

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 特許公報(B2)

(11) 特許番号

特許第6591956号
(P6591956)

(45) 発行日 令和1年10月16日(2019.10.16)

(24) 登録日 令和1年9月27日(2019.9.27)

(51) Int.Cl.

F 1

C 12 N	15/12	(2006.01)	C 12 N	15/12	Z N A
C 12 N	7/01	(2006.01)	C 12 N	7/01	
A 61 K	35/761	(2015.01)	A 61 K	35/761	
A 61 K	48/00	(2006.01)	A 61 K	48/00	
A 61 K	38/46	(2006.01)	A 61 K	38/46	

請求項の数 24 (全 24 頁) 最終頁に続く

(21) 出願番号 特願2016-501864 (P2016-501864)
 (86) (22) 出願日 平成26年3月13日 (2014.3.13)
 (65) 公表番号 特表2016-512683 (P2016-512683A)
 (43) 公表日 平成28年5月9日 (2016.5.9)
 (86) 國際出願番号 PCT/US2014/025509
 (87) 國際公開番号 WO2014/151341
 (87) 國際公開日 平成26年9月25日 (2014.9.25)
 審査請求日 平成29年3月8日 (2017.3.8)
 (31) 優先権主張番号 61/788,724
 (32) 優先日 平成25年3月15日 (2013.3.15)
 (33) 優先権主張国・地域又は機関
米国(US)

(73) 特許権者 502409813
ザ・トラステイズ・オブ・ザ・ユニバーサル・オブ・ペンシルベニア
アメリカ合衆国ペンシルベニア州19104 フィラデルフィア・スイート200・チエスナットストリート3160
(74) 代理人 110000741
特許業務法人小田島特許事務所
(72) 発明者 ウイルソン、ジエームズ・エム
アメリカ合衆国ペンシルベニア州19342 グレンミルズ・フォールブルツクレーン
7

前置審査

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】MPS 1 を治療するための組成物および方法

(57) 【特許請求の範囲】

【請求項 1】

配列番号 1 のヌクレオチド配列か、少なくとも配列番号 2 のアミノ酸 27 ~ 653 を含む機能的なヒト - L - イズロニダーゼをコードして配列番号 1 に対して少なくとも 95 % 同一である配列かを有するヒト - L - イズロニダーゼ (h IDUA) 遺伝子を含む発現カセットを担持する組換えベクターであって、前記発現カセットが前記ヒト - L - イズロニダーゼの発現を指示する調節性制御配列をさらに含み、前記調節性制御配列が肝臓特異的プロモーターを含む、組換えベクター。

【請求項 2】

前記改変 h IDUA 遺伝子が、配列番号 1 に対して少なくとも 99 % 同一である、請求項 1 に記載の組換えベクター。

【請求項 3】

前記機能的なヒト - L - イズロニダーゼが、
(a) 配列番号 2 のアミノ酸 1 ~ 653 か、
(b) 配列番号 2 のアミノ酸 27 ~ 653 に融合した異種リーダー配列を含む合成ヒト酵素か

からなる群から選択される、請求項 1 に記載の組換えベクター。

【請求項 4】

前記プロモーターが T B G プロモーターである、請求項 1 に記載の組換えベクター。

【請求項 5】

10

20

前記ベクターが、1つまたは複数のエンハンサーをさらに含み、該複数のエンハンサーは同じであるかまたは異なっている、請求項1に記載の組換えベクター。

【請求項6】

前記エンハンサーが、イントロン、CMVエンハンサー、およびアルファm i c / b i kエンハンサーからなる群から選択される、請求項5に記載の組換えベクター。

【請求項7】

前記選択されたエンハンサーの2つ以上のコピーが前記ベクター中に存在する、請求項5に記載の組換えベクター。

【請求項8】

前記エンハンサーの前記2つ以上のコピーが縦列して位置する、請求項7に記載の組換えベクター。 10

【請求項9】

前記発現力セットが、ウサギグロビンポリAから選択されるポリAをさらに含む、請求項1に記載の組換えベクター。

【請求項10】

プラスミドが配列番号3の配列を有する、請求項1に記載の組換えベクター。

【請求項11】

A A Vカプシドを有し、かつ5'逆方向末端反復配列(ITS)、その発現を制御する調節配列の制御下にあるヒト-L-イズロニダーゼ(h IDUA)遺伝子、およびAAVの3'ITSをその中にパッケージングしている組換えアデノ随伴ウイルス(rAAV)であって、前記h IDUA遺伝子が、配列番号1に示す配列か、少なくとも配列番号2のアミノ酸27~653を含む機能的なヒト-L-イズロニダーゼをコードして配列番号1に対して少なくとも95%同一である配列かを有する、組換えアデノ随伴ウイルス(rAAV)。 20

【請求項12】

前記改変h IDUA遺伝子が、肝臓特異的プロモーターの制御下で発現される、請求項11に記載のrAAV。

【請求項13】

前記プロモーターがT B Gプロモーターである、請求項12に記載のrAAV。 30

【請求項14】

前記ベクターが、1つまたは複数のエンハンサーをさらに含み、該複数のエンハンサーは同じであるかまたは異なっている、請求項11に記載のrAAV。

【請求項15】

前記エンハンサーが、イントロン、CMVエンハンサー、およびアルファm i c / b i kエンハンサーからなる群から選択される、請求項14に記載のrAAV。

【請求項16】

選択されたエンハンサーの2つ以上のコピーが前記ベクター中に存在する、請求項15に記載のrAAV。

【請求項17】

前記エンハンサーの前記2つ以上のコピーが縦列して位置する、請求項16に記載のrAAV。 40

【請求項18】

前記rAAVが、AAV8およびAAV9から選択されるAAVカプシドを含む、請求項11に記載のrAAV。

【請求項19】

前記rAAVが偽型である、請求項18に記載のrAAV。

【請求項20】

前記ITSがAAV2由来である、請求項11に記載のrAAV。

【請求項21】

AAV8カプシドを有し、かつAAV2の5'ITS、その発現を制御する調節配列の 50

制御下にある配列番号 1 の h I D U A 遺伝子、および A A V 2 の 3' I T R をその中にパッケージングしている請求項 1 1 に記載の r A A V であって、
前記調節配列は、肝臓特異的な T B G プロモーターと、アルファ m i c / b i c エンハンサーの縦列反復と、イントロンと、ポリ A とを含む、
r A A V。

【請求項 2 2】

有効量の請求項 1 1 ~ 2 1 のいずれか一項に記載の r A A V、および薬学的に許容される担体を含む、ムコ多糖症 I 型 (M P S I) の治療に用いるための医薬組成物。

【請求項 2 3】

前記 r A A V が静脈内送達される、請求項 2 2 に記載の組成物。

10

【請求項 2 4】

r A A V の $3 \times 10^9 \sim 3 \times 10^{13}$ のゲノムコピー / k g が被験体に送達される、請求項 2 2 に記載の組成物。

【発明の詳細な説明】

【背景技術】

【0 0 0 1】

ムコ多糖症は、ムコ多糖とも呼ばれるグリコサミノグリカン (G A G) の分解に関与する特定のリソソーム酵素の欠損を原因とする一群の遺伝障害である。部分的に分解された G A G の蓄積により、細胞、組織、および器官の機能が干渉を受ける。時間の経過につれて、G A G は、細胞、血液、および結合組織の内部に蓄積し、その結果、細胞および器官の損傷が増大する。ムコ多糖症 (M P S) 障害の中で最も重篤な M P S I は、酵素 - L - イズロニダーゼ (I D U A) の欠損を原因とする。これにより、重症度の順でハーラー症候群、ハーラー - シャイワ症候群、およびシャイワ症候群となる、3つの臨床症候群がもたらされる。それぞれは常染色体劣性遺伝形式で遺伝し、酵素欠損症の程度が臨床表現型の重症度に直接関連する。

20

【0 0 0 2】

I D U A 遺伝子は、グリコサミノグリカン (G A G) と呼ばれる大きな糖分子の分解に必須である - L - イズロニダーゼと呼ばれる酵素を生成するためのインストラクションを与えることが報告されている。具体的には、- L - イズロニダーゼは、ヘパラン硫酸およびデルマタン硫酸と呼ばれる2種の G A G 中に存在する硫酸化 - L - イズロン酸として知られている分子からスルフェートを除去することが報告されている。- L - イズロニダーゼは、種々のタイプの分子を消化し、再利用する、細胞内コンパートメントであるリソソーム中に存在する。I D U A 遺伝子における 1 0 0 を超える突然変異が、ムコ多糖症 I 型 (M P S I) の原因となることが見出されている。1つのD N A ピルディング ブロック (ヌクレオチド) を変化させる突然変異が最も一般的である。M P S I を引き起こし、- L - イズロニダーゼの機能を低下または完全に消失させる突然変異。

30

【0 0 0 3】

臨床症候群に関しては、ハーラー症候群に対する現行の標準治療は、骨髄移植 (B M T) または臍帯血移植 (U C B T) などの造血幹細胞移植 (H S C T) である。この処置は、できるだけ早期に、かつ、この疾患が身体およびC N S の両面に影響を及ぼす2歳になる前に施される。しかしながら、M P S I に対する H S C T には、罹患率の顕著な値および 2 0 % の死亡率が依然として伴っている。移植が選択肢でない場合には、患者の生命のために毎週1回の酵素注入を必要とする酵素補充療法 (E R T) を開始することができる。E R T は、C N S 疾患の進行には影響を及ぼさないが、身体症状を部分的に改善する。臓器肥大は顕著に改善されるが、骨格系、眼、および心臓における疾患の様相は部分的にのみ改善される。患者は、腰および膝を安定化するための外科手術ならびに手根管症候群および指収縮を治療するための外科手術を必要とすることがある。心臓疾患は内科的に治療されるが、結局は外科手術が必要となることがある。

40

【0 0 0 4】

M P S I に対する E R T は、リソソームに取り込ませる外因性酵素を提供し、G A G

50

の異化を増大させた。リソソーム酵素は内部で機能するが、細胞表面マンノース - 6 - リン酸受容体は、これらの酵素に結合し内部移行して、それらをリソソームに送達することができる。組換えIDUA (Aldurazyme (登録商標)、BioMarin) は、MPS I のハーラー形態およびハーラー - シャイエ工形態の患者および中等度から重度の症候を示すシャイエ工形態の患者に対して FDA により認可されており、肺機能および歩行能力を改善することが示されている。ERT はまた、MPS I 患者における肝臓肥大および尿中 GAG レベルを低減することが観察されている。しかしながら、静脈内の酵素は脳に容易に移行しないため、ERT では、一部の MPS I 患者が経験する神経症候に対する取り組みは現在行われていない。

【0005】

10

ERT の合併症は、軽度から最も悪化したアナフィラキシーに及び得る組換え酵素に対する免疫応答ならびに局所および全身感染などの一生涯の末梢性発症の合併症を中心に展開する。Aldurazyme を投与された患者の最大 91 % がこの酵素に対する抗体を生じるが、それがどの程度効力に影響を及ぼすかは明らかではない。さらに、ERT は、病院環境における、毎週の 3 ~ 8 時間にわたる静脈内 (i.v.) 注入を必要とし、これは、患者の生活の質に多大な影響を与え、費用が高い点で、医療償還制度への主要な重圧となっている。

【発明の概要】

【発明が解決しようとする課題】

【0006】

20

これらの制限を考慮すると、MPS I に関する罹患率をより効果的に改善することができる治療が、未だ対処されていない医療上の必要性として残っている。

【課題を解決するための手段】

【0007】

一態様では、本発明は、配列番号 1 のヌクレオチド配列またはヒト細胞において機能的なヒト - L - イズロニダーゼをコードする配列番号 1 に対して少なくとも約 95 % 同一である配列を有するヒト - L - イズロニダーゼ (hIDUA) 遺伝子を含む発現カセットであって、前記発現カセットがヒト細胞においてヒト - L - イズロニダーゼの発現を指示する調節性制御配列をさらに含み、前記調節性制御配列が肝臓特異的プロモーターを含む、発現カセットを提供する。

30

【0008】

別の態様では、本発明は、発現カセットを含有するベクターを提供する。一実施形態では、発現カセットはシスプラスミド上に位置する。別の実施形態では、発現カセットは pENN.TBG.hIDUA.nRGB 上に位置する。

【0009】

さらに別の態様では、本発明は、AAV カプシドを有し、かつ左側逆方向末端反復配列 (ITR)、その発現を制御する調節配列の制御下にあるヒト - L - イズロニダーゼ (hIDUA) 遺伝子、および AAV の右側 ITR をその中にパッケージングしている組換えアデノ随伴ウイルス (rAAV) 粒子であって、前記 hIDUA 遺伝子が、配列番号 1 (図 1) に示す配列または機能的なヒト - L - イズロニダーゼをコードする、配列番号 1 に対して少なくとも約 95 % 同一である配列を有する、組換えアデノ随伴ウイルス粒子を提供する。一実施形態では、機能的な hIDUA 遺伝子は、肝臓特異的プロモーターの制御下で発現される。そのようなプロモーターはチロキシン結合グロブリン (TBG) プロモーターであってもよい。

40

【0010】

さらなる態様では、本発明は、組換えアデノ随伴ウイルス粒子 AAV2/8.TBG.hIDUA.co を提供する。

【0011】

さらに別の態様では、本発明は、本明細書に記載する発現カセット含む rAAV および薬学的に許容される担体を含む、ムコ多糖症 I 型 (MPS I) を治療するために有用な

50

組成物を提供する。

【0012】

なおもさらなる態様では、本発明は、ムコ多糖症Ⅰ型を治療するための方法であって、薬学的に許容される担体および本明細書に記載するr A A Vを含む有効量の組成物を送達することを含む方法を提供する。

【0013】

さらに別の態様では、本発明は、ハーラー症候群、ハーラー-シャイエ工症候群、および/またはシャイエ工症候群の症候を治療または寛解するための方法を提供する。

【0014】

本発明のさらに他の態様および利点が、本発明の詳細な説明から明らかになるであろう。
10
。

【図面の簡単な説明】

【0015】

【図1A - 1D】機能的なヒトIDUA遺伝子の核酸配列を含む、本明細書に記載するpENN . AAV . TBG . PI . hIDUA . RGB プラスミドの配列 [配列番号3] を示す。図1の位置1251 ~ 3213に位置する機能的なIDUAの遺伝子およびそのコードされた酵素配列はまた、配列番号1および2にも示す。この配列にはさらに、アルファ*mic/bik*エンハンサー、イントロン1、ウサギグロビンポリA、ITR、複製起点の配列を特定するための注釈が付けられている。

【図2】pENN . AAV . TBG . PI . hIDUA . RGB の環状マップを示す。

20

【発明を実施するための形態】

【0016】

本明細書に記載する組成物は、ヒト被験体において治療有効量の機能的なヒト-L-イズロニダーゼ酵素を発現するヒトIDUA遺伝子を担持する発現力セットを提供する。

【0017】

本明細書で使用する場合、「治療有効量」は、ハーラー症候群、ハーラー-シャイエ工症候群、および/もしくはシャイエ工症候群、ならびに/またはMPS Iの症候を寛解または治療するために十分な酵素量を標的細胞に送達し発現させる組成物量を指す。「治療」には、これらの症候群(またはMPS I)の1つの症候の悪化の予防と、おそらくはこれらの症候の1つまたは複数の回復とが含まれ得る。

30

【0018】

本明細書で使用する場合、「機能的なヒト-L-イズロニダーゼ」は、MPS Iまたはハーラー症候群、ハーラー-シャイエ工症候群、および/またはシャイエ工症候群などの関連症候群に罹患していないヒトにおいて、正常に機能するヒト-L-イズロニダーゼ酵素を指す。逆に、MPS Iまたはこれらの症候群の1つの原因となるヒト-L-イズロニダーゼ酵素変異体は、非機能的であると見なされる。一実施形態では、機能的なヒト-L-イズロニダーゼは、Bremer et al., Mol. Genet. Metab. 104 (3) : 289 - 294 (2011)、配列番号2(653個のアミノ酸)に再現されているNCBI参照配列NP_000194.2によって記載される野生型ヒト-L-イズロニダーゼのアミノ酸配列を有している。しかしながら、この配列のいくつかの天然に存在する機能的な遺伝子多型(変異体)が記載されており、それらは本発明の範囲内に包含され得る。これらの変異体としては、配列番号2に関連して、位置110でのNに連結した糖鎖付加[Chen et al., J Proteome Res., 8: 651 - 661 (2009)]、アミノ酸位置33でのHからQへの変化[配列番号7、VAR_003350; Scott, HS, et al., Proc Natl Acad Sci., 88: 9695 - 9699 (1991); Scott, HS, et al., Genomics, 12: 1311 - 1313 (1992); Scott HS, et al., Hum Genet, 90: 327 - 327 (1992); Bertola F., et al., Hum Mutat, 32: E2189 - E2210 (2011)]、アミノ酸位置82でのHからQへの縮小[配列番号8、VAR_020976; Scott,

40

50

H S , H u m G e n e t 、上記に引用] 、位置 1 0 5 での R から Q への変化 [配列番号 9 、 V A R _ 0 0 3 3 5 6 ; S c o t t , H u m G e n e t 、上記に引用 ; B e r t o l a e t a l 、上記に引用] 、位置 1 1 6 での G から R への変化 [配列番号 1 2 、 V A R _ 0 0 3 3 6 7] 、位置 2 7 9 での V から A への変化 [配列番号 1 1 、 V A R _ 0 0 3 3 5 9 、] 、位置 3 4 6 での L から R への変化 [配列番号 1 2 、 V A R _ 0 1 7 4 3 6 、 T e n g , Y N , e t a l , C l i n . G e n e t , 5 7 : 1 3 1 - 1 3 6 (2 0 0 0)] 、位置 3 6 1 での A から T への変化 [配列番号 1 3 、 V A R _ 0 0 3 3 6 4 ; S c o t t , H S , e t a l , H u m M o l G e n e t , 2 : 1 4 7 1 - 1 4 7 3 (1 9 9 3) ; Y o g a l i n g a m e t a l , H u m M u t a t , 2 4 : 1 9 9 - 2 0 7 (2 0 0 4) ; B e r t o l a , e t a l 、上記に引用] 、位置 4 4 9 での H から 10 N への変化 [配列番号 1 4 、 V A R _ 0 6 6 2 2 8 、 B e r t o l a e t a l 、上記に引用] 、位置 4 5 4 での V から I への変化 [配列番号 1 5 、 V A R _ 0 0 3 3 7 2 ; Y o g a l i n g a m e t a l 、上記に引用 ; B e r t o l a , e t a l 、上記に引用] 、位置 5 9 1 での A から T への変化 [配列番号 1 6 、 V A R _ 0 0 6 6 2 3 1 、 B e r t o l a e t a l 、上記に引用] 、および位置 6 2 2 での A から T への変化 [配列番号 1 7 、 S c o t t e t a l , G e n o m i c s 、上記に引用] が挙げられる。例えば、 U n i P r o t K B / S w i s s - P r o t ; w w w . u n i p r o t . o r g / u n i p r o t / P 3 5 4 7 5 を参照されたい。別の実施形態では、機能的なヒト - L - イズロニダーゼは、リーダー(シグナル)ペプチドに相当する配列番号 2 の最初の 2 6 個のアミノ酸のすべてまたは一部が異種のリーダーペプチドに置換されている合成アミノ酸配列を含むことができる。酵素をその分泌経路を介して細胞から循環に輸送する役割を果たすこのリーダーペプチドは、例えば、インターロイキン 2 (I L - 2) またはオングロコスタチンからのリーダーペプチドなど、別の適切なリーダーペプチドで置換することができる。適切なリーダーペプチドは、必ずしもそうである必要はないが、ヒト起源が好みしい。適切なリーダーペプチドは、参照により本明細書に組み込まれる h t t p : / / p r o l i n e . b i c . n u s . e d u . s g / s p d b / z h a n g 2 7 0 . h t m から選択することも、または選択されたタンパク質中のリーダー(シグナル)ペプチドを判定するための種々の計算プログラムを使用して決定することもできる。限定されるものではないが、このような配列の長さは、約 1 5 ~ 約 5 0 個のアミノ酸、もしくは約 2 0 ~ 約 2 8 個のアミノ酸、または必要に応じてより長いかもしくはより短いものになり得る。加えて、 i n v i t r o アッセイの少なくとも 1 つが、 I D U A 酵素の酵素活性を評価するために有用であると記載されている [例えば、 K a k k i s e t a l , M o l G e n e t M e t a b o l , 2 0 0 1 M a r ; 7 2 (3) : 1 9 9 - 2 0 8 を参照されたい] 。

【 0 0 1 9 】

適切には、本明細書に記載する組成物および方法は、長期間にわたる毎週の治療量の反復注射を必要としない。理論に拘束されることを望むものではないが、本明細書に記載する方法は、M P S I 障害に付随した身体症候に加えて中枢神経系表現型を修復するのに有用であると考えられる。

【 0 0 2 0 】

発現カセット

発現カセットは、遺伝子およびその調節配列で最低限構成される。カセットが組換えアデノ随伴ウイルスから発現されるように設計されている場合、発現カセットはさらに、 5 ' および 3 ' A A V 逆方向末端反復配列 (I T R) を含有する。これらの I T R は、完全長であっても、 I T R の一方もしくは両方が短縮されていてもよい。例えば、 D 配列の欠失および末端分解部位 (t r s) の欠失を含有する短縮 5 ' I T R は、例えば自己相補的 A A V のために使用することができる。一実施形態では、 r A A V は偽型である。すなわち、 A A V カプシドは I T R を提供する A A V とは異なる供給源 A A V に由来する。一実施形態では、 A A V 血清型 2 の I T R が使用される。しかしながら、他の適切な供給源に由来する I T R を選択してもよい。

10

20

30

40

50

【0021】

本明細書に記載するように、本明細書に記載する病態の1つに罹患する患者に、細胞において機能的なヒト-L-イズロニダーゼ酵素の発現を指示する調節配列の制御下にある機能的なヒト-L-イズロニダーゼ(hIDUA)遺伝子を担持する発現カセットを送達する。

【0022】

発現カセットは、配列番号1のヌクレオチド配列を有することを特徴とするhIDUA遺伝子を含有する。本発明者らにより開発されたこの配列は、配列番号2をコードするGenbank NP000194.2の公開遺伝子配列と約83%の同一性を有する。別の実施形態では、発現カセットは、配列番号1に対して少なくとも約80%同一であるヌクレオチド配列を有することを特徴とするhIDUA遺伝子を含有し、機能的なヒト-L-イズロニダーゼをコードする。別の実施形態では、配列は、配列番号1に対して少なくとも約85%同一であるかまたは配列番号1に対して少なくとも約90%同一であり、機能的なヒト-L-イズロニダーゼをコードする。別の実施形態では、配列は、配列番号1に対して少なくとも約95%同一であるか、配列番号1に対して少なくとも約97%同一であるか、または配列番号1に対して少なくとも約99%同一であり、機能的なヒト-L-イズロニダーゼをコードする。一実施形態では、これは、配列番号1のおよそ1～およそ78に相当する、ヒト-L-イズロニダーゼ(すなわち、配列番号2のおよそアミノ酸26またはおよそアミノ酸27～およそアミノ酸653をコードする)のリーダーペプチド配列を含む完全長hIDUA遺伝子を包含する。別の実施形態では、hIDUA遺伝子は、機能的な-L-イズロニダーゼ酵素の分泌部分、すなわち、配列番号2のおよそアミノ酸27～およそ653に融合した異種リーダー配列を含む合成ペプチドである機能的な合成ヒト-L-イズロニダーゼ酵素または本明細書で特定されるその機能的な変異体の1つをコードする。

【0023】

配列に関する同一性または類似性は、本明細書では、配列をアライメントし、必要とする場合、最大パーセント配列同一性を達成するためにギャップを導入した後の、本明細書に提供するペプチドおよびポリペプチド領域と同一(すなわち、同じ残基)または類似(すなわち、共通側鎖特性に基づいて同じグループに属するアミノ酸残基、下記を参照のこと)の候補配列中のアミノ酸残基のパーセントとして定義される。パーセント(%)同一性は、2つのポリヌクレオチド間または2つのポリペプチド間の類縁性の尺度であり、それぞれ、そのヌクレオチド配列またはアミノ酸配列を比較することによって決定される。一般に、比較される2つの配列は、配列間で最大の相関を与えるようにアライメントされる。2つの配列のアライメントを検査し、2つの配列間の正確なアミノ酸またはヌクレオチドの一一致を与える位置の数を決定し、それをアライメントの全長で割り、100を掛けて、%同一性の数値を得る。この%同一性の数値は、比較される配列の全長にわたって決定しても(これは、同じかまたは極めて類似した長さで、高度に相同である配列に特に適している)、より短い指定の長さにわたって決定してもよい(これは、長さが等しくないかまたは相同性が低レベルである配列により適している)。いくつかのアルゴリズムおよびそれらに基づいたコンピュータプログラムが存在し、それらは、アライメントおよびパーセント同一性を得るために、文献上および/または公的もしくは商業的に利用可能である。アルゴリズムまたはプログラムの選択により本発明が限定されることはない。

【0024】

適切なアライメントプログラムの例としては、例えば、Unix下のものであるが、その後Bioeditプログラム(Hall, T.A. 1999, BioEdit: a user-friendly biological sequence alignment editor and analysis program for Windows 95/98/NT. Nucleic Acids Symp. Ser. 41: 95-98); Wisconsin Sequence Analysis Package, version 9.1 (Devereux J. et al., Nucleic Acid

10

20

30

40

50

s Res., 12:387-395, 1984, Genetics Computer Group, Madison, Wis., USAより入手可能)にインポートされたソフトウェアCLUSTALWが挙げられる。プログラムBESTFITおよびGAPは、2つのポリヌクレオチド間の%同一性および2つのポリペプチド配列間の%同一性を決定するために使用することができる。

【0025】

配列間の同一性および/または類似性を決定するための他のプログラムとしては、例えば、National Center for Biotechnology Information(NCB), Bethesda, Md., USAから入手可能であり、またwww.ncbi.nlm.nih.govでNCBIのホームページを介してアクセス可能なBLASTファミリーのプログラム群、GCG配列アライメントソフトウェアパッケージの一部であるALIGNプログラム(バージョン2.0)が挙げられる。アミノ酸配列の比較のためにALIGNプログラムを利用する場合、PAM120重み残基表、12のギャップ長ペナルティ、および4のギャップペナルティを使用することができる;およびFASTA(Pearson W.R. and Lipman D.J., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 85:2444-2448, 1988, Wisconsin Sequence Analysis Packageの一部として入手可能)。SeqWebソフトウェア(GCG Wisconsin Packageへのウェブベースのインターフェース:Gapプログラム)。

【0026】

本明細書および特許請求の範囲の全体にわたって使用する場合、「含む(comprising)」および「含む(including)」という用語は、他の成分、要素、整数、工程等について包括的である。逆に、「からなる(consisting)」という用語およびその変形体は、他の成分、要素、整数、工程等について排他的である。「約」という用語は、特に明記されない限り、±10%以内の変動を包含する。

【0027】

一実施形態では、発現カセットは、ヒト肝臓指向性の発現のために設計される。したがって、肝臓特異的プロモーターは、この発現カセットに特によく適合している。一実施形態では、チロキシン結合グロブリンプロモーターが選択される。一実施形態では、TBGプロモーターは、図1のヌクレオチド442~901の配列を有する。あるいは、別の肝臓特異的プロモーターが選択されてもよい。組織特異的なプロモーターの例は、肝臓および他の組織についてよく知られており(アルブミン、Miyatake et al., (1997) J. Virol., 71:5124-32; B型肝炎ウイルスコアプロモーター、Sandig et al., (1996) Gene Ther., 3:1002-9; -フェトプロテイン(AFP)、Arbuthnot et al., (1996) Hum. Gene Ther., 7:1503-14)、骨オステカルシン(Steine et al., (1997) Mol. Biol. Rep., 24:185-96);骨シアロタンパク質(Chen et al., (1996) J. Bone Miner. Res., 11:654-64)、リンパ球(CD2、Hansal et al., (1998) J. Immunol., 161:1063-8; 免疫グロブリン重鎖;T細胞受容体鎖)、ニューロン特異的エノラーゼ(NSE)プロモーター(Andersen et al., (1993) Cell. Mol. Neurobiol., 13:503-15)、神経フィラメント軽鎖遺伝子(Piccioli et al., (1991) Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 88:5611-5)、およびニューロン特異的vgf遺伝子(Piccioli et al., (1995) Neuron, 15:373-84)などのニューロン性が挙げられる。他のプロモーター(肝臓特異的でない)を選択することもできるが、それを含有する発現カセットは、TBGまたは別の肝臓特異的プロモーターを有する発現カセットの利点を必ずしもすべて有するとは限らない。あるいは、調節可能なプロモーターが選択されてもよい。例えば、参照により本明細書に組み込まれる国際公開第2011/126808B2号パンフレットを参照された

10

20

30

40

50

い。

【0028】

一実施形態では、発現力セットは1つまたは複数の発現エンハンサーを含む。一実施形態では、発現力セットは2つ以上の発現エンハンサーを含有する。これらのエンハンサーは同じであっても、互いに異なっていてもよい。例えば、エンハンサーには、アルファ α / β エンハンサーが含まれ得る。このエンハンサーは、互いに隣接して位置する2つのコピー中に存在させることができる。あるいは、このエンハンサーのデュアルコピーを、1つまたは複数の配列により分離させることもできる。さらに別の実施形態では、発現力セットは、イントロン、例えば Promega イントロンをさらに含有する。他の適切なイントロンとしては、例えば国際公開第2011/126808号パンフレットに記載されているものなど、当技術分野で公知のものが挙げられる。10

【0029】

さらに、本発明の発現力セットは、適切なポリアデニル化シグナルを備えている。一実施形態では、ポリA配列は、ウサギグロブリンポリAである。一実施形態では、ポリA配列は、図1のnt3261~3387の配列を特徴とする。あるいは、別のポリA、例えば、ヒト成長ホルモン(hGH)ポリアデニル化配列、SV40ポリA、または合成ポリAもある。さらに他の従来の調節エレメントを追加するか、または任意選択的に発現力セットに含めることができる。

【0030】

一実施形態では、発現力セットは、当業者に公知の技術を使用して、適切なベクター、例えばプラスミドベクター上に遺伝子操作される。任意選択的に、本発明の組成物は、改変ヒトIDUA遺伝子を含む第1の発現力セットと、異なる遺伝子を含む第2の発現力セットとを含有することができる。さらに別の実施形態では、機能的なヒトIDUAは、例えば、国際公開第2011/126808号パンフレットに記載されているように、複数ベクター上に位置してもよい2つ以上の発現力セットから発現させることができる。20

【0031】

一実施形態では、発現力セットは、pENN.TBG.hIDUA.nRBGにより担持され、このプラスミドは、発現力セットを担持する組換えアデノ随伴ウイルスを作製するために使用される。

【0032】

AAVウイルス粒子の生成

一実施形態では、本発明は、AAVカプシドを有し、かつ5'逆方向末端反復配列(ITS)、その発現を制御する調節配列の制御下にあるヒト-L-イズロニダーゼ(hIDUA)遺伝子、およびAAVの3'ITSをその中にパッケージングしている組換えアデノ随伴ウイルス(rAAV)粒子であって、前記hIDUA遺伝子が、配列番号1(図1)に示す配列または機能的なヒト-L-イズロニダーゼをコードする、配列番号1に対して少なくとも約95%同一である配列を有する、組換えアデノ随伴ウイルス粒子を提供する。特に望ましい1つのrAAVは、AAV2/8.TBG.hIDUA.coである。

【0033】

AAVベースのベクターを調製する方法は公知である。例えば、参照により本明細書に組み込まれる、米国特許出願公開第2007/0036760号明細書(2007年2月15日)を参照されたい。AAV8のAAVカプシドの使用は、本明細書に記載する組成物および方法に特に適合している。AAV8の配列、およびAAV8カプシドに基づくベクターの作製方法は、参照により本明細書に組み込まれる、米国特許第7,282,199B2号明細書、米国特許第7,790,449号明細書、および米国特許第8,318,480号明細書に記載されている。また、AAV9カプシドも本発明での使用によく適合している。AAV9の配列、およびAAV9カプシドに基づいたベクターの作製方法は、参照により本明細書に組み込まれる、米国特許第7,906,111号明細書に記載されている。しかしながら、他のAAVカプシドを本発明での使用のために選択または4050

作製してもよい。いくつかのそのような AAV の配列は、上記に引用の米国特許第 7,282,199 B2 号明細書、米国特許第 7,790,449 号明細書、米国特許第 8,318,480 号明細書、および米国特許第 7,906,111 号明細書に提供されており、かつ / または GenBank から入手可能である。任意の AAV カプシドの配列は、合成的にまたは種々の分子生物学および遺伝子工学技術を使用して容易に作製することができる。適切な生成手法が当業者には周知である。例えば、Sambrook et al., Molecular Cloning: A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Press (Cold Spring Harbor, NY) を参照されたい。あるいは、ペプチド（例えば、CDR）をコードするオリゴヌクレオチドまたはペプチド自体を合成的に、例えば周知の固相ペプチド合成法によって作製することができる（Merrifield, (1962) J. Am. Chem. Soc., 85: 2149; Stewart and Young, Solid Phase Peptide Synthesis (Freeman, San Francisco, 1969) pp. 27-62）。また、D M McCarty et al., “Self-complementary recombinant adeno-associated virus (scAAV) vectors promote efficient transduction independently of DNA synthesis”, Gene Therapy, (August 2001), Vol 8, Number 16, Pages 1248-1254 も参照されたい。自己相補的 AAV は、例えば、米国特許第 6,596,535 号明細書；同第 7,125,717 号明細書；および同第 7,456,683 号明細書に記載されており、これらのそれぞれは、その内容全体が参考により本明細書に組み込まれる。これらおよび他の適切な生成方法は、当業者の知識の範囲内であり、本発明を限定するものではない。

【0034】

本明細書に記載する組換えアデノ随伴ウイルス（AAV）は、公知の技術を使用して作製することができる。そのような方法は、AAV カプシドをコードする核酸配列；機能的な rep 遺伝子；AAV 逆方向末端反復配列（ITR）および導入遺伝子で最低限構成される発現力セット；ならびに AAV カプシドタンパク質への発現力セットのパッケージングを可能にするための十分なヘルパー機能を含有する宿主細胞を培養することを含む。

【0035】

AAV カプシドの中に AAV 発現力セットをパッケージングするために宿主細胞中で培養される必要がある成分は、トランスで宿主細胞に提供されてもよい。あるいは、必要な成分（例えば、発現力セット、rep 配列、cap 配列、および / またはヘルパー機能）の任意の 1 つまたは複数は、当業者に公知の方法を使用して、必要な成分の 1 つまたは複数を含有するように操作された安定な宿主細胞により提供されてもよい。最適には、そのような安定な宿主細胞は、誘導プロモーターの制御下にある、必要な成分を含有することになる。しかしながら、必要な成分は、構成的プロモーターの制御下にあってもよい。適切な誘導性プロモーターおよび構成的プロモーターの例が、導入遺伝子との使用に適した調節エレメントの論述の中で本明細書に提供される。さらに別の代替形態では、選択された安定な宿主細胞は、構成的プロモーターの制御下にある選択された成分および 1 つまたは複数の誘導性プロモーターの制御下にある他の選択された成分を含有することができる。例えば、293 細胞（構成的プロモーターの制御下にある E1 ヘルパー機能を含有する）に由来するが、誘導性プロモーターの制御下にある rep および / または cap タンパク質を含有する安定な宿主細胞を作製することができる。さらに他の安定な宿主細胞は、当業者により作製可能である。

【0036】

本発明の rAAV を生成するのに必要な発現力セット、rep 配列、cap 配列、およびヘルパー機能は、その上に担持される配列を移入する任意の遺伝エレメントの形態でパッケージング宿主細胞に送達することができる。選択された遺伝エレメントは、本明細書に記載のものを含む任意の適切な方法によって送達することができる。本発明の任意の実

10

20

30

40

50

施形態を構築するために使用される方法は、核酸操作の技術者には公知であり、遺伝子工学、組換え工学、および合成手法を含む。例えば、Sambrook et al., Molecular Cloning: A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Press, Cold Spring Harbor, NYを参照されたい。同様に、rAAVビリオンを作製する方法は周知であり、適切な方法の選択により、本発明が限定されることはない。例えば、K. Fisher et al., (1993) J. Virol., 70: 520 - 532 および米国特許第5,478,745号明細書を参照されたい。

【0037】

他に明記されない限り、AAV ITR、および本明細書に記載の他の選択されたAAV成分は、任意のAAVの中から容易に選択することができる。これらのITRまたは他のAAV成分は、当業者に利用可能な手法を使用して、AAV配列から容易に単離することができる。そのようなAAVは、学術的、商業的、または公的な供給源（例えば、米国培養細胞系統保存機関（American Type Culture Collection）、Manassas、VA）から単離または入手することができる。あるいは、AAV配列は、文献または例えばGenBank（登録商標）、PubMed（登録商標）等のデータベースから入手可能であるものなど公表された配列を参照して、統合的または他の適切な手段によって得ることができる。

【0038】

A. 発現力セット

発現力セットは本明細書に定義された通りである。加えて、本明細書に記載する発現力セットおよび／またはベクターはさらなる導入遺伝子または調節配列を含有することができる。カプシドタンパク質の中にパッケージングされ、選択された宿主細胞に送達される発現力セット。

【0039】

1. 導入遺伝子

本発明は、複数の導入遺伝子の使用を含むことができる。適切な導入遺伝子は、当業者により容易に選択可能である。導入遺伝子の選択により、本発明が限定されるとは見なされない。

【0040】

2. 調節エレメント

発現力セットについて上記に特定された主要なエレメントに加え、ベクターはまた、プラスミドベクターでトランスフェクトされたかまたは本発明により生成されたウイルスに感染した細胞中でのその転写、翻訳、および／または発現を可能にするように導入遺伝子に作動的に連結される従来の調節エレメントを含む。本明細書で使用する場合、「作動的に連結される」配列には、目的の遺伝子に近接する発現制御配列と、目的の遺伝子を制御するためにトランスでまたは離れて作用する発現制御配列の両方が含まれる。

【0041】

発現調節配列には、適切な転写開始、終結、プロモーター、およびエンハンサー配列；スプライシングおよびポリアデニル化（ポリA）シグナルなどの効率的なRNAプロセシングシグナル；細胞質のmRNAを安定化する配列；翻訳効率を高める配列（すなわち、コザックコンセンサス配列）；タンパク質の安定性を高める配列；および必要に応じて、コードされた産物の分泌を高める配列が含まれる。天然、構成的、誘導性、および／または組織特異的プロモーターを含む、多数の発現制御配列が当技術分野で公知であり、かつ利用することができる。

【0042】

構成的プロモーターの例としては、限定はされないが、レトロウイルスのラウス肉腫ウイルス（RSV）LTRプロモーター（任意選択的に、RSVエンハンサーと共に）、サイトメガロウイルス（CMV）プロモーター（任意選択的に、CMVエンハンサーと共に）[例えば、Boshart et al., (1985) Cell, 41: 521 - 53

10

20

30

40

50

0を参照のこと]、SV40プロモーター、ジヒドロ葉酸還元酵素プロモーター、-アクチンプロモーター、ホスホグリセロールキナーゼ(PGK)プロモーター、およびEF1プロモーター[*In vitro* gene]が挙げられる。誘導性プロモーターは、遺伝子発現の調節を可能にし、外因性に供給される化合物、温度などの環境因子、もしくは特定の生理学的状態の存在、例えば細胞の急性期、特定の分化状態により、または複製細胞においてのみ調節され得る。誘導性プロモーターおよび誘導性システムは、限定はされないが、*In vitro* gene、Clontech、およびArriadを含む、種々の商業的供給源から入手可能である。他の多くのシステムが記載されており、当業者により容易に選択可能である。外因性に供給される化合物により調節される誘導性プロモーターの例としては、亜鉛誘導性ヒツジメタロチオニン(MT)プロモーター、デキサメサゾン(Dex)誘導性マウス乳腺腫瘍ウイルス(MMTV)プロモーター、T7ポリメラーゼプロモーターシステム[国際特許公開国際公開第98/10088号パンフレット];エクジソン昆虫プロモーター[No et al., (1996) Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 93:3346-3351]、テトラサイクリン抑制系[Gosse et al., (1992) Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 89:5547-5551]、テトラサイクリン誘導系[Gosse et al., (1995) Science, 268:1766-1769、さらにHarvey et al., (1998) Curr. Opin. Chem. Biol., 2:512-518も参考のこと]、RU486誘導系[Wang et al., (1997) Nat. Biotech., 15:239-243、およびWang et al., (1997) Gene Ther., 4:432-441]、ならびにラバマイシン誘導系[Magari et al., (1997) J. Clin. Invest., 100:2865-2872]が、例えばArriadから入手可能なArgent(商標)系を含めて挙げられる。これに関連して有用となり得る他のタイプの誘導性プロモーターは、特定の生理学的状態、例えば細胞の温度、急性期、特定の分化状態により、または複製細胞においてのみ調節されるものである。

【0043】

導入遺伝子の別の実施形態では、組織特異的プロモーターに作動的に連結された遺伝子が含まれる。例えば、骨格筋での発現が必要な場合、筋で活性なプロモーターが使用されるべきである。これらには、骨格-アクチン、ミオシン軽鎖2A、ジストロフィン、デスミン、MHC、筋クレアチンキナーゼをコードする遺伝子由来のプロモーター、および天然のプロモーターよりも高活性を有する合成の筋プロモーターが含まれる(Liet al., (1999) Nat. Biotech., 17:241-245を参考のこと)。組織特異的なプロモーターの例は、例えば、とりわけ、ニューロン特異的エノラーゼ(NSE)プロモーター(Andersen et al., (1993) Cell. Mol. Neurobiol., 13:503-15)、神経フィラメント軽鎖遺伝子(Piccioli et al., (1991) Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 88:5611-5)、およびニューロン特異的vgf遺伝子(Piccioli et al., (1995) Neuron, 15:373-84)など、CNS/ニューロン性について知られている。別の実施形態では、導入遺伝子の天然のプロモーターを使用することになる。導入遺伝子の発現が天然の発現を模倣することが望ましい場合、天然のプロモーターが好ましくなり得る。導入遺伝子の発現を、一時的にもしくは発生的に、または組織特異的に、または特定の転写刺激に応答して調節しなければならない場合、天然のプロモーターを使用することができます。さらなる実施形態では、エンハンサー要素、ポリアデニル化部位、またはコザックコンセンサス配列などの他の天然の発現制御要素も、天然の発現を模倣するために使用することができる。

【0044】

導入遺伝子、プロモーター/エンハンサー、ならびに5'および3'AAV-ITRの組合せは、本明細書での言及を容易にするために発現カセットと呼ぶ。本発明の教示が与えられれば、そのような発現カセットの設計は、従来の手法により行うことができる。

【0045】

3. AAVパッケージング宿主細胞への発現力セットの送達

発現力セットは、宿主細胞に送達される任意の適切なベクター、例えばプラスミド上に担持することができる。本発明に有用なプラスミドは、複製および任意選択的に原核細胞、哺乳動物細胞、またはその両方における組み込みに適するように操作することができる。これらのプラスミド（または発現力セットを担持する他のベクター）は、真核生物および/または原核生物における発現力セットならびにこれらの系の選択マーカーの複製を可能にする配列を含有する。選択可能マーカーまたはレポーター遺伝子としては、とりわけ、カナマイシン、ジェネテシン、ハイグロマイシン、またはピューリマイシン（*puri mycin*）抵抗性をコードする配列を挙げることができる。プラスミドはまた、アンピシリン抵抗性など、細菌細胞中でベクターの存在を伝達するために使用できる特定の選択可能レポーターまたはマーカー遺伝子を含有することができる。プラスミドの他の成分としては、複製起点、およびエプスタインバーウイルス核抗原を使用するアンブリコンシステムなどのアンブリコンを挙げることができる。このアンブリコンシステムまたは他の同様のアンブリコン成分は、細胞中での高コピーのエピソーム複製を可能にする。好ましくは、発現力セットを担持する分子は、細胞にトランスフェクトされ、そこで一過性に存在することができる。あるいは、発現力セットは、染色体性にまたはエピソームとしてのいずれかで、宿主細胞のゲノムに安定に組み込まれてもよい。特定の実施形態では、発現力セットは、複数コピーで、任意選択的にヘッドトゥーヘッド、ヘッドトゥーテール、またはテールトゥーテールのコンカテマーで存在することができる。適切なトランスフェクション手法は公知であり、宿主細胞に発現力セットを送達するために容易に利用することができる。10

【0046】

一般に、トランスフェクションにより発現力セットを含むベクターを送達する場合、ベクターは、約5 μg～約100 μg DNA、約10 μg～約50 μg DNAの量で、約1 × 10⁴細胞～約1 × 10¹³細胞、または約1 × 10⁵細胞に送達される。しかしながら、宿主細胞に対するベクターDNAの相対量は、選択されたベクター、送達方法、および選択された宿主細胞などの因子を考慮に入れて調節することができる。20

【0047】

B. パッケージング宿主細胞

30

発現力セットに加えて、宿主細胞は、宿主細胞において本発明のAAVカプシドタンパク質の発現を駆動する配列、および発現力セットに見出されるAAV ITRの供給源と同じ供給源のrep配列または交差相補（cross-complementing）供給源のrep配列を含有する。パッケージング宿主細胞はまた、本発明のrAAVをパッケージングするためにヘルパー機能を必要とする。そのようなヘルパー機能は、当技術分野で周知であり、本明細書で繰り返されることはない。同様に、AAVカプシドを有する適切なベクターを作製する方法は公知である。[例えば、米国特許出願公開第2007/0036760号明細書を参照のこと]。

【0048】

本明細書に記載する発現力セットをコードするrAAVのコンストラクトは、生理学的に適合する担体に懸濁することができ、被験体に投与可能となる。一実施形態では、担体は、滅菌生理食塩水単独であるか、または任意選択的に、いくつかの緩衝液のうちのいずれかと一緒に滅菌生理食塩水（例えば、リン酸緩衝生理食塩水）である。他の代表的な担体としては、ラクトース、スクロース、リン酸カルシウム、ゼラチン、デキストラン、寒天、ペクチン、ゴマ油、および水が挙げられる。担体の選択により本発明が限定されることはない。40

【0049】

任意選択的に、本発明の組成物は、rAAVおよび担体に加えて、防腐剤または化学安定剤などの他の従来の医薬成分を含有することができる。一実施形態では、送達は静脈内送達を介するものである。しかしながら、さらに他の投与経路も選択することができる。50

代替的または追加的に、投与経路を、必要に応じて組み合わせてもよい。

【0050】

一実施形態では、本発明は、本明細書に記載するrAAVまたはrAAVの混合物を凍結乾燥形態で含有する凍結乾燥組成物を含む。任意選択的に、1つまたは複数の安定剤または防腐剤がこの組成物中に存在する。適切には、使用のために、凍結乾燥組成物は、適切な希釈剤、例えば、滅菌生理食塩水または緩衝食塩水で再構成される。

【0051】

ウイルスベクターの投薬量は、主として、治療される症状、患者の年齢、体重、および健康などの因子に依存することになり、したがって、患者間で変動し得る。例えば、ウイルスベクターの治療有効投薬量は、一般に、約 $3 \times 10^9 \sim 3 \times 10^{13}$ ゲノムウイルスベクター(粒子)/mL水性懸濁剤の濃度を含有する溶液の約0.1mL～約100mL、または約0.1mL～約10mL、または約0.1mL～約5mL、または約0.5mL～約1mLの範囲である。別の例示的な投薬量は、1kg当たり約 $3 \times 10^9 \sim 3 \times 10^{13}$ AAVゲノムである。1つの適切な容量は約1mLである。別の実施形態では、rAAVコンストラクトの治療有効用量は、約0.001ng～約1000mg/70kg動物の範囲であり、これは単回投与で送達しても、一連の2回以上にわたる投与で送達してもよい。他の適切な投薬量を決定してもよい。投薬量は、いかなる副作用に対しても治療効果とのバランスを取るように調節されることになり、そのような投薬量は、組換えベクターが使用される治療用途に応じて変動し得る。

【0052】

治療方法

本発明の組成物は、軽度から最も悪化したアナフィラキシーに及び得る、組換え酵素に対する免疫応答に関連した、酵素補充療法の合併症ならびに局所および全身感染などの一生涯の末梢性発症の合併症を回避する。さらに、ERTとは対照的に、本明細書の組成物は、長期間にわたる毎週の反復注射を必要としない。理論に拘束されることを望むものではないが、本明細書に記載する肝臓指向性の治療方法は、高い形質導入効率でベクターにより提供される効率的で長期間の遺伝子移入(これは血液脳関門を横断する治療レバレッジ(therapeutic leverage)を提供する、継続して高い循環IDUAレベルを提供することができるであろう)を実現することにより、MPSI障害に関連した中枢神経系表現型を修復するために有用であると考えられる。加えて、AAV肝臓遺伝子移入は、能動的な寛容性を惹起し、酵素に対する抗体産生を防止することができる。

【0053】

ムコ多糖症I型を治療する方法であって、本明細書に記載する治療有効量の改変hIDA発現力セットを送達することを含む方法を提供する。また、ハーラー症候群、ハーラー・シャイワル症候群、およびシャイワル症候群の症候を治療および/または寛解するための方法も提供する。

【0054】

一実施形態では、rAAVは静脈内送達される。

【0055】

別の実施形態では、rAAVは、約 $3 \times 10^9 \sim 3 \times 10^{12}$ の量で送達され、被験体に送達される。rAAVの単回投与は効果的であると予想されるが、肝臓は再生器官であるため、投与は反復されてもよい(例えば、年4回、年2回、年1回、または必要に応じて)。任意選択的に、治療有効量の初回用量を、被験体の年齢および注入に耐える能力を考慮して、注入時間を分割して送達してもよい。しかしながら、十分な治療用量を毎週反復注射することは必要ではなく、これは、快適さと治療アウトカムの両方の点から患者にとって利点となる。

【0056】

以下の実施例は、単なる例示であり、本明細書に記載する本発明を限定するものではない。

【実施例】

10

20

30

40

50

【0057】

実施例1 - 導入遺伝子およびベクター生成

機能的なヒト-L-イズロニダーゼをコードする改変ヌクレオチド配列を合成した。得られた配列は、ヒト発現に特によく適合しており、機能的なヒトIDUA遺伝子(*hIDUA*; Genbank NP000194.2)に対して約90%未満の同一性を有する。次いで、得られた導入遺伝子を、操作されたMuIおよびSalI部位を使用してUPenn Vector Coreから入手可能であるAAVベクター中にパッケージングするために必要なシスエレメントを含有するプラスミドに挿入した。遺伝子発現はヒトサイロキシン結合グロブリンにより駆動した(TBG, Hayashi Y, Mori Y, Janssen OE, et al. Human thyroxine-binding globulin gene: complete sequence and transcriptional regulation. Mol Endocrinol 1993; 7: 1049-1060)。図2に示す得られたプラスミドpENN-AAV.TBG.PI.hIDUA.RGBは、肝臓特異的TBGプロモーターを含む発現制御配列の制御下にある改変hIDUA遺伝子を含有する。このプラスミドはさらに、AAV2の5'ITR、アルファmic/bicエンハンサーの縦列反復、TBGプロモーター、Promegaイントロン配列、配列番号1の改変ヒトIDUA遺伝子、ウサギグロビンポリA、およびAAV2-3'ITRを含有する。

【0058】

大規模ベクター調製は、基本的に、Lock et al. [Rapid, simple, and versatile manufacturing of recombinant adeno-associated viral vectors at scale. Hum Gene Ther 21(10): 1259-1271. (2010)]によって記載されるように行った。PEIベースのトランスフェクションは、75%コンフルエントの単層HEK293細胞を含有する、10層の細胞スタックで行った。細胞スタックからの10Lのフィードストック培地を澄明にした後、接線フロー濾過により濃縮した。濃縮した澄明フィードストックを、イオジキサノール(Optiprep; Sigma Chemical Co., St Louis, MO)勾配上で精製した。可視の夾雜タンパク質バンドの直下にあるすべての分画を回収し、プールした。プールした分画を、Amicon Ultra 15スピン濃縮器(Millipore)を使用して、PBS/35mM NaClに対してダイアフィルトレートして濃縮した。ダイアフィルトレートして濃縮した生成物にグリセロールを最終5%になるまで加え、この調製物を小分けして-80に保存した。得られたベクターは、本明細書では、AAV8.TBG.hIDUAまたはAAV2/8.TBG.hIDUAと称される。特定の場所では、組換えAAV粒子は、AAV8.TBG.hIDUAcまたはAAV2/8.TBG.hIDUAcと呼ばれる。このプラスミドはさらに、AAV2の5'ITR、アルファmic/bicエンハンサーの縦列反復、TBGプロモーター、Promegaイントロン配列、配列番号1の改変ヒトIDUA遺伝子、ウサギグロビンポリA、およびAAV2-3'ITRを含有する。

【0059】

実施例2 - A. 細胞ベースのアッセイ

HEK 293細胞は、5%ウシ胎児血清(FBS; XXX)、1%ペニシリン/ストレプトマイシン(p/s; Life Technologies(商標))含有ダルベッコ変法イーグル培地(DMEM; Gibco(登録商標)、Life Technologies(商標))を含有する増殖培地で維持した。プラスミドDNAトランスフェクションは、製造業者の推奨に従い、Lipofectamine(商標)2000(Invitrogen(商標)、Life Technologies(商標))を使用して行った。手短に言えば、トランスフェクション培地(DMEM+5%FBS、p/sなし)中、6ウェル組織培養ディッシュに 5×10^5 細胞/ウェルの密度で、細胞を播種し、5%CO₂中、37で一晩付着させた。翌日、90~95%コンフルエントであるか細胞

をチェックし、培地をリフレッシュした。プラスミドDNAおよびLipofectamine (商標) 2000を、最終的な比が1:2.5 (DNA:Lipofectamine 2000) になるようにOpti-MEM I (登録商標) Reduced Serum Medium (無血清) で希釈した。Lipofectamine (商標) 2000トランスフェクション溶液を22で5分間インキュベートした後、DNA溶液と混合した。DNA:Lipofectamine (商標) 2000溶液を含有する、この最終的なトランスフェクション混合物を、20分間(22)さらにインキュベートした後、細胞および培地を含有するウェルに加えた。プラスミドDNAを受容せずかつeGFPをコードするプラスミドを受容したmock細胞を、トランスフェクション対照として使用した。試験する各コンストラクトについて、3つのウェルにトランスフェクトした。細胞を5%CO₂中、37でインキュベートし、4時間後に、培地を増殖培地に置き換えた。各ウェルの内容物を72時間後に回収し、4で15分間、4000 rpmで収集した。100 μl / ウェル溶解緩衝液(0.2% Triton X-100、0.9% NaCl、pH 4.0)に細胞を再懸濁し、ボルテックスすると共に凍結/解凍を3回行った。さらに、ベンゾナーゼで溶解物を37で30分間処理した後、最終的な凍結/解凍を行った。10000 rpm(4)で10分間、細胞片をペレット化し、最終的に透明にした細胞溶解物を氷上に置き、直ちに酵素活性についてアッセイした。

【0060】

B. 組織溶解およびタンパク質抽出

凍結した組織を、1層のドライアイス上、ボックス内で半解凍し、小断片の湿った組織を小ペトリ皿に切り分けた(約20mg、脾臓について約10mg)。次いで、1mlの溶解緩衝液(0.2% Triton X-100、0.9% NaCl、pH 4.0)および5mmの鋼ビーズを入れた2mlのエッペンドルフ中に、前処理した組織を沈めた。試料をtissue-lyzer上、30Hzで2分間ホモジナイズした。ホモジナイズした試料を、6000 rpmで30秒間、短く回転させ、5mmの鋼ビーズを除去した。組織溶解物をさらに、直径1~1/16インチのマイクロホーン(microhorn)を使用する超音波処理により破壊し、-80で一晩凍結した。翌日、処理した試料を22で解凍し、遠心分離(10000 rpm / 10分間 / 4)により透明にした。脳からの浮遊脂質層または他の脂肪組織をアッセイ前に吸引した。次いで、試料を湿った氷上に用意し、直ちに酵素活性についてアッセイした。

【0061】

C. タンパク質評価

総タンパク質を、製造業者のプロトコールに従い、CoomassieベースのBradfordアッセイ(Thermo Scientific)を使用して評価した。手短に言えば、1~25 μg / mlの評価範囲になるように、ウシ血清アルブミン(BSA)を使用して標準曲線を作成し、BSA不含タンパク質緩衝液をプランクとした。試料を、96ウェル平底ディッシュ中で、1/300~1/1200まで2倍希釈し、希釈タンパク質:Bradford試薬を1:1の比で混合した。試料を22で15分間平衡化し、プレートリーダー上、推奨波長595 nmで吸光度を収集した。プランク補正した標準曲線を使用して、生の数値をμg / ml濃度に変換した。次いで、マイクログラム量を変換して、ミリグラム単位で報告した。

【0062】

D. 酵素活性アッセイ

IDUA酵素活性は、以前に公表された方法[Kakkis et al., Mol Genet Metab, 2001 Mar; 72(3): 199-208]に従い、4-メチルウンベリフェリル-L-イドピラノシドウロン酸、シクロヘキシリアンモニウム塩(4-MU-Ido; Toronto Research Chemicals, Inc.)を基質として使用してアッセイした。手短に言えば、溶解物または血清5~15 μlを再蒸留水(ddH₂O)で100 μlに合わせ、反応緩衝液(0.1M酢酸ナトリウムpH 3.5、0.15M NaCl、0.05% Triton X-100)で希釈

10

20

30

40

50

した $100\mu\text{l}$ 4-MU-Ido 基質 $100\mu\text{l}$ をアクリル酸メチルキュベット (Thermo Scientific) 中で混合した。反応物を 37 水浴中で 1~3 時間インキュベートし、1 倍停止緩衝液 (290 mM グリシン、180 mM 炭酸ナトリウム、pH 10.5) で終了させた。生成物を、Quantifluor (商標) - ST 上、UV チャネル (Ex 365 nm, Em 440~470 nm) により読み取った。蛍光の生数値を記録し、既知量の 4-メチルウンベリフェロン (M-5410; Biosynth (登録商標)) の標準曲線を使用して、nmol/ml/時に変換した。細胞および組織の溶解物をタンパク質評価値に規準化した (nmol/mg/時; 「タンパク質評価」と題する方法の項を参照のこと)。

【0063】

10

E. DNA 抽出およびゲノムコピー分析

二倍体細胞におけるベクター-DNA 負荷を決定するために、Taqman PCR を使用した。リアルタイム PCR によるベクターゲノムの検出および定量のために、QIAamp DNA Mini Kit (Qiagen, Valencia, CA, USA) を使用して、全細胞 DNA を組織から抽出した。プライマーおよびプローブのセットを、以下の配列；順方向：GCCAAAAATTATGGGGACAT、逆方向：ATTCCAACACACTATTGCAATG、プローブ：6FAM-ATGAAGCCCTTGAGCATCTGACTCT-TAMRA を使用して、ベクターの nRBG ポリ A 領域を標的化するように設計した。ベクターゲノム定量のための標準曲線は、対応するベクターの生成に使用したシスプラスミドで確立した。PCR は、鑄型として 200 ng の全細胞 DNA、300 nM のプライマー、および 200 nM のプローブをそれぞれ含む、TaqMan Universal PCR Master Mix (Applied Biosystems, Foster City, CA, USA) で行った。サイクルは、50 で 2 分間、95 で 10 分間、95 で 15 秒間の 40 サイクル、および 60 で 1 分間とした。

20

【0064】

F. 免疫プロッティング

免疫プロッティングは標準的方法により行った。手短に言えば、NuPAGE ゲルシステム (Life Technologies)、4~12% bis-tris ゲルを使用した。20V で 30 分間後に、PVDF メンブレンへの転写を行った。ブロックは T-PBS 中の 10% NFDM (一晩) であった。一次 MAb はマウス抗ヒト IDUA 1:300 (1.5 時間) ; T-PBS 中の 1% NFDM であった。二次：HRP 連結ウサギ抗マウス 1:3000 (1 時間) ; T-PBS 中の 1% NFDM。検出は、SuperSignal West Dura Chemiluminescent Substrate (Thermo Scientific) により、X 線フィルム上の 30 秒間露出を行った。

30

【0065】

実施例 3 - マウスおよびイヌにおける in vivo 試験

IDUA 欠損はイヌで見出され得るものであり、これにより、大動物における疾患および治療の試験が可能になる。MPS I イヌは、IDUA 遺伝子の劣性 (ヌル) 突然変異を担持しており、イントロン 1 のドナースプライス部位における G > A 突然変異により、エキソンイントロンジャンクションにおける中途での終止コドンが生成される [Menon, K.P., P.T.Tieu, and E.F.Neufeld, Architecture of the canine IDUA gene and mutation underlying canine mucopolysaccharidoses I. Genomics, 1992.14(3): p. 763-8.]。イヌにおける疾患過程はハーラー-シャイエ症候群に類似しており、疾患症状には、胸変形を含む顕著な骨疾患が含まれる。

40

【0066】

尿中 GAG 分析は、臨床環境における MPS I に対する治療効力を判定するために使

50

用される生化学マーカーである。

【0067】

グリコサミノグリカン (GAG) の蓄積を、パラフィン切片のアルシアンブルー (pH 1) 染色により主要な器官で評価した。細胞内のプロセシングされていない GAG の蓄積は、トルイジンブルーで染色された、プラスチック包埋組織からの 1 μm 薄切片上で特によく可視化される。トルイジンブルーで染色された、エポン包埋組織の薄切片 (1 μm)。これにより、貯蔵物質を含有する細胞 (「泡状スponジ細胞」) が示される。

【0068】

脳において、ガングリオシド GM3 に対する抗体を用いて免疫組織化学を行った。ニューロン中に GM3 の異常な貯蔵が示される。イヌでは皮質を評価し、マウスでは皮質および視床下部を評価した。肝臓におけるヒト IDUA の発現を免疫蛍光法により評価した。
10

【0069】

A. マウス試験

実施例 1 に記載するように、AAV8.TBG. 改変 hIDUA を調製した。マウス (約 3 か月) に、約 1×10^{11} GC、 3×10^{10} GC、 3×10^9 GC、 1×10^9 GC の用量で静脈内注射し、注射約 2 週間後に評価した。

【0070】

結果から、 1×10^{11} 、 3×10^{10} 、および 3×10^9 を投与した動物では、GAG 染色が減少または完全に欠如していることがわかった。これらの動物では、貯蔵病変の減少または完全な欠如が、薄切片で観察された。
20

【0071】

1×10^9 GAG を投与した動物では、貯蔵は無処置のマウスと多かれ少なかれ同じように見え、貯蔵病変も無処置のマウスと多かれ少なかれ同じように見えた。

【0072】

GM3 貯蔵については、 1×10^{11} GC および 3×10^{10} GC を投与した動物のみを評価し、ニューロン中の GM3 貯蔵の若干の改善が観察された。

【0073】

IDUA の強力な発現 (肝細胞の 100%) が 1×10^{11} GC を投与した動物で観察された。これは低用量になると低減し、 1×10^9 GC ではほんのわずかな陽性肝細胞しか見えなかった。
30

【0074】

B. イヌ試験

実施例 1 に記載するように、AAV8.TBG. 改変 hIDUA を調製した。イヌ (約 8 か月齢) に、 1×10^{11} GC の用量を静脈内注射し、注射 4 か月後 (すなわち 1 歳) に評価した。

【0075】

この試験では、貯蔵病変の回復が示される。より具体的には、すべての主要器官における GAG 貯蔵の実質的に完全なクリアランスがアルシアンブルー染色によって認められる。心臓、腎臓、または肝臓の薄切片では貯蔵病変が観察されない。GM3 蓄積の低下または完全なクリアランスがニューロンで観察される。肝臓における IDUA の発現は、肝細胞の 95% 超で免疫蛍光法により観察される。
40

【0076】

実施例 4 - AAV2/8.TBG.hIDUA によるハーラー - シャイ工の治療

IDUA の AAV8 媒介遺伝子移入を、ハーラー - シャイ工患者で評価する。被験体は、末梢静脈へのベクターの単回注入を受けることになる。これは、前臨床データに基づくと、正常な患者で得られるものに近いレベルで酵素の安定な産生をもたらすはずである。この試験は、種々の用量のベクター、例えば 3×10^{11} GC / kg ; 1×10^{12} GC / kg ; 3×10^{12} GC / kg を含み得、用量範囲を加えてもよい。最も非侵襲性の効力評価は、この疾患で上昇し、ERT 後に部分的に修復する尿中 GAG レベルである。導入遺伝子生着およびその発現レベルを、血清 IDUA を測定することにより判定する。尿中 GAG
50

はまた遺伝子療法の前後にも測定する。

【0077】

配列表フリーテキスト

以下の情報が、数値識別子 <223> の下でフリーテキストを含む配列に対して提供される。

【0078】

【表1】

配列番号 (フリーテキストを含む)	<223>下のフリーテキスト
----------------------	----------------

10

【0079】

【表2】

配列番号 (フリーtekストを含む)	<223>下のフリーtekスト	
配列番号3	<220> <221> 反復_領域 <222> (1) .. (130) <223> 5' ITR <220> <221> エンハンサー <222> (221) .. (320) <223> アルファmic/bik <220> <221> エンハンサー <222> (327) .. (426) <223> アルファmic/bik <220> <221> プロモーター <222> (442) .. (901) <223> TBGプロモーター	10
		20
	<220> <221> TATA_シグナル <222> (885) .. (888) <220> <221> イントロン <222> (1027) .. (1159) <223> イントロン1	
	<220> <221> CDS <222> (1251) .. (3212) <223> ヒトα-L-IDUE	30
	<220> <221> ポリA_シグナル <222> (3261) .. (3387)	
	<220> <221> 反復_領域 <222> (3476) .. (3605) <223> 3'ITR(相補鎖上に位置)	
	<220> <221> rep_起点	40

【0080】

【表3】

配列番号 (フリー テキストを含む)	<p><223> 下のフリー テキスト</p> <p><222> (3782) .. (4220) <223> f1\ori(相補鎖上に位置)</p> <p><220> <221> rep_起点 <222> (4249) .. (4891) <223> pUC\複製起点\</p> <p><220> <221> misc_特徴 <222> (5566) .. (6381) <223> カナマイシン抵抗性 相補鎖上に位置</p>	10
		20

【0081】

「Z 6 6 2 2 P C T _ S T 2 5 . t x t」と標識の付いた配列表は、電子形態で本明細書と共に提出されている。この配列表は、参照により本明細書に組み込まれる。2013年3月15日に出願された優先権出願米国特許出願第61/788,724号明細書を含む、本出願に引用されるすべての刊行物、特許、および特許出願は、それぞれ個々の刊行物または特許出願が参照により組み込まれるように具体的かつ個々に指示されているかのように、その内容全体が参照により本明細書に組み込まれる。前述の発明は、理解が明瞭になるように、例示および実施例によってある程度詳細に記載されているが、特定の変更形態および改変形態が、添付の特許請求の範囲の趣旨または範囲から逸脱することなく、それらになされ得ることは、本発明の教示に照らして、当業者には容易に明らかであろう。

【図1A】

【図1B】

図 1A

pENN.AAV.TBG.PI. 6863 bp DNA 環狀

```

特徵 位置\修飾子
misc_構造 相補鎖(5566..6381)
              /vntifkey="86"
              /label=Kan-r
rep_起点 4249..4891
           /vntifkey="33"
           /label=pUC\origin\of\replication
プロモーター 442..901
             /vntifkey="29"
             /label=TBG
TATA_シグナル 885..888
               /vntifkey="41"
               /label=TATA
エンハンサー 221..320
             /vntifkey="9"
             /label=Alpha\mhc\bik
エンハンサー 327..426
             /vntifkey="9"
             /label=Alpha\mhc\bik
イントロン 1027..1159
             /vntifkey="15"
             /label=Intron_1
             /notes="chimeric intron"
ポリA_シグナル 3261..3387
               /vntifkey="25"
               /label=Rabbit\globin\poly\A
反復_領域 1..130
             /vntifkey="34"
             /label=5'\ISTR
反復_領域 相補鎖(3476..3605)
             /vntifkey="34"
             /label=3'\ISTR
rep_起点 相補鎖(3782..4220)
             /vntifkey="33"
             /label=f1\ori
CDS 1251..3212
      /vntifkey="4"
      /label=Human\alpha-L-IDUA

```

【図1C】

【 図 1 D 】

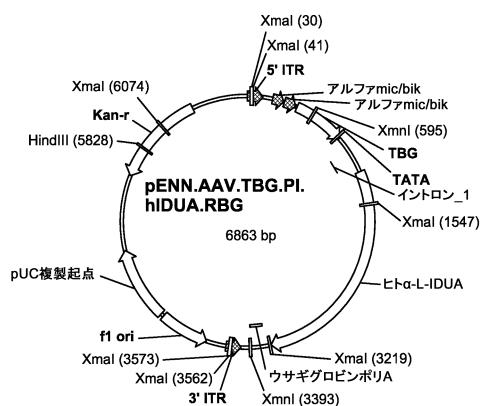
1C

2821 tgaccgttgc ggcctccatgg acgtacgtca tggttcgttg gtggacaaatc tgccggccagc
2822 cccgaaaggcc tcccggccatgg ggacaaatggc tgaaatggcc ctggccatccg aaggccggcc
2941 ttgtgtcgctt gggggccatgg caaacggccgg ccggccatccccc tgccgtttccg ctggccggcc
3001 agtttgcpcga gggccggccatgg cccatccccc tgccgtttccg aaatggccggcc acctttcaacc
3062 tggttcgttg cggccggccatgg acaggccggcc tggtccggcc ttatagaaatgg cggccggcc
3121 actactgggg cggacccggcc ctgtttccatgg acggccggcc acggccggcc ttatccatgg
3184 ttatggggcc cccatggccggc acggccggcc ttatccatgg gatgtccggc gggggccggcc
3241 tggaaatggcc cttatggccggc acggccggcc ttatccatgg gatgtccggc gggggccggcc
3301 agccccccggc gatccatggc ttatccatgg aaaaatggcc tattttccatgg gaaatgtgg
3361 ttgttgcattt ttttgtgttc tcacccggcc gaaatccgtl gatcgttggat ttccggccacc
3421 atataatccca ttaaccctggat ggaaatggatc tgatggccggcc taatccatggat tcacccggaa
3481 cccctttatgg ttttgtgttc cttatccccc tgccgtttccg ctggccggcc ttatccatgg
3541 cggacccaaaatgg tggccggccgg cccggccgttt tgccggccggcc ctggccggcc tgccggccgg
3601 cggccgttca atataatccca tttatccccc tgccgtttccg gttgttttac acggccgttca cttccggcc
3661 ctccgggtttt cccatggccatgg tgccgtttccg acggccgttca cttccggcc
3721 acggccgggg cccatggccatgg tgccgtttccg acggccgttca cttccggcc
3781 acggccggggc tgatggccggcc attagccggc gggtgggtgggg tgatggccggcc ctggccggcc
3848 gtatggccggcc tttatccccc tgccgtttccg acggccgttca cttccggcc
3901 ttatcccccggc gttttcccccggc cccatggccatgg tgatggccggcc ctggccggcc
3961 aggttttttttcc cccatggccatgg ttatcccccggc tgatggccggcc ctggccggcc
4021 ccatccggccctt adatggccatgg tttttcccccggc ttatccatgg gatgtccggcc
4081 ggatgttttttcc tccatggccatgg aaaaaacacttcc acggccgttca cttccggcc
4141 taagggttttttcc tggccatgg tttttcccccggc tttttatggatgg atggccgttca aaaaaatgg
4201 aaccggccatgg tttttatggatgg tgatggccatgg aaaaaacacttcc acggccgttca cttccggcc
4262 aaggccgggtt tttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca cttccggcc
4321 ccggccatgg tttttatggatgg tgatggccatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
4381 ctggccatgg tttttatggatgg tgatggccatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
4441 ggtttttttcc tttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatgg
4501 tgggtttttcc tttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatgg
4561 cggccgtttcc tttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatgg
4621 ccacttggatgg cggccatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
4681 ggtttttcc tttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
4741 gtccgttgcg aaccgttgcg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
4801 accggccgttcc tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
4861 ggtttttcc tttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
4922 ttatccatgg gttttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
4981 ttatccatgg gttttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
5041 ttatccatgg gttttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
5101 ttatccatgg gttttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
5161 aaaaatggatgg tttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
5221 aaccggccatgg acggccgttca aaaaaatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
5282 gttgtttttcc tttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
5341 caatccggccatgg aaccggccatgg tttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
5401 ttgtgtttttcc gttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
5461 tcgtttttcc tttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
5521 cggccgtttcc tttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
5581 gggccatggccatgg tttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca
5641 aaccggccatgg tttttatggatgg tgatggccatgg tttttatggatgg acggccgttca aaaaaatggatgg acggccgttca

図 1B

図 1D

【図2】



【配列表】

0006591956000001.app

フロントページの続き

(51)Int.Cl.

F I

A 6 1 P	43/00	(2006.01)	A 6 1 P	43/00	1 1 1
C 1 2 N	9/24	(2006.01)	C 1 2 N	9/24	

(72)発明者 ガーダ , ブリトニー・エル

アメリカ合衆国ペンシルベニア州 19426 カレツジビル・クリーベルミルロード 1152

審査官 高山 敏充

(56)参考文献 特表2002-514429 (JP, A)

国際公開第2011/154520 (WO, A1)

Molecular Therapy, 2004年, Vol. 9, No. 6, pp.866-875

Human Molecular Genetics, 2006年, Vol. 15, No. 7, pp.1225-1236

(58)調査した分野(Int.Cl., DB名)

C 1 2 N

J S T P l u s / J M E D P l u s / J S T 7 5 8 0 (J D r e a m I I I)

C A p l u s / M E D L I N E / E M B A S E / B I O S I S / W P I D S (S T N)

G e n B a n k / E M B L / D D B J / G e n e S e q

U n i P r o t / G e n e S e q