCCCCATCACCCATGGACTATA 7280
 InGlyLeuAlaAsnGlyLeuProIleThrHisGlyLeuTy

CAAGCGCACATCCCGTACCCGAAGGAGTTAGAACCTG 7320
 rLysArgThrSerArgTyrProLysGluLeuGluLeu

GTCAGTCGGCGTCACCCGTGGCCGGGCAACAGCTCCC 7360
 ValSerArgArgSerProCysGlyArgAlaAsnSerA

GAGTCTGGTGGACAGCAGCTTCTGGGGCGTGGTACA 7400
 rgValTrpTrpAspSerSerPheLeuGlyValValHi

TCTGGAGGCTGGGAAGAGGTGGTGGTCCGGTGGCTGGA 7440
 sLeuGluAlaGlyGluGluValValValArgValProGly

AACCGCCCTGGTCAGACCCAGCTGACGGCACCAGTCCTATT 7480
 AsnArgLeuValArgProArgAspGlyThrArgSerTyrP

TCGGAGCTTGTGCTGAAGGCTGGCTGACAATGTAT 7520
 heGlyAlaPheMetVal

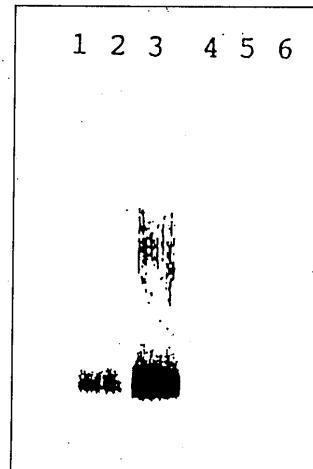
【図4-9】

TTTGTGGAGGGACCTCTCCAGGACTCACCTCAAACCCAGC 7560
 AATAGGGTTTGAAAGTCCTCCCTTAAGGAGCCCTGAACCTC 7600
 TGCAGTGGCTCGGGCGGTGTCAGTGTGACCTGCTGGCTTTGG 7640
 GCAATCTCAAATCAGAGACTGGAGACTTGGCGTGG 7680
 GCCCAGGAGCAGGGGTCAGTGTGATATTTCAG 7720
 GAAGAAAGAATCAAGCTGGGTATTATGCTTCTGATGCA 7760
 AACACTGAGATTTGGCTTCTGGTTTGGAGCTGGAGGC 7800
 AAGAAACCTTCCCAGACTGTCACTCAGGACCATGTGGCAG 7840
 GACTTGGGCTCCAGACTGCCACACACTGGCCTCTC 7880
 CCATCCATCCGCTGCACTGGCTCAGGTAACGAGCTTCIG 7920
 ACTGGCCCCCTGGCTGCAACTGGCCAGGTACGAGCTTCIG 7960
 AGCACCTACATCCTCAGGGACATCTTGATGAGATCTCAG 8000
 TACTCAGTCCAATGCGCAGCAGCAGACATGCCAGGAA 8040
 TGGTTGGTCAGAAGGGAGGGAGGAAGGGAGGAAGAAC 8080
 GGAATGCACAAGAGAAGGGGGAAACAAAGACAAACAA 8120
 AACAGCAACAAACAAACCGGCAAGGAAGAAGTGCACCC 8160
 TGGGGATACTTGTGCAACACACTTGAAGACAGATTGTGCC 8200
 AGCCGCTGTTGGATTCTGGAGTTGATGGGATCTGGAG 8240
 GCACAATGGGGAGCAAGTGGCTTGGGTTATGGCTCAGTG 8280
 GTAAAGTGCATTATGGGATCTGAGTTGAAATCCCTGG 8320
 TACCCATATAAAGACACAGATGCGTGTGGCACTTGTG 8360
 ACAATGAGATCATCAATAGGGAATGGAGACAGGAGGACC 8400
 TCTGGGTTCACTGCCAGGGCAGCTAGCTGAATCAAAGA 8440
 GCTCCAAGTTCACTGCATAGCTCTGAAGATGACAACCTGA 8480
 GGCTATTCTCAAACCCCACACGCGGGACACATGCGTAA 8520
 TAAATAAAATTTAAAAATATTAATAATAGTGTGAGA 8560
 GCCACTTATATGTTCTAATCATTGTGCTTTGTTTAT 8600
 TGTTCAGTTTGTGTTGTTGTTGGAAGACAGGGGTC 8640
 TCAAGTAGCCCAGGCTAGCTTGAACATATAATTCATAT 8680

【図4-10】

ATTTTGAGGCAGTCTATGCCCTTATCTAGGTTTCTTG 8720
 GCATCTAAAGCTATAGCTGTGTTACTCCAATGGAACAT 8760
 CTGGGAGCTTACCCAGCACCTCAAATGCAGAGCCCACAC 8800
 CTGATAGGGTCGGGCTGCCCTGCTCAGGGGTCGCTGCTA 8840
 GTCCAAGCCAGTCCAAGCGGACTTCCCGCGTCCGTCCCTT 8880
 GCAACCTGGTGGGAGGTGGAAAAGCCCCAAATACCCAG 8920
 TCTCACCCCTCATCGGAGTTCCCTTATGCTTATCACGGC 8960
 CTGTTTCCGTTGCTTGTGACGACAGTTCCGCTGTAAGGA 9000
 TATAATTATAAAAAGCCACCAAGCTTCCGCTGTAAGGA 9040
 AAAAAAAATCACTCTAGA 9058

【図5】



【図6-1】

CCTGACCCCTGGCTTCTGAGCCTCAGCTGCTCTGGCATGG 40
 MetG
 AGAGTGTGGTACAGCCTTCAGTGTGTTGGGATGGACA 80
 luSerValValGlnProSerValPheValValAspGlyG1
 GACAGACATCCCATTAGGGGGCTGGGACAGAACCCACAGG 120
 nThrAspIleProPheArgArgLeuGlyGlnAsnHisArg
 AGACGGCACTGCGGACTGTCCAGGTAGCCTGGCCCTG 160
 ArgArgHisCysGlyThrValGlnValSerLeuAlaLeuL
 TGCTGCTGGTGGCTGGGACTGAGGGCTGGT 200
 euLeuLeuLeuGlyAlaGlyLeuAlaThrGluGlyTrpPh
 TCTCTGAGACTGCATCAGCGTCTGGGACATAGTAGCT 240
 eLeuLeuArgLeuHisGlnArgLeuGlyAspIleValAla
 CATCTGCCAGATGGAGGCAAAGGCTCTGGGAGAAGCTGA 280
 HisLeuProAspGlyGlyLysGlySerTrpGluLysLeuI
 TACAAGATCAACGATCTCACCAGCCAAACCCAGCAGCACA 320
 leGlnAspGlnArgSerHisGlnProAsnProAlaAlaHi
 TCTCACAGGAGCTAACGCCAGCTTGTAGGCATTGGTGG 360
 sLeuThrGlyAlaAsnAlaSerLeuIleGlyIleGlyGly
 CCTCTGTTATGGGAGACACAACCTGGCTGGCTTCTGA 400
 ProLeuLeuTrpGluThrGlnLeuGlyLeuAlaPheLeuA

【図6-2】

GGGGCCTGACGTATCATGATGGGCCCTGGTACCCACGA 440
 rgGlyLeuThrTyrHisAspGlyAlaLeuValThrThrG1
 GGCTGGCTACTACTACGTGTAUTCCAAAGTGCAGTTGAGT 480
 uAlaGlyTyrTyrValTyrSerLysValGlnLeuSer
 GGTGTGGCTGCCCTGGGCTGCCATGGCTCCCCA 520
 GlyValGlyCysProGlnGlyLeuAlaAsnGlyLeuProI
 TCACCCACGGCTGTACAAGCGCACATCCGATACCCAA 560
 leThrHisGlyLeuTyrLysArgThrSerArgTyrProLy
 GGAGTTAGAACTGCTGGTCAGCCGGGTACCTTGTC 600
 sGluLeuGluLeuValSerArgArgSerProCysGly
 CGGGCCAACAGCTCCCGAGTCGGTGGGACAGTAGTTTCC 640
 ArgAlaAsnSerSerArgValTrpTrpAspSerSerPheL
 TCGGCGGAGTGGTACATCTGGAGGCCGGAGAAGAGGTGGT 680
 euGlyGlyValValHisLeuGluAlaGlyGluGluValVa
 GGTCCCGGTGCTGGAAACCGCTGGTCAGACCACGTGAT 720
 lValArgValProGlyAsnArgLeuValArgProArgAsp
 GGCACGAGGTCTTTCGGACCTTCACTGATCTGAAGGC 760
 GlyThrArgSerTyrPheGlyAlaPheMetIle
 TATGACGACAATGGATTGTTGTTGGA 784

フロントページの続き

(51)Int.Cl. F I
C 1 2 P 21/02 (2006.01) C 1 2 P 21/02 C
G 0 1 N 33/50 (2006.01) G 0 1 N 33/50 P

(72)発明者 新谷 靖
茨城県つくば市春日1丁目7番地9 武田春日ハイツ703号

審査官 三原 健治

(58)調査した分野(Int.Cl., DB名)

C12N 15/00-15/90
C07K 14/47-14/825
GenBank/EMBL/DDBJ/GeneSeq
UniProt/GeneSeq
PubMed
MEDLINE/CA/BIOSIS/
WPIDS(STN)
JSTPlus(JDream2)