

fy metrix HG-U95Av2 プローブセット 41081_at、Affy metrix HG-U95Av2 プローブセット 40041_at、Affy metrix HG-U95Av2 プローブセット 39866_at、Affy metrix HG-U95Av2 プローブセット 37910_at、Affy metrix HG-U95Av2 プローブセット 33484_at、Affy metrix HG-U95Av2 プローブセット 36967_g_at、Affy metrix HG-U95Av2 プローブセット 1143_s_at、Affy metrix HG-U95Av2 プローブセット 37203_at、Affy metrix HG-U133A プローブセット 210560_at、Affy metrix HG-U133A プローブセット 212022_s_at、Affy metrix HG-U133A プローブセット 214710_s_at、Affy metrix HG-U133A プローブセット 216277_at、Affy metrix HG-U133A プローブセット 204162_at、Affy metrix HG-U133A プローブセット 216964_at、Affy metrix HG-U133A プローブセット 202473_x_at、Affy metrix HG-U133A プローブセット 205215_at、Affy metrix HG-U133A プローブセット 209442_x_at、Affy metrix HG-U133A プローブセット 208228_s_at、Affy metrix MG-U74A プローブセット 94200_at、Affy metrix MG-U74A プローブセット 99457_at、Affy metrix MG-U74A プローブセット 160159_at、Affy metrix MG-U74A プローブセット 104097_at、Affy metrix MG-U74A プローブセット 93441_at、Affy metrix MG-U74A プローブセット 97960_at、Affy metrix MG-U74A プローブセット 93164_at、Affy metrix MG-U74A プローブセット 98477_s_at、Affy metrix MG-U74A プローブセット 93090_at および Affy metrix MG-U74A プローブセット 101538_i_at からなる群から選択される少なくとも 3 つのプローブセットからなる、請求項 5 に記載のキット。

【請求項 7】

前記少なくとも 3 つの遺伝子が、CCNB1、BUB1、KNTC2 またはそれらのマウスホモログである、請求項 1 に記載のキット。

【請求項 8】

前記キットが、MKI67、ANK3、FGFR2 および CES1 またはそれらのマウスホモログの発現を判定するためのキットであり、そして前記プローブセットが、MKI67、ANK3、FGFR2 および CES1 またはそれらのマウスホモログの発現を特異的に検出する、請求項 1 に記載のキット。

【請求項 9】

前記キットが、GBX2、MKI67、CCNB1、BUB1、KNTC2、USP22、HCFC1、RNF2、ANK3、FGFR2 および CES1 またはそれらのマウスホモログの発現を判定するためのキットであり、そして前記プローブセットが、GBX2、MKI67、CCNB1、BUB1、KNTC2、USP22、HCFC1、RNF2、ANK3、FGFR2 および CES1 またはそれらのマウスホモログの発現を特異的に検出する、請求項 1 に記載のキット。

【請求項 10】

被験体における疾患状態についての臨床結果の予測を補助するための方法であって、
被験体から得られたサンプルから、GBX2、MKI67、CCNB1、BUB1、KNTC2、USP22、HCFC1、RNF2、ANK3、FGFR2 および CES1 またはそれらのマウスホモログからなる群から選択される少なくとも 3 つの遺伝子についての遺伝子発現測定値のセットを測定する工程；および

該遺伝子発現測定値のセットと、該遺伝子のセットについての幹細胞および腫瘍細胞からの発現値を比較することによって得られた遺伝子発現測定値の対照基準セットとの間の相関係数を決定する工程であって、ここで、該相関係数のサインは、該疾患状態についての該臨床結果を予測する工程

を含む、方法。

【請求項 1 1】

前記幹細胞が、末梢神経系ニューロスフェアである、請求項 1 0 に記載の方法。

【請求項 1 2】

前記腫瘍細胞が、転移性の前立腺腫瘍細胞である、請求項 1 0 に記載の方法。

【請求項 1 3】

前記疾患状態が、癌である、請求項 1 0 に記載の方法。

【請求項 1 4】

前記癌が、前立腺癌、乳癌、肺癌、卵巣癌、膀胱癌、リンパ腫、マントル細胞リンパ腫、中皮腫、髄芽腫、神経膠腫および急性骨髓性白血病からなる群から選択される、請求項 1 3 に記載の方法。

【請求項 1 5】

前記少なくとも 3 つの遺伝子が、CCNB1、BUB1、KNTC2 またはそれらのマウスホモログである、請求項 1 3 に記載の方法。

【請求項 1 6】

前記遺伝子発現測定値のセットが、MKI67、ANK3、FGFR2 および CES1 またはそれらのマウスホモログの発現測定値である、請求項 1 3 に記載の方法。

【請求項 1 7】

前記遺伝子発現測定値のセットが、GBX2、MKI67、CCNB1、BUB1、KNTC2、USP22、HCFC1、RNF2、ANK3、FGFR2 および CES1 またはそれらのマウスホモログの発現測定値である、請求項 1 3 に記載の方法。

【請求項 1 8】

前記臨床結果が、再発、治療失敗、転移の可能性、遠隔転移の可能性、無病生存率、侵襲性および所定期間ににおける生存の可能性からなる群から選択される、請求項 1 3 に記載の方法。

【請求項 1 9】

前記癌が、前立腺癌である、請求項 1 4 に記載の方法。

【請求項 2 0】

前立腺全摘除術前グリーソンスコア、切除断端評価、精囊浸潤、年齢および被膜外進展からなる群から選択される、臨床病理学的特徴を解析する工程をさらに含む、請求項 1 9 に記載の方法。

【請求項 2 1】

GBX2、MKI67、CCNB1、BUB1、KNTC2、USP22、HCFC1、RNF2、ANK3、FGFR2 および CES1 ならびにそれらのマウスホモログからなる群から選択される少なくとも 3 つの遺伝子の発現を判定するためのキットであって、該少なくとも 3 つの遺伝子の発現を特異的に検出し、かつ他の遺伝子の発現を特異的に検出しないプローブセットを備え、該プローブセットは、核酸または抗体を含む、プローブのコレクション。

【請求項 2 2】

前記プローブセットが、前記少なくとも 3 つの遺伝子から転写された RNA 種または該 RNA 種に由来する cDNA 種に通常のストリンジエントな条件下でハイブリダイズすることができる核酸である、請求項 2 1 に記載のプローブのコレクション。

【請求項 2 3】

前記プローブセットが、PCR プライマーである、請求項 2 2 に記載のプローブのコレクション。

【請求項 2 4】

前記 P C R プライマーが、配列番号 3、配列番号 4、配列番号 5、配列番号 6、配列番号 7、配列番号 8、配列番号 9、配列番号 10、配列番号 11、配列番号 12、配列番号 13、配列番号 14、配列番号 15、配列番号 16、配列番号 17、配列番号 18、配列番号 19、配列番号 20、配列番号 213、配列番号 22、配列番号 23、配列番号 24、配列番号 25、配列番号 26、配列番号 27 および配列番号 28 からなる群から選択される少なくとも 3 対のプライマーである、請求項 23 に記載のプローブのコレクション。

【請求項 25】

前記キットが、固相を備える、請求項 22 に記載のプローブのコレクション。

【請求項 26】

前記プローブセットが、Affymetrix HG-U95Av2 プローブセット 3688_at、Affymetrix HG-U95Av2 プローブセット 418_at、Affymetrix HG-U95Av2 プローブセット 34736_at、Affymetrix HG-U95Av2 プローブセット 41081_at、Affymetrix HG-U95Av2 プローブセット 40041_at、Affymetrix HG-U95Av2 プローブセット 39866_at、Affymetrix HG-U95Av2 プローブセット 37910_at、Affymetrix HG-U95Av2 プローブセット 33484_at、Affymetrix HG-U95Av2 プローブセット 36967_g_at、Affymetrix HG-U95Av2 プローブセット 1143_s_at、Affymetrix HG-U95Av2 プローブセット 37203_at、Affymetrix HG-U133A プローブセット 210560_at、Affymetrix HG-U133A プローブセット 212022_s_at、Affymetrix HG-U133A プローブセット 214710_s_at、Affymetrix HG-U133A プローブセット 216277_at、Affymetrix HG-U133A プローブセット 204162_at、Affymetrix HG-U133A プローブセット 216964_at、Affymetrix HG-U133A プローブセット 202473_x_at、Affymetrix HG-U133A プローブセット 205215_at、Affymetrix HG-U133A プローブセット 209442_x_at、Affymetrix HG-U133A プローブセット 208228_s_at、Affymetrix HG-U133A プローブセット 209616_s_at、Affymetrix MG-U74A プローブセット 94200_at、Affymetrix MG-U74A プローブセット 99457_at、Affymetrix MG-U74A プローブセット 160159_at、Affymetrix MG-U74A プローブセット 104097_at、Affymetrix MG-U74A プローブセット 93441_at、Affymetrix MG-U74A プローブセット 97960_at、Affymetrix MG-U74A プローブセット 100901_at、Affymetrix MG-U74A プローブセット 93164_at、Affymetrix MG-U74A プローブセット 98477_s_at、Affymetrix MG-U74A プローブセット 93090_a_t および Affymetrix MG-U74A プローブセット 101538_i_at からなる群から選択される少なくとも 3 つのプローブセットからなる、請求項 25 に記載のプローブのコレクション。

【請求項 27】

前記少なくとも 3 つの遺伝子が、CCNB1、BUB1、KNTC2 またはそれらのマウスホモログである、請求項 21 に記載のプローブのコレクション。

【請求項 28】

前記キットが、MKI67、ANK3、FGFR2 および CES1 またはそれらのマウスホモログの発現を判定するためのキットであり、そして前記プローブセットが、MKI67、ANK3、FGFR2 および CES1 またはそれらのマウスホモログの発現を特異的に検出する、請求項 21 に記載のプローブのコレクション。

【請求項 29】

前記キットが、 G B X 2、 M K I 6 7、 C C N B 1、 B U B 1、 K N T C 2、 U S P 2 2、 H C F C 1、 R N F 2、 A N K 3、 F G F R 2 および C E S 1 またはそれらのマウス ホモログの発現を判定するためのキットであり、そして前記プローブセットが、 G B X 2、 M K I 6 7、 C C N B 1、 B U B 1、 K N T C 2、 U S P 2 2、 H C F C 1、 R N F 2、 A N K 3、 F G F R 2 および C E S 1 またはそれらのマウスホモログの発現を特異的に検出する、請求項 2 1 に記載のプローブのコレクション。

【手続補正 2】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】0 0 7 5

【補正方法】変更

【補正の内容】

【0 0 7 5】

【表2】

表2.11の遺伝子MTTS/PNS署名

遺伝子	UniGene (Homo sapiens) <u>(配列番号)¹</u>	Affymetrix HG-U95Av2プローブセット <u>(配列番号)</u>	Affymetrix HG-U133Aプローブセット <u>(配列番号)</u>	Affymetrix MG-U74Aプローブセット <u>(配列番号)</u>	GenBank	Unigene (Mus Musculus) <u>(配列番号)</u>
GBX2	Hs.184945 <u>(配列番号33-34)</u>	33688_at <u>(配列番号77-93)</u>	210560_at <u>(配列番号253-263)</u>	94200_at <u>(配列番号374-389)</u>	Z48800	Mm.204730 <u>(配列番号35-36)</u>
MKI67	Hs.80976 <u>(配列番号37-38)</u>	418_at <u>(配列番号93-108)</u>	212022_s_at <u>(配列番号264-274)</u>	99457_at <u>(配列番号390-405)</u>	X82786	Mm.4078 <u>(配列番号39-40)</u>
CCNB1	Hs.23960 <u>(配列番号41-42)</u>	34736_at <u>(配列番号109-124)</u>	214710_s_at <u>(配列番号275-285)</u>	160159_at <u>(配列番号406-421)</u>	X64713	Mm.379450 <u>(配列番号43-44)</u>
BUB1	Hs.469649 <u>(配列番号45-46)</u>	41081_at <u>(配列番号125-140)</u>	216277_at <u>(配列番号286-296)</u>	104097_at <u>(配列番号422-437)</u>	AF002823	Mm.2185 <u>(配列番号47-48)</u>
KNTC2	Hs.414407 <u>(配列番号49-50)</u>	40041_at <u>(配列番号141-156)</u>	204162_at <u>(配列番号297-307)</u>	93441_at <u>(配列番号438-453)</u>	AI595322	Mm.225956 <u>(配列番号51-52)</u>
USP22	Hs.462492 <u>(配列番号53-54)</u>	39866_at <u>(配列番号157-172)</u>	216964_at <u>(配列番号308-318)</u>	97960_at <u>(配列番号454-469)</u>	AW125800	Mm.30602 <u>(配列番号55-56)</u>
HCFC1	Hs.83634 <u>(配列番号57-58)</u>	37910_at <u>(配列番号173-188)</u>	202473_x_at <u>(配列番号319-329)</u>	100901_at <u>(配列番号470-485)</u>	U80821	Mm.248353 <u>(配列番号59-60)</u>
RNF2	Hs.124186 <u>(配列番号61-62)</u>	33484_at <u>(配列番号189-204)</u>	205215_at <u>(配列番号330-340)</u>	93164_at <u>(配列番号486-501)</u>	Y12783	Mm.31512 <u>(配列番号63-64)</u>
ANK3	Hs.499725 <u>(配列番号65-66)</u>	36967_g_at <u>(配列番号205-220)</u>	209442_x_at <u>(配列番号341-351)</u>	98477_s_at <u>(配列番号502-517)</u>	L40632	Mm.235960 <u>(配列番号67-68)</u>
FGFR2	Hs.533683 <u>(SEQ. ID NOD: 69-70)</u>	1143_s_at <u>(配列番号221-236)</u>	208228_s_at <u>(配列番号352-362)</u>	93090_at <u>(配列番号518-533)</u>	M23362	Mm.16340 <u>(配列番号71-72)</u>
CES1	Hs.558865 <u>(配列番号73-74)</u>	37203_at <u>(配列番号237-252)</u>	209616_s_at <u>(配列番号363-373)</u>	101538_i_at <u>(配列番号534-546)</u>	AW226939	Mm.22720 <u>(配列番号75-76)</u>

【手続補正3】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】0076

【補正方法】変更

【補正の内容】

【0076】

¹ Homo Sapiens 各遺伝子のヌクレオチドおよびアミノ酸配列の配列番号が、 “Unigene (Homo Sapiens)” 欄に示される。Mus Musculus 各遺伝子のヌクレオチドおよびアミノ酸配列の配列番号が、 “Unigen

e (Mus Musculus) ”欄に示される。HG-U95Av2について各々列挙されたプローブセットにおけるプローブの各々の配列番号が、“Affymetrix HG-U95Av2 プローブセット”欄に示される。HG-U133Aについて各々列挙されたプローブセットにおけるプローブの各々の配列番号が、“Affymetrix HG-U133A プローブセット”欄に示される。MG-U74Aについて各々列挙されたプローブの各々が、“Affymetrix MG-U74A プローブセット”欄に示される。

診断的および予後的な分類成績に基づいて、単一の最も成績の良い111-遺伝子MTTS/PNS署名を、さらなる検証解析のために選択した。上記の表2に提供される情報に基づいて、これらの遺伝子についてのさらなる情報が、数多くの供給源、例えば、<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/>におけるNational Center for Biotechnologyから（例えば、検索するデータベースの検索のために検索ウインドウのドロップダウンメニューから「Gene」を選択することおよび遺伝子名（例えば、GBX2）についての検索を実施することによって）入手可能であることを当業者は理解するだろう。表2に示される遺伝子についての代表的なcDNA配列およびタンパク質配列を、本明細書に添付の配列表に含めた。いくつかの実施形態において、本発明の方法およびキットにおいて使用される配列は、配列表に含まれる例示された配列に対して少なくとも90%、少なくとも91%、少なくとも92%、少なくとも93%、少なくとも94%、少なくとも95%、少なくとも96%、少なくとも97%、少なくとも98%または少なくとも99%の同一性を有する配列を含む。

【手続補正4】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】0116

【補正方法】変更

【補正の内容】

【0116】

【表9-1】

表9a. 再発性前立腺癌に関連する23の遺伝子 「幹性」 遺伝子発現署名（遺伝子セットA）

署名1	23の遺伝子			
遺伝子	遺伝子名	GenBank ID	UniGene ID	配列番号 ²
ENG	エンドグリン	X72012	Hs.76753	配列番号547- 548
NRGN	ニューログラニン	X99076	Hs.232004	配列番号549- 550
CLECSF2	C型レクチン(活性化誘導型)	X96719	Hs.85201	配列番号551- 552
EPB41L2	赤血球膜タンパク質バンド4.1様2	AF027299	Hs.440387	配列番号553- 554
GART	ホスホリボシルグリシンアミド合成酵素	X54199	Hs.82285	配列番号555- 556
MXD4	MAX二量体化タンパク質4	AF040963	Hs.511752	配列番号557- 558
PLEKHB2	プレクストリンホモロジードメイン含有	AL120687 & Hs.512380	Hs.307033 Hs.378949	配列番号559- 560
RPGR	網膜色素変性症 GTPase制御因子	U57629	Hs.378949	配列番号561- 562
EST	Homo sapiens cDNA	W28612	Hs.184724	配列番号563
ARHQ	Rasホモログ遺伝子ファミリー、メンバーQ	AL043108	Hs.442989	配列番号564- 565
MCM5	ミニ染色体維持欠損5	X74795	Hs.77171	配列番号566- 567
GORASP2	ゴルジ再構築スタッキングタンパク質2	AA447263	Hs.6880	配列番号568- 569
SF3A2	スプライセオソームタンパク質SAP-62	L21990	Hs.115232	配列番号570- 571
KIAA0323	KIAA0323	AI494623	Hs.7911	配列番号572- 573
NME2	非転移性細胞2	X58965	Hs.433416	配列番号574- 575
RPL18	リポソームタンパク質L18	L11566	Hs.409634	配列番号576- 577

【手続補正5】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】0117

【補正方法】変更

【補正の内容】

【0117】

【表9-2】

ACADVL	超長鎖アシル-CoA デヒドロゲナーゼ	L46590	Hs.437178	<u>配列番号578-579</u>
IGBP1	免疫グロブリン結合タンパク質 1	Y08915	Hs.3631	<u>配列番号580-581</u>
SOX4	SRY-ボックス 4	X70683	Hs.357901	<u>配列番号582-583</u>
GATA3	GATA-結合タンパク質 3	X58072	Hs.169946	<u>配列番号584-585</u>
FADS2	脂肪酸デサチュラーゼ	AL050118	Hs.388164	<u>配列番号586-587</u>
ITPR1	イノシトール 1,4,5-三リン酸 レセプター 1型	D26070	Hs.149900	<u>配列番号588-589</u>
KLF4	Kruppel-様因子 4	U70663	Hs.376206	<u>配列番号590-591</u>
表 9b.	再発性前立腺癌に関連する14遺伝子 「幹性」 遺伝子発現署名（遺伝子セットB）			
署名 2	14の遺伝子			
遺伝子	遺伝子名	GenBank ID	UniGene ID	<u>配列番号</u>
ITGA6	インテグリンアルファ 6B	S66213	Hs.212296	<u>配列番号592-593</u>
CRHR2	副腎皮質刺激ホルモン放出ホルモンレセプター 2	U34587	Hs.66578	<u>配列番号594-595</u>
HOXB2	ホメオボックス B2	X16665	Hs.290432	<u>配列番号596-597</u>
HOXA10	ホメオボックス A10	AC004080	Hs.110637	<u>配列番号598-599</u>
SMARCD2	SWI/SNF複合体 60 KDa サブユニット B (BAF60B)	U66618	Hs.250581	<u>配列番号600-601</u>
H2AV	ヒストン H2A.F/Z 改変体 (H2AV)	AW007731	Hs.301005	<u>配列番号602-603</u>
DKFZP564I052	DKFZP564I052 タンパク質	AL080063	Hs.5364	<u>配列番号604-605</u>
ITRR1	イノシトール 1,4,5-三リン酸レセプター, 1型	D26070	Hs.149900	<u>配列番号606-607</u>

【表9-3】

GCS1	グルコシダーゼ I	X87237	Hs.83919	配列番号 <u>608-609</u>
TGOLN2	トランスゴルジネットワーク 2	AF027516	Hs.14894	配列番号 <u>610-611</u>
APS	プレクストリン相同性およびsrc相同性を有するアダプタータンパク質	AB000520	Hs.371366	配列番号 <u>612-613</u>
GLA	ガラクトシダーゼ、アルファ	U78027	Hs.69089	配列番号 <u>614-615</u>
EST	A48043 と類似性の高いタンパク質	H10776	Hs.107374	配列番号 <u>616</u>
MAFF	V-maff 筋腫膜織維肉腫癌遺伝子ホモログ F	AL021977	Hs.460889	配列番号 <u>617-618</u>
表9c.	再発性前立腺癌と関連する5遺伝子 「幹性」遺伝子発現署名（遺伝子セットC）			
署名3	5つの遺伝子			
遺伝子	遺伝子名	GenBank ID	UniGene ID	配列番号
NRGN	ニューログラニン	X99076	Hs.232004	配列番号 <u>619-620</u>
RGS3	Gタンパク質シグナル伝達 3 の制御因子	U27655	Hs.82294	配列番号 <u>621-622</u>
EDIL3	EGF様反復配列およびジスコイジン I 様ドメイン	U70312	Hs.441044	配列番号 <u>623-624</u>
GPR56	Gタンパク質共役型レセプター 56	AJ011001	Hs.6527	配列番号 <u>625-626</u>
ITRR1	イノシトール 1,4,5-三リン酸レセプター, 1 型	D26070	Hs.149900	配列番号 <u>627-628</u>
表9d.	再発性前立腺癌に関連する16遺伝子 「幹性」遺伝子発現署名（遺伝子セットD）			
署名4	16の遺伝子			
遺伝子	遺伝子名	GenBank ID	UniGene ID	配列番号
LYRIC	LYRIC/3D3	AA398463	Hs.377155	配列番号 <u>629-630</u>
TMSB10	サイモシン、ベータ 10	M92383	Hs.446574	配列番号 <u>631-632</u>

【手続補正6】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】0 1 1 8

【補正方法】変更

【補正の内容】

【0 1 1 8】

【表9-4】

ZNF183	ジンクフィンガータンパク質 183	X98253	Hs.64794	配列番号633- 634
PRKCBP1	タンパク質キナーゼ C 結合タンパク質 1	W22296	Hs.37372 & Hs.191990	配列番号635- 636
ALG3	アスパラギン連結グリコシル化 3 ホモログ	Y09022	Hs.153591	配列番号637- 638
B4GALT4	ベータ-1,4-ガラクトシルトランスフェラーゼ	AF038662	Hs.13225	配列番号639- 640
ERCC1	除去修復交差相補 1	M13194	Hs.435981	配列番号641- 642
PTPRK	タンパク質チロシンホスファターゼ、レセプター型	L77886	Hs.354262	配列番号643- 644
POU2F2	POU ドメイン、クラス 2、転写因子 2	M36542	Hs.1101	配列番号645- 646
NFKBIA	B細胞インヒビターにおけるNFKB 遺伝子のエン ハンサ、アルファ	M69043	Hs.81328	配列番号647- 648
Unknown	Homo sapiens cDNA	N48190	Hs.22243	配列番号649
GEM	GTP 結合タンパク質	U10550	Hs.79022	配列番号650- 651
PDE4B	ホスホジエステラーゼ 4B	L20971	Hs.188	配列番号652- 653
RBPMS	複数のスプライシングを伴うRNA結合タンパク質	D84110	Hs.195825	配列番号654- 655
GSRP1	システインおよびグリシンリッチタンパク質 1	M33146	Hs.108080	配列番号656- 657
MEIS1	ミエロイドエコトロピックウイルス統合部位 1 ホ モログ	U85707	Hs.170177	配列番号658- 659

² 各遺伝子についての *Homo sapiens* ヌクレオチドおよび *Homo sapiens* アミノ酸配列（アミノ酸配列が入手可能な場合）の配列番号が、「配列番号」欄に示される。

表9a、9b、9c および 9d に示される遺伝子の各々に対応するプローブおよび *Affymetrix* プローブセット U95Av2 からのプローブについての *Affymetrix* プローブ ID 番号は、「アレイファインダー (Array Finder)」および検索を実行するための識別子として GenBank ID または UniGene ID のいずれかを使用して、GENECHIP (登録商標) Human Genome U95 セットについて <http://www.affymetrix.com/products/arrays/specific/hgu95.affx>において検索することができる。さらに、U95 プローブセット内のすべてのプローブを示す表（各プローブ ID および対応する遺伝子ならびに他の詳細を含む）は、<https://www.affymetrix.com/analysis/netaffx/showresults.affx> で見ることができる。